

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

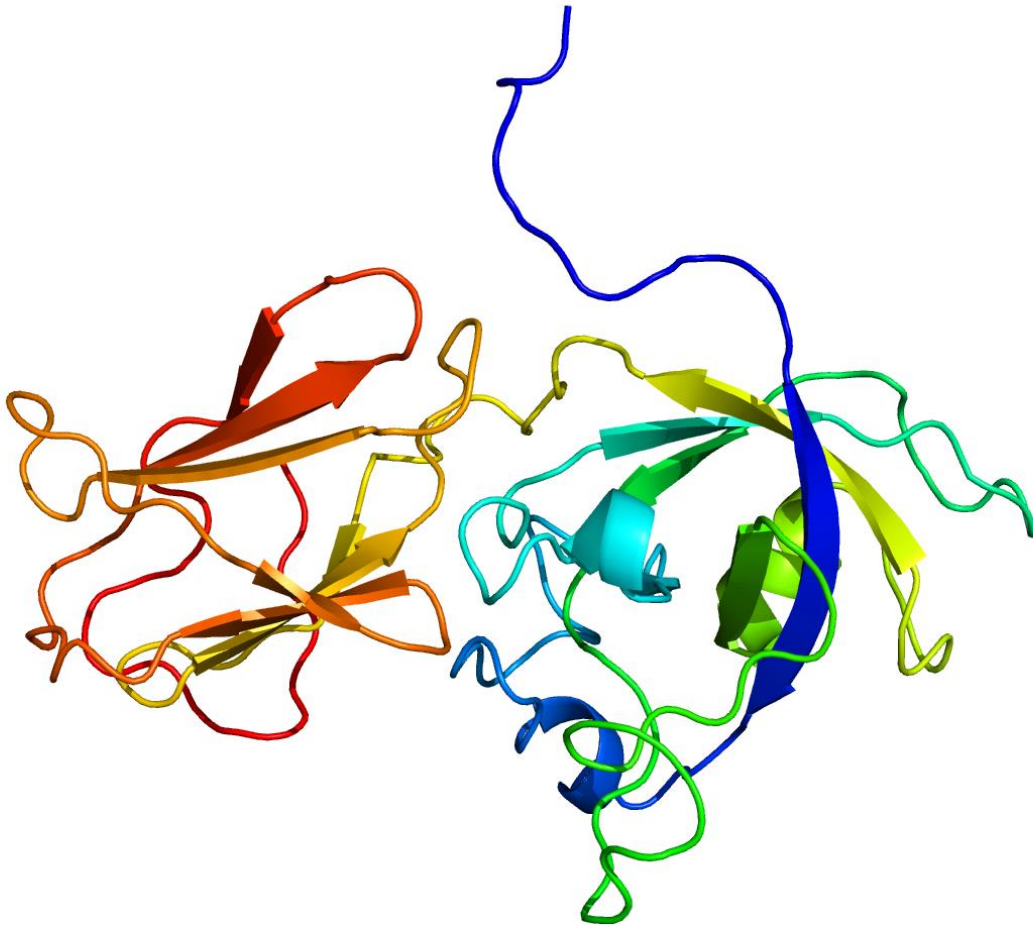
Locus: XP_015942841

Gene Model: XP_015942841.1

Description: AdEXPA-03

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

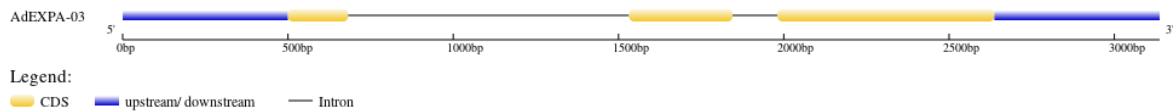
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

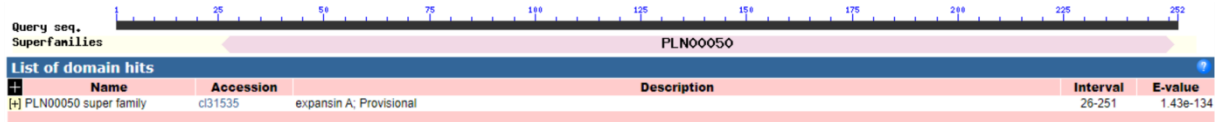
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXPA-03

MGFLGVVLMGFILLVGVGVHGNDANGNSWLDAAHATFYGGGDASATMGGACGYGN
LIRQGYGTETAALSSALFNNGMSCGACFEVKCVSDQRWCLPGSVVVTATNFCPPNN
ALPSDNGGW CNPPLQHF DLSQP VFQQAQYRAGIVSVAYRRVPCQRKGGIRFTINGHS
YFNLVLITNVGGAGDVTAVSIKGSRTGWQPMSRNWQNWQSNSYLNQSLSFKITA
SDGRTLVS SDV APPGWSFGQTFTGQQFP

