

## IDENTIFICATION

**Species:** *Medicago truncatula*

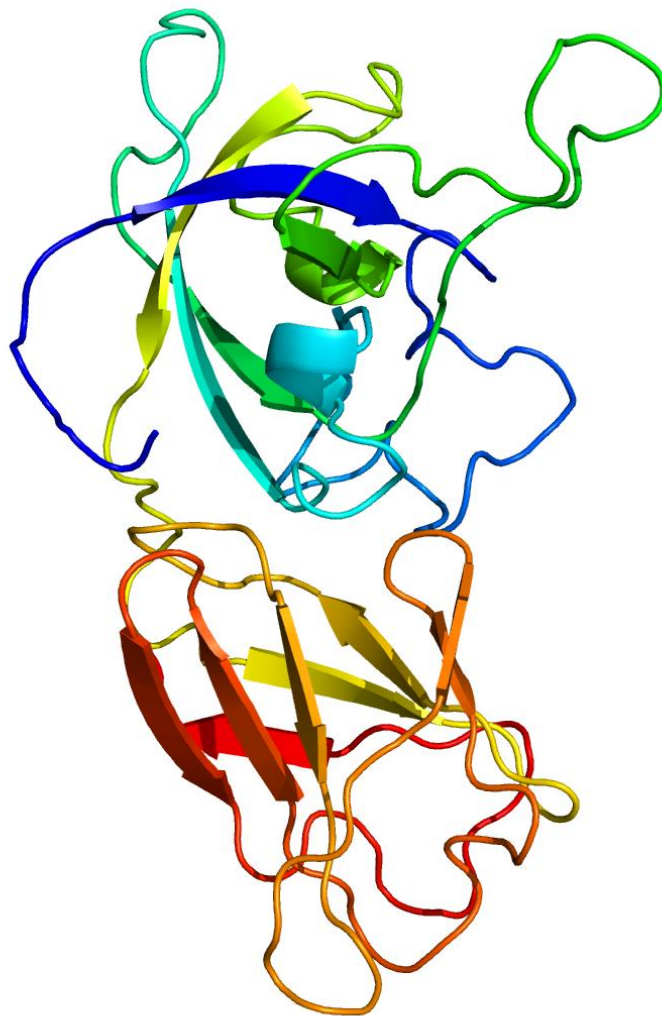
**Locus:** Medtr5g041700

**Gene Model:** Medtr5g041700.1

**Description:** MtrEXPA-16

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

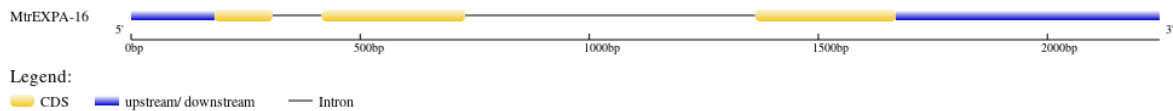
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula\\_Mt4\\_0v1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

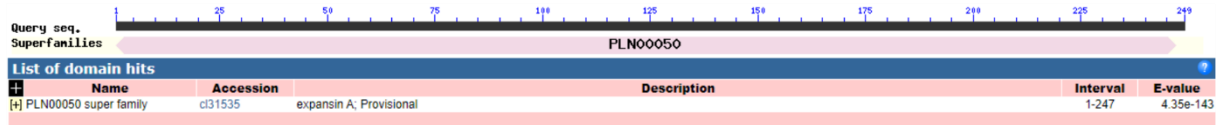
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MtrEXPA-16

MALIGLFIMVFLTMFSSAYGYGGGWVNAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSQG  
YGTNTAALSTALFNSGLSCGSCFEIRCAGDRKWCLPGSILVTATNFCPPNTALPNNNG  
GWCNPPQLQHFDLAQPVFLRIAQYKAGIVPVSYRRVPCRRRGGIRFTINGHSYFNLVLV  
TNVGGAGDVHLSVAIKGSRSGWMQMSRNWQNWQSNNYLNGQALSFKVTTSDGKT  
VISNNVAPSGWSFGQTYTGAQFR\*

### CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-16

ATGGCTCTCATTGGTTTGTTCATCATGGTGTTCCTAACAATGTTTTTCATCTGCTTAT  
GGTTATGGTGGAGGATGGGTTAATGCACATGCAACTTTCTATGGAGGAAGTGATG  
CATCAGGAACAATGGGTGGTGCATGTGGATATGGAAACCTATACAGTCAAGGTT  
ATGGAACAAACACTGCTGCTTTAAGCACAGCTTTGTTC AACAGTGGTTTAAGCTG  
TGGTTCTTGTGTTTGGAGATTAGGTGTGCTGGTGACCGTAAATGGTGTCTTCTGGCT  
CTATTTTGGTCACTGCTACTAATTTCTGTCCTCCAAACACTGCCTTGCCTAATAAC  
AATGGAGGATGGTGTAAACCCTCCTTTACAACACTTTGATCTTGCTCAACCTGTTTT  
TCTTAGAATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTTCTTCTTACAGAAGGGTAC  
CCTGCAGAAGAAGGGGAGGAATTAGGTTCAACAATCAATGGACATTCTTACTTCAA  
CTTGGTTCTAGTAACAAATGTGGGTGGTGTGCTGGTGTGATGTACATTCAGTAGCTATT  
AAAGGATCAAGATCAGGGTGGATGCAAATGTCTAGAAATTGGGGTCAA AATTGG  
CAAAGCAACAATTACCTTAATGGCCAAGCTTTGTCTTTCAAGGTTACAACAAGTG  
ATGGCAAACAGTCATTTCCAACAATGTTGCTCCATCTGGTTGGTCTTTGGTCAA  
ACCTACACTGGTGCTCAATTCCGCTAG

