

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

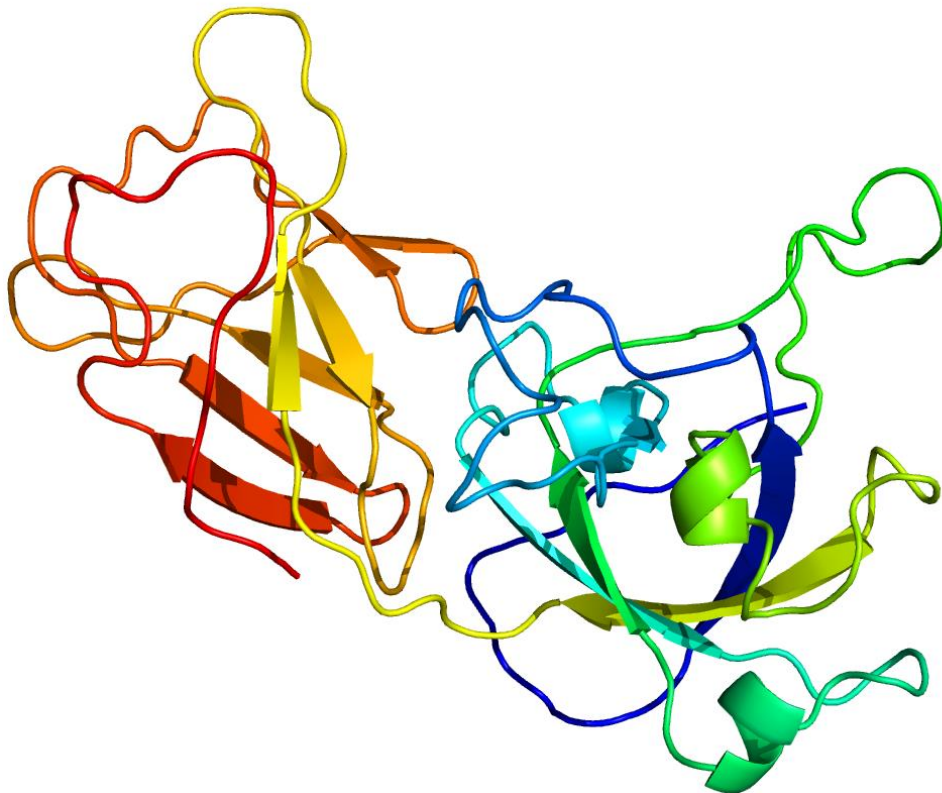
Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA35473

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA35473

Description: TprEXPA-22

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

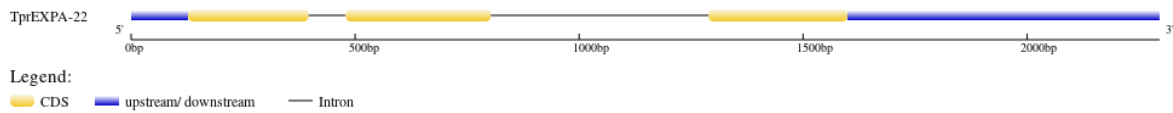
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

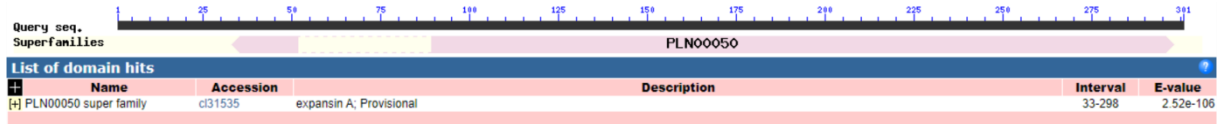
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXPA-22

MGMTMTVLYIVSLIMSLTMWMMVVEARIPGVYNGGSWQTAHATFYGGXXXXXXXXXX
XXXFSLGGACGYGNLYSQGYGV
NTAALSTALFNSGLSCGSCFELKCANDKQWCHSGSPSIFITATNFCPPNFAQASDNNGG
WCNPPRPHFDLAMPMFLKIAEYRAGIVPVA YRRVPCRKRGGIRFTINGFRYFNLVLIS
NVAGAGDIVRTYVKGSRTGWMPMSRNWQNWQSNVVLVGQSLSFRVTGSDRRTST
SWNIAPQNWQFGQTFTGKNFRV*

CDS (coding sequence)

>TprEXPA-22

ATGGGTACAATGACCGTGTTGTACATTGTGTCTCTAATCATGTCATTAACAATGTG
GATGATGGTAGTAGAGGCTAGAATCCCCGGTGTTTACAACGGTGGTTCATGGCAA
ACCGCTCACGCCACTTTTTACGGCGGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
NNNAATTTAG
TTTAGGTGGAGCATGTGGTTATGGAACTTATACAGTCAAGGTTATGGAGTTAAC
ACAGCAGCATTAAAGTACAGCACTTTCAACAGTGGACTTAGCTGTGGTTCTTGCTT
TGAATTGAAGTGTGCAAATGATAACAATGGTGTCACTCTGGTAGTCCTTCCATT
TTCATTACAGCTACTAATTTCTGTCTCCTAATTTTGCTCAAGCTAGTGACAATGG
TGGTTGGTGTAAACCCTCCTCGCCCTCATTTCGATCTTGCCATGCCTATGTTCTTA
AAATCGCTGAATATCGCGCCGGAATCGTCCCTGTGCGCCTATCGCCGGGTGCCGTG
TAGGAAGCGCGGTGGGATCAGATTCACAATTAACGGATTCCGTTACTTTAACTTA
GTACTAATCAGCAACGTCGCGGGTGCAGGTGATATCGTGCACCTATGTTAAAG
GTTCAAGAACAGGGTGGATGCCAATGAGCAGAACTGGGGGCAAATTTGGCAAT
CAAATTCTGTTTTAGTGGGTGAGTCTTTGTCTTCAGAGTTACCGGTAGTGACCGT
CGCACTTCCACTTCTTGGAACATTGCCCCACAAAATTGGCAATTTGGTCAAACCTT
TACCGGAAAGAATTTTCGTGTTTGA

