

IDENTIFICATION

Species: *Oryza sativa*

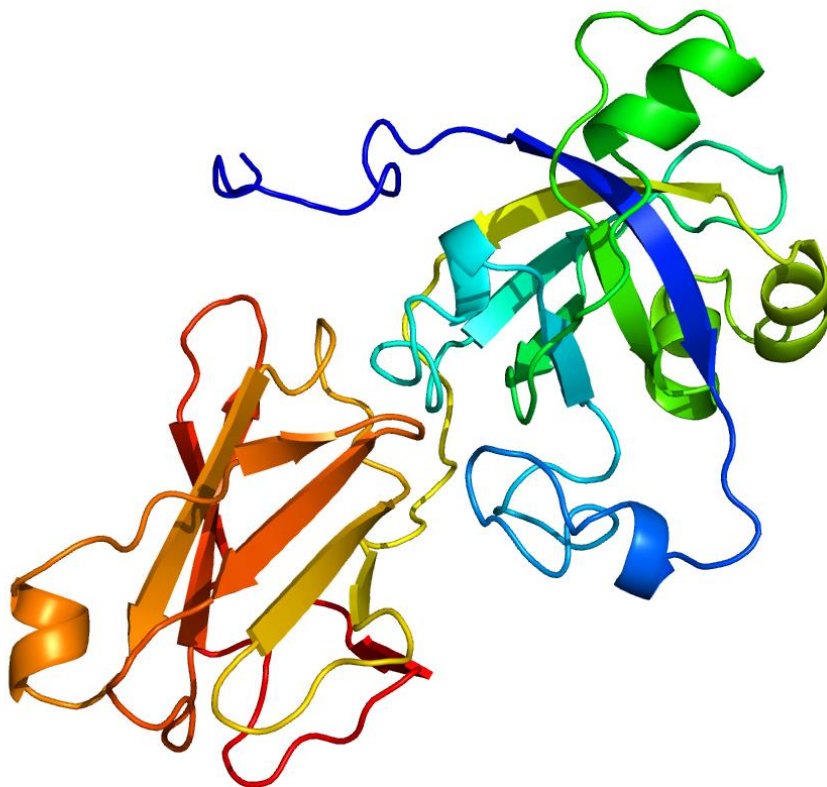
Locus: LOC_Os03g44290

Gene Model: LOC_Os03g44290.1

Description: OstEXPB-11

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

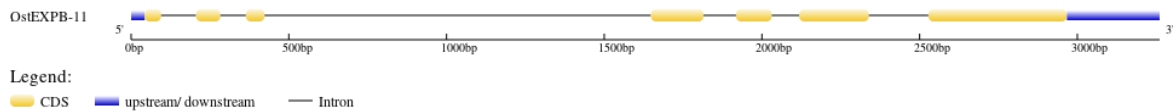
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Osativa_v7_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01015>

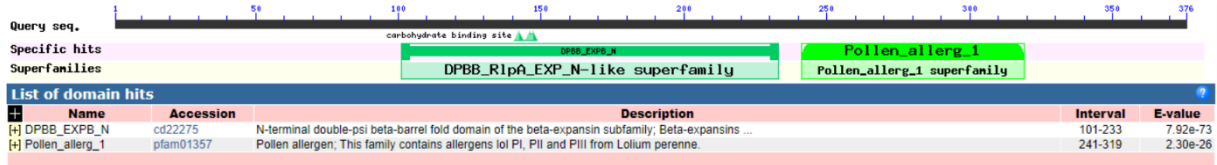
EXTERNAL RESOURCES

<http://rice.uga.edu/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>OstEXPB-11

MPAAAPRVASAASGSASATRGVRVARDKSGGGKLEERTAVAVAVKVVVDPQRLR
MAAFEPHRVQHMASRLQLLYFIAITVLASVFQPCTSIELHRELSGWSNGIATWYGDPN
GAGSEGGACGYQYAVDQPPFSSRIAAGSPYIYDSGKGCSCYRVVCAGNEACSGIPV
TVVITDQGPGGPCLEELVDGQCMNEAAHFDMSGTAFGAMARPGQADQLRGAGLLQI
QYTRVECEWTGVGLTFVVDSGSNPNYLALLVEYDDNDSLAAVDIMPIGAGASGSW
IPMQQSWGAVWRLNSGSALQGPFSVRLTFSSGQMFVASNAIPAGWNPGMAYQPGGV
AMRVRGRNGGRRGYEAVGMLGGLCHLLLLLLLLMLFEL*

CDS (coding sequence)