### Nucleotide

>MtrEXPA-16

ATTTTAAAAGCGGTAGTTAAAGTTCTAACTGGCCAATTGTATCTACTTTCACTCT  
CCCCTCAAAGCTCTATAAATTAAGTACCTTACCCTTCATTCTTTCTTCACTCCCAC  
ATCTTCACATTCTCTCTCATAACACTAGTTCATTTCAATTGACCCTTCAAATACC  
AAAACAAAAAAAATGGCTCTCATTGGTTTGTTCATCATGGTGTTCCTAACAATG  
TTTTCATCTGCTTATGGTTATGGTGGAGGATGGGTTAATGCACATGCAACTTTCTA  
TGGAGGAAGTGATGCATCAGGAACAATGGGTATTCAAGTGCAGCAATTATATTA

AAGTTTACATTTTTATACTATTTAAGCAATTTGGACCAACCCCTTTTAACCAATTT  
GTTAATATTGAATATTTTTTTTTTAGGTGGTGCATGTGGATATGGAAACCTATACA  
GTCAAGGTTATGGAACAAACACTGCTGCTTTAAGCACAGCTTTGTTCAACAGTGG  
TTAAGCTGTGGTTCTTGTTTTGAGATTAGGTGTGCTGGTGACCGTAAATGGTGTC  
TTCCTGGCTCTATTTTTGGTCACTGCTACTAATTTCTGTCCTCCAAACACTGCCTTGC  
CTAATAACAATGGAGGATGGTGTAACCCTCCTTTACAACACTTTGATCTTGCTCA  
ACCTGTTTTTCTTAGAATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTTCTGTTTCTTACA  
GAAGGTAACATTTTTCTGTTTTATATATCTTCATTTTTTTATTGCATTTTAAGATTAA  
ATTTGTATAATGGGTTGGACCTTCATGTCACTTTCAACTTGTAATGGGTTTTTTTT  
AATTTATTTTTAATCACATGTATTTGGAAGTTTCCTTACTTTCTTGTTTTATATTA  
GAGTGTAATTTCTTTTAGTTACAAGATTTAACTTTATCTTGCTAGTTAATAGGGT  
TCTTTTTGGGGTTGATAATTTGTAGTTAAAGTAATGACTTTTTTCTCTCTAAATGG  
GTTGATGAATGAAACTACACTATTAATTAACTTTTGAAGATTATTTATATGTATAA  
TATTAATTAATTTTTGTTATATTTGTTTGATGAAATTATCTATCTTTTTATATAGT  
ACCCTTCACTTTTAATTGTACCATTTTCATCTCTCTAATAAATAATTTAAATGTTTT  
TTTTTCAAATAATAATTAATACTAGTACTTTGAACTTTGACATCAACAATTA  
AAATAAAATATTTTTTTTATTAAAAAAAGGACACTTAGCTAGAAAAGGAAGCAAT  
GAATAACTATTTGTAAGCAATTTATTTGTGTTTATAAAAAAAAAGTAATTTATTGT  
TGTGTGGATTTGTGTAGGGTACCCTGCAGAAGAAGGGGAGGAATTAGGTTTACA  
ATCAATGGACATTCTTACTTCAACTTGGTTCTAGTAACAAATGTGGGTGGTGCTG  
GTGATGTACATTCAGTAGCTATTAAGGATCAAGATCAGGGTGGATGCAAATGTC  
TAGAAATTGGGGTCAAATTTGGCAAAGCAACAATTACCTTAATGGCCAAGCTTTG  
TCTTCAAGGTTACAACAAGTGATGGCAAACAGTCATTTCCAACAATGTTGCTC  
CATCTGGTTGGTCCTTTGGTCAAACCTACACTGGTGCTCAATCCGCTAGACACAT  
TATATCAAAGTTCTATGTCACATAATTAATTAATAATTAATCACATAGTATTATGTA  
ATTTTCTTAAATTGAGTATTAGTATAACTCAATAGTATACTAGGGTATTAGATAGT  
ATGCTAGTTTTGGGGGTTGAGGTGAGAAGGGTTGGTTGGTAAGTAATTGAAATTG  
AAATTGAAATTGAAATTCTAGGGGTTAGAAAATGTGAAGGGCTTTTTTTGAATTG  
GCCTTTCATCATTTTGATTGAAGCAAGATGGTTCATATTTAATTGAACCTTCTTGA  
TTATTGGAGTCTTTTTCTAATCTTCAGTTGGCAAAGAAGCTAGCAAAGAAGATTA  
TGGTTATTTATATTTTATTATCTTAGTAATTTTACTATTTTGGAAAGTGGTGGAAAA  
TTATAACCACCCGCCATATTAGTATTGTTAGAAGCATTGTTTGCTTCACTAATTCTA  
TGTTAGCAAACCTTTGTTGAGTGATTAATAGTATGTTGGTGTATTGGAGAATTTGTA  
GTTGTA  
AAATGTCCTATGATGCAAGTAATGGAAAATTGAAGTAATTTGCTACTAT  
TACTACTACATCTT