

IDENTIFICATION

Species: *Carica papaya*

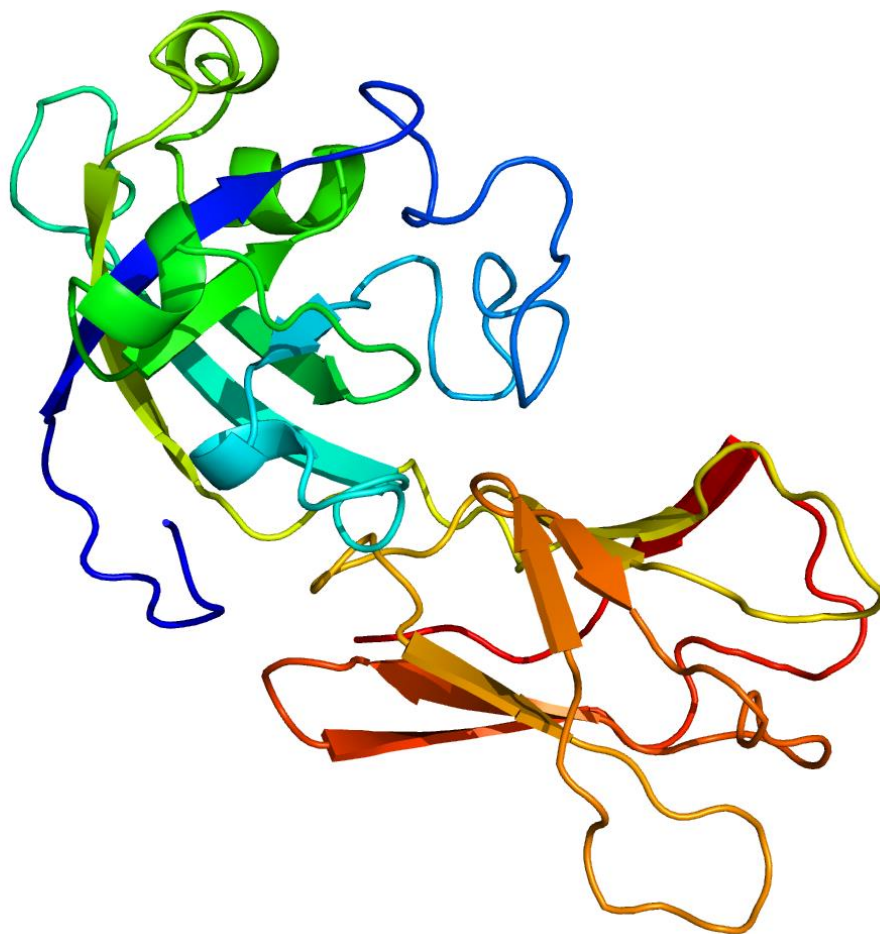
Locus: evm.model.supercontig_34.142

Gene Model: evm.model.supercontig_34.142

Description: CpEXPB-01

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cpapaya_ASGPBv0_4

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05151>

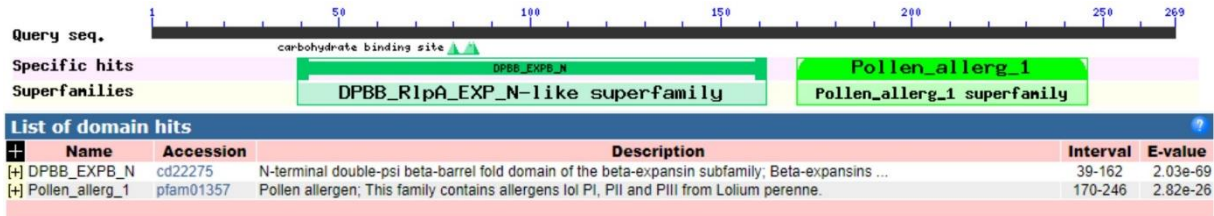
EXTERNAL RESOURCES

<http://asgpb.mhpcc.hawaii.edu/papaya/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CpEXPB-01

MQRRGGSGLAFGLWVMVLLEFVTAAVMSAEVARHLDLHWLPATATWYGSPEGDG
SDGGACGYGSMVDVRPMPRARVGA VSPVLFKDGEGCGACYKVR CNDRSICSRRAVTI
IVTDECPGGYCANGRSHFDLSGAAFGR LAITGEGGQLRNRGEIPVVYRRTPCKYPGR
NIAFHVNEGSTDYWLSILVEFEDGDGDV GSMHIREAGSSEWLEMKHLWGANWCIIR
GPLRGPFSVKLTTLSTGETLSARDVIPRNWSPKATYPSRLNFFHY*