>OstEXPB-11

ATGCCGGCCGCGCCCTCGCGTGGCCTCTGCCGCCTCCGGATCCGCCTCAGCGA
CGAGGGGCGTGCGGGTGGCGAGGGACAAAAGCGGCGGAGGGAAGCTGGAGGAG
CGGACGGCCGTTGCAGTTGCAGTGAAGGTGGTGGTGGTGGATCCGCAGCGCCTGC
GCATGGCGGCCTTCGAGCCCCATCGAGTGCAGCACATGGCTTCCAGGCTTCAGCT
CTTGTACTIONCATTGCCATTACAGTGCTCGCTTCGGTGTTC AACCTTGCACGTCCA
TTGAGCTCCACCGTGAGCTCTCTGGCTGGTTCGAATGGCATTGCTACATGGTATGG
CGATCCTAATGGTGCAGGAAGTGAAGGCGGTGCATGTGGGTACCAGTATGCTGTT
GACCAGCCACCGTTCTCATCCAGGATTGCTGCTGGTAGCCCCTACATCTATGACTC
TGGCAAGGGATGTGGTTCGTGCTACCGGGTGGTGTGTGCTGGTAATGAAGCTTGC
TCTGGTATCCCTGTAACCGTTGTCATCACTGACCAGGGGCCTGGTGGCCCATGCTT
GGAAGAGCTAGTCGATGGTCAATGCATGAATGAAGCAGCTCACTTTGACATGAG
CGGGACAGCATTCCGGTGCCATGGCGAGGCCTGGCCAGGCTGATCAACTCCGTGGT
GCTGGCCTCCTCCAAATTCAGTACACCCGTGTGGAGTGTGAATGGACTGGAGTAG
GGCTAACCTTTGTCGTGGACTCTGGCTCCAACCCGA ACTACCTGGCCCTGCTGGT
GGAGTACGATGACAACGACAGTGACCTTGCGGCTGTCGACATCATGCCGATTGGT
GCTGGTGTTCGGGGTCATGGATTCCGATGCAGCAGTCATGGGGCGCAGTGTGGA
GGCTAACCTCCGGCTCCGCCCTGCAGGGCCCGTTCTCCGTCCGCCTGACGTTTCA
CTCCGGCCAGATGTTTGTGTCAGCAACGCCATAACCGGCAGGGTGGAAACCCCGGC
ATGGCGTACCAGCCCGGCGGAGTGGCGATGAGGGTTAGGGGAAGAAATGGTGGT