CDS (coding sequence)

>AdEXPA-03

ATAGTTCCATTTATTCTTCACTCCATTA ACTGCTGCATGAAAGATGGGATTTTTGG
GAGTTGTGTTGATGGGGTTTATTTTATTAGTAGGAGTAGGTGTTTCATGGGAATGA
TGCTAATGGTAATAGTTGGTTGGATGCCCATGCAACCTTCTATGGTGGGGGTGAT
GCCTCTGCCACAATGGGTGGAGCTTGTGGATATGGAAACCTGATTAGGCAAGGAT
ATGGGACTGAAACAGCCGCTTTGAGCAGTGCATTGTTCAACAATGGCATGAGCTG
TGGGGCATGTTTTGAGGTGAAGTGTGTGAGTGATCAAAGATGGTGCCTCCCTGGC
TCAGTTGTGGTCACTGCCACCAATTTCTGTCCTCCAAACAATGCCCTCCAAGCGA
TAACGGCGGTTGGTGCAACCTCCCTTCAACACTTTGATCTCTCTCAACCTGTCT
TCCAACAAATTGCTCAATACAGAGCCGGCATAGTCTCTGTAGCTTATAGAAGGGT
CCCATGCCAAAGGAAAGGAGGCATCAGATTCACCATCAATGGCCATTCTTACTTC
AACTTAGTCCTAATCACCAATGTTGGGGGTGCGGGCGACGTTACCGCGGTTTCCA
TCAAAGGATCAAGAACCGGTTGGCAACCAATGTCCAGGAACTGGGGTCAGAACT
GGCAGAGCAATTCTTACCTCAATGGACAAAGCCTCTCCTTTAAGATCACCGCCAG
CGACGGCCGCACCCTTGCTCTCAGTGATGTTGCCCTCCTGGTTGGTCCTTTGGCC
AGACCTTACAGGGCAACAATTCCCTTAGGAGACACAATAACATAGATCCTTATT
TTCATACAATTACTACTATATTACCATTTATGGTTGATATTCAGTAGGATAAATT
TATAATGCAGAGTAAAACAAATATAGGAGTAAGTCATTAAGAGAAAATGGGAGG
GGATTATTTTAAATTGTTCCCTTATCATTGATTGTATTACAATAAGAGTTATGCG
CTGCTTTCTAAAGGCAGTGGGGAGATTATCACCGGCCATTTTATCTTATTTTTTTG
GTCTATTGTGAGGTTTAGTCAAGTTTGAAGCATGATTTTTGAGCTTAGCCAAGAAT
ACAAGAATATATATAATAAGAAGCATTTTTGCTGCAATGTTTAT