CDS (coding sequence)

>CpEXPB-01

ATGCAGCGTCGTGGCGGGTCTGGCATTCTGGGTTGTGGGTGATGGTTTTGT
TGGAGTTCGTGACTGCGGCGGTGATGTTCGGCGGAGGTGGCACGTCATTTGGACCT
ACATTGGCTCCCCGCCACCGCTACCTGGTACGGTAGTCCCGAAGGTGACGGCAGT
GACGGGGGTGCGTGC GGGTACGGATCGATGGTGGATGTTCTGGCCGATGAGAGCT
CGAGTAGGAGCGGTGAGTCCGGTGCTGTTCAAGGACGGAGAAGGGTGTGGAGCG
TGCTACAAGTTCTGTTGTAATGATAGGAGTATTTGCTCGAGGAGGGCGGTGACGA
TCATTGTGACGGACGAGTGTCCTGGTGGATACTGCGCTAATGGCCGGTCTCATT
CGACCTGAGCGGCGCAGCTTTCGGTCTGGTGGCGATCACCGCGAAGGTGGTCAG
CTCCGAAACCGAGGCGAGATCCCTGTCGTTTATAGACGGACGCCATGTAAGTATC
CAGGGAGGAATATTGCATTCCATGTAAACGAAGGTTCCACAGATTACTGGCTTTC
AATTCTCGTGGAATTTGAAGATGGAGATGGGGATGTTGGGTCAATGCATATAAGG
GAAGCAGGGTCAAGTGAGTGGTTAGAGATGAAGCATCTATGGGGAGCAA ACTGG
TGCATAATTAGGGGACCTTTAAGGGGGCCATTCTCTGTGAAGCTAACAACTAT
CCACAGGAGAAACTCTCTGCAAGGGATGTTATCCCAAGAAATTGGTCTCCAAA
AGCTACTTACCCCTCTCGCCTTAATTTCTTCCACTATTAA