Nucleotide

>TprEXPA-22

AAGTCCCAAACCCAACCAACCATTCCCCACTTCACTAACTACTCATCTCTCTGTT
TTCCGTATCTCTCATTTTTCTCTTCTTTTCCACTCTCAAAAACAAATTAATTA

ATTCAAACCACAAATGGGTACAATGACCGTGTGTACATTGTGTCTCTAATCAT
GTCATTAACAATGTGGATGATGGTAGTAGAGGCTAGAATCCCCGGTGTTTACAAC
GGTGGTTCATGGCAAACCGCTCACGCCACTTTTTACGGCGGNNNNNNNNNNNN
NN
NN
NNNNNNNNAATTTAGGTGGACTAATTTAGCTTTTTAAAAAAAATAATTTTCA
ACTTAAGAGTTAATTAATATCAACTAATGTTGTTTTTGTGAGTTTAGGTGGAGCA
TGTGGTTATGGAACTTATACAGTCAAGGTTATGGAGTTAACACAGCAGCATTAA
GTACAGCACTTTTCAACAGTGGACTTAGCTGTGGTCTTGCTTTGAATTGAAGTGT
GCAAATGATAACAATGGTGTCACTCTGGTAGTCCTTCCATTTTCATTACAGCTAC
TAATTTCTGTCCTCCTAATTTTGCTCAAGCTAGTGACAATGGTGGTTGGTGTAACC
CTCCTCGCCCTCATTTTCGATCTTGCCATGCCTATGTTCCTTAAAATCGCTGAATAT
CGCGCCGGAATCGTCCCTGTGCGCTATCGCCGGTTTTGTACCCACATTTTTACTCG
ATAAAATTGATTTTGACATGTTTGAGTGACATAAATGTGTTTAATTTGCTCAGC
AAAATTGAAATCCATAGCAAGGTAGATGAATGGTAAATTTGAGTGTAATAATTA
CTTTTCAAGTCAAAGCTGCATATTCTAACCTATAGATTCAATTATAGAAGGCAT
CTAAATATCTCAAAGTTTGTCAATTTCCCTAGATAGATGAAATGACTCTCATTAT
AACTTTTACACACAAGTGAAGGAGTCTGGGTTTTGAATCCTGATTATATCGTCCG
ACCTAACAAATTCGATTATTTTTTGTCAATTGAATTAAGACTTATTAACAATATCA
TTTGGCATTTTAACTTAAACAAGCAAATATACAAACATCATTTGGCATAAATGA
GAGATACTAAGGCAGTGTATAATCAATAAATTTGATGTATTGTACTAAGGCAGTG
TTTGGTTGTGATTATGCAGGGTGCCGTGTAGGAAGCGCGGTGGGATCAGATTAC
AATTAACGGATTCCGTTACTTTAACTTAGTACTAATCAGCAACGTCGCGGGTGCA
GGTGATATCGTGCGCACCTATGTTAAAGGTTCAAGAACAGGGTGGATGCCAATGA
GCAGAACTGGGGGCAAATTTGGCAATCAAATTCTGTTTTAGTGGGTCAGTCTTT
GTCCTTCAGAGTTACCGGTAGTGACCGTCGCACTTCCACTTCTTGGAACATTGCC
CACAAAATTGGCAATTTGGTCAAATTTTACCGGAAAGAATTTTCGTGTTTGATC
ACTAGATTACCGGTCACCGGTCATCGGTCAAAGTTCACATTGTTATTGTTACAGTA
GTATTTTAGTAATTTTCAATATATAATGTGACAAAAGTGTAGTACAATGTTGTTT
TGTTTTTTTTGTTTTTCCACCAATTATGTTTTTGGCGCTCATTTTTACAGCTTTTTGA
CTGGATGTTTTGGAGACTGTGACGGATTAAGGGGAAAGGTTATTATAGAAAGGTG
TGTCAAAGAGGGTAATTAAGTGAGTGAGAGACTTTTGTGAGTTTTGTTTTTTGTT
GGTTTGTATGAAAATTAAGATTAGGGTAGAGTTGTATTGGTGAGTGGATTAA
AAAATGTGTAGGTTATGCTGAAGTGGCTAAGGGGAAAATGAAAATGTAAGCCCG
CGGCTAATTAGATTTTAATTTAAGTATACAATTATGATTATGATTTATGCAGCATG
CATTAACTATGTAACCATGGAAGTGTGTTAGTTGTTACTTGTTTAACCTTATGAA
AGTTGAAATTGAAAATTTGTTCTATTTTTCTTGCACTTTGAAGTTTTAACCTTTT
GGTGGGGATGTTGTTGTAGTATAATGTTTGTGGAAGAATTGTGAAGATTCAATC
TAGCCAAATTAACAATCCAATACTACAATACTACAATAAGTCAAATAGTGTATATG
AAATAAAATAAAGTTGCTACTATGCA