Nucleotide

>AdEXPA-03

TGACTGAGTTTTGGCTGATATGCTTTTAGTTTCCTAGCTTTACTCTATATATAATCA
TTTACTTGATTAATTTTCATTCCTATGATTCTAAACCATGCAATCTATCAAGCGTTT
CAGGAATAAAAAAGGGGTTCAAATCCACTCACTCTATGCATAGTTGGGTAACAA
ATTCACCAAATTTTGGTAACAATATATAGAAAGAAAGTAGTGTGTGGTGAGGACG
CTTTCGCTCTCTTGAGACAGTGACAGTTTTCTACTACCACATACAAGAGCAAATTA
AATTATGCACTCTTTAACTCAAAAACAAAACAAAAAAGAAAGAAAATGATGAA
AACCACGTGGTTTAAGGAAAATTTGAGCTGTCTGACTGTCTCAGCATAGAAAAAT
AGAACATCAACACTTGGCAAGATTAGAGTCCGATCCCCACACTTGACACAGTTAT
TACTATTTGGCCACAATGCAGCATCTATTTATTCCACTACCTTTTGCATTCTTCTTC
CATAGTTCCATTTATTCTTCACTCCATTAAGTGTGCATGAAAGATGGGATTTTTG
GGAGTTGTGTTGATGGGGTTTATTTTATTAGTAGGAGTAGGTGTTTCATGGGAATG
ATGCTAATGGTAATAGTTGGTTGGATGCCCATGCAACCTTCTATGGTGGGGGTGA
TGCCCTCGCCACAATGGGTATGTGCGTCACACTTTCCTATTTTTTAATGTTTATTAT
GGTTATATGAGTTATATTATATATATGACAAGGTTTAAGGTTGATTTGACTAATTA
AATTGCTAGACAAATTATTCTTTTCATTTCAATAATAAGAGAGGGGAATAAATCAC
AACACCTACAATAAAAGATTTTCAAATCAACTGAATTTTGAAATTTTACAAGG
TAGAAGTGATTCACAATATATTTCTAAATATACTCAATTCGAGGTATGTACTTTC
TTTACTTCAATATCTAATATTATCATGAACTATTTTTAGAAAAATTTAATTTATG
TGAATTTTATATAGACATTCTTTTACTTTTTTTTATTTGCTTTATATTTAATTTAT
TTTTGGATAATAAGAACTAACTTTAAATTTTTTTGTCATAAAAAATTTAATTATA
TATCATAAAATTACTTACCTTATAAATTTAAGCATAGAGAAAAAAGCATTTGATT
AAATATATCTCTAACAAATTACAAATATATTTTTAATCTTTTAGATAAGTAACACT
TTTTCTTTCACTTAATAATTGATGTTATTAGAAATTAAGTAGAGGAATGGTAGGA
GCTAGCAGATTTTGTAATTTATAGCCATAATTAGTTATTATTAATTTTTAATGG
TGTGAGATTACATCTAATAGTATAGGATTACTCGTTTTTTTTTACTGATTAAGTAC
TTGTCAGATTTTAATAAAAGTGTTGCCTCTAACTTTCTCATACCATATCTTCAGT
GACCCTTGAAATATTAGTTTTTCTCAATATTTGTGAGAATAACAACAAAATCTTGA
ATTTCTATTGTTTTGTGGTTGATTTTAGGTGGAGCTTGTGGATATGGAAACCTGAT
TAGGCAAGGATATGGGACTGAAACAGCCGCTTTGAGCAGTGCATTGTTCAACAAT
GGCATGAGCTGTGGGGCATGTTTTGAGGTGAAGTGTGTGAGTGATCAAAGATGGT
GCCTCCCTGGCTCAGTTGTGGTCACTGCCACCAATTTCTGTCTCCAAACAATGCC
CTCCCAAGCGATAACGGCGGTTGGTGCAACCCTCCCCTTCAACACTTTGATCTCTC
TCAACCTGTCTTCCAACAAATTGCTCAATACAGAGCCGGCATAGTCTCTGTAGCTT
ATAGAAGGTAACCTTTTTGCATAATCTATCATTTGTTGTTATTATATGATTGCAGA
ACAACGCAATGGTGATTTTTGCTTCAAAGATTTTGTTAGAATTAGTGTGTCAA
GTAAATTTAGGTTCCTTTTGTGATAAGAGCAGGGTCCCATGCCAAAGGAAAGGAG
GCATCAGATTCACCATCAATGGCCATTCTTACTTCAACTTAGTCCTAATCACCAAT
GTTGGGGGTGCGGGCGACGTTACCGCGGTTTCCATCAAAGGATCAAGAACCGGTT
GGCAACCAATGTCCAGGAAGTGGGGTCAGAACTGGCAGAGCAATTCTTACCTCA
ATGGACAAAGCCTCTCCTTTAAGATCACCGCCAGCGACGGCCGACCCTTGTCTC
CAGTGATGTTGCCCTCCTGGTTGGTCCTTTGGCCAGACCTTCACAGGGCAACAA
TTCCCTTAGGAGACACAATAACATAGATCCTTATTTCTCATACAATTACTACTATA
TTACCATTTATGGTTGATATTCAGTAGGATAAATTTATAATGCAGAGTAAAACAA
ATATAGGAGTAAGTCATTAAGAGAAAATGGGAGGGGATTATTTTAAATTGTTCTC
TATCATTTGGATTGTATTACAATAAGAGTTATGCGCTGCTTTCTAAAGGCAGTGG

GGAGATTATCACCGGCCATTTTATCTTATTTTTTTTGGTCTATTGTGAGGTTTAGTC
AAGTTTGAAGCATGATTTTTGAGCTTAGCCAAGAATAACAAGAATATATATAATA
AGAAGCATTTTTGCTGCAATGTTTATCTTAGCTAGTTATCAGCTTTAATTCCTTAA
TTAGTGTCTGTGATAGATTATCTTTTCCTTGTTTCTGGATACACTGCATAAATTCT
AGTTCTTGGTGCAGTTTGGCAGAAAAACATTGTTGTTTACCCTGATCTAAACAAT
AACTTGGTAATGGACTGGTTATGCTCTAAATATTGGACCTCAAACAAAGACAATA
TCTTATTTATTTCAAATAAGGAAAGAAATCGTGATTTTGAAAAATAATCTTCTAA
ACTAATTATCAAACACAGTGTCTTTCTCTGATTAGCATAGGTATTTTTGCACACTA
CTTTAGCATACACTATAGACTATACCTTAATATATATCCACTATCACACAAGCATA
ATGTTTTCTAATAACAAAACAGGGTAAGTTTATTCTTCTTTCAGCATTTTGTGGTA
GTTACTAATTACATATATAAAATGCTTCTTAAGTCTTGAATGACATGAGTGAATAT
TGCAAATAGATAATTGGATGTGT