Nucleotide

>CpEXPB-01

ATGCAGCGTCGTGGCGGGTCTGGCATTCTGGGTTGTGGGTGATGGTTTTGT
TGGAGTTCGTGACTGCGGCGGTGATGTTCGGCGGAGGTGGCACGTCATTTGGACCT

ACATTGGCTCCCCGCCACCGCTACCTGGTACGGTAGTCCCGAAGGTGACGGCAGT
GACGGTAAGTTAATTAACCTCCCGCAGCTCATTTCATGTTTATGGTGCTTGAGTGAG
TTGCGAGTGAAATAGTACAGAGTTTTGCTGAGTCAACTCAGTACTGAGTAATTGA
CTCTGGCGGTGAGCAGGGGGTGCCTGCGGGTACGGATCGATGGTGGATGTTCCG
CCGATGAGAGCTCGAGTAGGAGCGGTGAGTCCGGTGCTGTTCAAGGACGGAGAA
GGGTGTGGAGCGTGCTACAAGGTTTCGTTGTAATGATAGGAGTATTTGCTCGAGGA
GGGCGGTGACGATCATTGTGACGGACGAGTGCCTGGTGGATACTGCGCTAATGG
CCGGTCTCATTTCGACCTGAGCGGGCGCAGCTTTCGGTCCGGTTGGCGATCACCGGC
GAAGGTGGTCAGCTCCGAAACCGAGGGCGAGATCCCTGTCGTTTATAGACGGTAAT
GCTCTGTCTACTACTCTGCTTTTTCTTCTTTTTTTTTCTTTTTCTTCAATTTCTTTTTAT
AATTTAAATAATTAATAATATATATATATATATATATATATTAATTTAATGACATTTT
TAGGATATTTAAATTATTACCCATGTTAAATTTTGTTGGTTTTGGTAATTATATGG
GTTGACCGTTGACTGATATGAATCGAAATTGTATATCTATAGGACGCCATGTAAG
TATCCAGGGAGGAATATTGCATTCCATGTAAACGAAGGTTCCACAGATTACTGGC
TTTCAATTCTCGTGGAATTTGAAGATGGAGATGGGGATGTTGGGTCAATGCATAT
AAGGAAGTAAGTATTTTTCTCTTTCTAAACTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT
CTCTCTCTATACATATATATATTTCCATATTTATCAACCTTTTTAAGCTTTACTTCT
TATTTTAAAAAAAATATATATATATAGAAATATATATTTTGCATGCACATTAATT
ATAATACAATTTTTATTACAAAATACATAAAAATTTACAATTTAATTCTAGTAAA
TTAAATTATTTTTTTTCAAAAAAATACATATATATCAATCATCATATTAATAATAG
ATATAATCTTTAAGTTGATCACACCGATAGAAATATAATATAACTTAAATGATAA
TATTTTATTTCAATAATATAATGAAACCATGAACTTTTAAAAGACACCTATAGCT
AGTTGATGAAGAACCCTTTTGTTAATAGTTAACTTCTTTTTCTCAAACCTTTGATAAC
CAAATCAAAGTTAAAGTAAGAGAAGATTGAACTCTTTACATTAGAACCTTTACTT
TATACAGTATTATATATATATGTATATATATATATATATATATATATACATATAGAGG
AGAGAAGAATATGGTTTGGAAGTTTTATAAAAATCTTTATTCTGTGTTGGGTGTGTA
AGAATATTATTTGTTTCATGCATTCTCATTGATGAGATGCATCATGTTAGTTGAAAA
AAAGCTGCTTGCTTTTTCTCAAACCTTTTACATGAAAAGTGATGCTCAAACAGTGCT
TGCTTAAGAAACAGAGATTAATAATCAAAGAAGCACCCATTCCCTGAAAAGTACT
TACTAATTTTTTTTTACCATACAAGCAGCTTTTCATGGTATAATTAGAAATTATGG
AATTCAAACTATTGGGAACACCTCATACGGACAAACCCATTTTCAGTTTTTTTTCT
TCTTGAGGTTAAAT
TGCCAATGTGTTCTGTGTTTAAAAGCACTTTTCTGCCTGCTCTTTTACTCTCCCTC
CTTTATATTCAACCATCTTCTTTCTTCATTGCATGTGAGAGAGGAGGGGGCCACTC
TTGCAAAAGTCTCCTTCATTGGTCTGCCCAACTTATATAATATATATATATATAT
ATATATAGTTTTGGTGTATCTCAAGTTACAAATCAAATTCATTTTTTGACCCACCA
CCAATCTGGTTAATGCAGATCCACATGTTTCCACTCTCCTCTAAGATACTCTAAA
ATACCCATGTCCCCCTTCTCTTTTTCCCTCTTTTAATACCTTGCTTTTTCTCTTTCT
TTCTTTCTTTCTTTCTTTTTTTCTTCATGTACATTTTCTTCTTTTGACTAAAAAAGCAA
ATTGAACAGTTGGAAGAGAACATCACAAACCTAGAAATAGAACTACTTTTTAGAT
CATTATGTGTTTTTAATTTCAAAGATTATGTCTCTTATTTACTTTCTTCTTTGTT
ATACATGTACATTTGATTGGTACAAAAAATTTATATATTTTCGTTAATTACGTTAC
ACATATACATTAATCATTATACAGATCATTTAATTTAAAAGACTTTACCGATATA
GTTCTAAACGTTTTGTTAGTTAACACATAGACATTGATTGTACATTTTATAAATTA
GTTGGTACGTACGTTGGATACTAATTACCACACAACCTTTATAATAAGAAAACGCA
CGCGTCGATTTAAAATCGTAACTTTTTAGAAAGTACCAATCATTCATTTTTTTTTTT
ACCCATGACTAGTTCTGGGTTATTGTATTGAAAGTGACTTATAATTTGATTGGTA

GAGTAGTTTTGTGATTTTAAATATGGGTTTTTTTACTGCTGGGTATTGGCAGGCAG
GGTCAAGTGAGTGGTTAGAGATGAAGCATCTATGGGGAGCAAACCTGGTGCATAA
TTAGGGGACCTTTAAGGGGGCCATTCTCTGTGAAGCTAACAACTATCCACAGG
AGAAACACTCTCTGCAAGGGATGTTATCCCAAGAAATTGGTCTCCAAAAGCTACT
TACCCCTCTCGCCTTAATTTCTTCCACTATTAA