CGCCGGGGCTACGAGGCCGTCGGGATGCTGGGTGGCTTGTGTCACCTTCTACTGC
TGCTGTTGTTAATGTTGTTTCGAGTTGTGA

Nucleotide

>OstEXPB-11

AGTCTCGCTACCTCCGCAGCTTCGCCACGCACTCCCACCCCCAATGCCGGCCGCC
GCCCCCTCGCGTGGCCTCTGCCGCTCCGGATCCGCCTCAGGTACGCTCTCCCGCTG
CCACCCCGCGAGGCCGCTAGCTCATTCTCCGCTGGATTTTTTTTTCCCTCAGTCGGT
TCACATTTCCGGCTCTCTCTCTTTCTCTCTGTCAGCGACGAGGGGGCGTGCGG
GTGGCGAGGGACAAAAGCGGGCGGAGGGAAGCTGGAGGAGCGGACGGCCGTTGC
AGTTGCAGTTGCGTGCTTGCTGATTCGAGTCGTTGGCTTTATTAGCTACTGCAATG
TGCTGAACTCTGCTGTGTTCTTGAGTGGGCAGGTGAAGGTGGTGGTGGTGGATCC
GCAGCGCCTGCGCATGGCGGCCTTCGAGCCCCATCGGTAAGAGGATGCAGCACG
ATGCCCCCCCCACCCCCACCCCCCCCCCCCCAAAAAAAAGCTACTACTACTAC
TACTAGCACAATGCATTTTTGGTCTACAAGTCTGAATGGGTCAGTTATTAGCTTTC
GAGCTATGGCCTTGGGTTGTTCTACAACGATTGTTTACTTACCAGGAGGCATTTT
TTTGTTCATGGATGGTTGGATCCGCTTTATTCCTTTGACATAGTCACTTTAATTG
GAAGATAAAAGTATGTACTGTATGTTGGCTCCAAGCATTGTATTTTGTCTAGGTG
ATACTCCCTCCTTTTTACAATGTAAGTCATTCTAGCATATATGTCTAGATTCATTA
ACATCAATATGAATATGGGATAGATATATATGTCTAGATTCATTAATATCAATAT
GAATGTGGGAAATGCTAGAATGACTTACATTGTAACCGGAGGAAGTAATGCTT
GTATTTTTTTCTCAAACATTTGCTGTTCTGTTGGTAGTCTTCATGAATAGTGTTTC
ATATTTCATTTTGTGTAGTACTGTTAGCGAATAAACTTTGTCATTTCTATCTTTCT
ATTTAGAAAACGAACTGAATATAACATGATCGGTATGCCTTTTTCAATCAATGGA
GTAATGGCTTACTGTGCCATTTGCTCTTTGGACTTAAACAGTATGCTCTCGAACT
TCTTCAAGACATAATTATTAAGGTTGGGCATGTGTTTCTTTGGTTAGTAGCTAG
GTGCTATGTTTTTTGGGTAATGGTGACAAATCGTAAAGTAGAACTAAAGGTTAAT
CAGCTGACAATGGTCATCAGTAATTGGAAATTTTCTAACACCCTCCTTTACATGTT
TGCCATAATCCATGACAACAACCTTTTTGTAATTCACGGCACATTGCCCTTCTTGTC
TATCATCTCCTTAAAATCCATTTTTTATTCTAACTTCAGAAAACAGCTGTACCACA
TTTATGGCATTTCATTTTCTTCAGTGGAGTGTTTTTTTAATGAGAACTCAGTGAA
GTGTTGTTATGAAAACATTCTCAATGCTGTGAATTATGTTCTGAGGCGCAATTGA
AGCCAAAACAATAACCTTTCTTGCTGTCCTGTTCTTCATTACCTCCAGCACAAAAT
ATGCCCATTTGAATACATATCATACAATCTATACTTGTGTTGTTGACCTTGCAAACC
AACAGTGTGTTAGTCCTTATCAGCCATAATGTGACAGAGTGCAGCACATGGCTTC
CAGGCTTCAGCTCTTGTACTTCATTGCCATTACAGTGCTCGCTTCGGTGTTC AAC
CTTGCACGTCCATTGAGCTCCACCGTGAGCTCTCTGGCTGGTTCGAATGGCATTGCT
ACATGGTATGGCGATCCTAATGGTGCAGGAAGTGAAGGTATGGTAGATAACCACA
AAAAATAAAATCTGTGAATATACGCACTCTACTCAAAGCGGCTTGTGGTGCGAAA
ATGTGATGTCTCATGCATAAATTTGTTGTAGGCGGTGCATGTGGGTACCAGTATG
CTGTTGACCAGCCACCGTTCTCATCCAGGATTGCTGCTGGTAGCCCCTACATCTAT
GACTCTGGCAAGGGATGTGGTTCGTGCTACCGGGTGTGTATCCATTGACCATTAG
CAGCTGAAGCTATGCTCATTGATGCATGTCTGCCATTTGACATTTGGAAATAACTG
ATTTATCAGGTGGTGTGTGCTGGTAATGAAGCTTGCTCTGGTATCCCTGTAACCGT
TGTCATCACTGACCAGGGCCCTGGTGGCCCATGCTTGGAAGAGCTAGTCGATGGT
CAATGCATGAATGAAGCAGCTCACTTTGACATGAGCGGGACAGCATTCCGGTGCCA

TGGCGAGGCCTGGCCAGGCTGATCAACTCCGTGGTGCTGGCCTCCTCCAAATTCA
GTACACCCGGTACACATGAATAATGGATCATCATATATAGTACACAGGCACTCAG
CTACACTATTATTCTTGGCTGCTGCAACGGCCAAGTACATATGACACTTCACGCA
GATATGCAAACCTGTCTGGTTTTTCGCTATGTTTCTCATCATGTAACAAACAGTATGT
TTAATCTTTTCTGTTACTTTTGTGGTGTACAGTGTGGAGTGTGAATGGACTGGAGT
AGGGCTAACCTTTGTCGTGGACTCTGGCTCCAACCCGAACCTACCTGGCCCTGCTG
GTGGAGTACGATGACAACGACAGTGACCTTGCGGCTGTCGACATCATGCCGATTG
GTGCTGGTGCTTCGGGGTCATGGATTCCGATGCAGCAGTCATGGGGCGCAGTGTG
GAGGCTCAACTCCGGCTCCGCCCTGCAGGGCCCGTTCTCCGTCCGCCTGACGTTT
AGCTCCGGCCAGATGTTTGTGGCCAGCAACGCCATACCGGCAGGGTGGAAACCCCG
GCATGGCGTACCAGCCCGGCGGAGTGGCGATGAGGGTTAGGGGAAGAAATGGTG
GTCGCCGGGGCTACGAGGCCGTCGGGATGCTGGGTGGCTTGTGTCACCTTCTACT
GCTGCTGTTGTTAATGTTGTTTCGAGTTGTGACTTGTGATGCACTAAAACATGTGC
TGAAACTTTGGTGCTTTCTGTAGGACTAGCCATGGTTGGATTAGCCTGGCCGTGCT
CTCTTGTAGCTCAGATGATGTATTGCCCGCAGCCTTGGAGACATTATCAATTTGTC
ATGTGCTGGATTAATGGAATAAGTAGTATTCCACTGTTCTTACTTCTAGCTACTGT
AGTTCAGGTTTGATAGTCTCTGTAAATATGTTCCCTTGGAAATTGTTGGGTTATTTTC
AAGCTCTTTCCTTAAGTTTGAAGATGCGTTGTTGATCTTTCCTTTC