

IDENTIFICATION

Species: *Phaseolus vulgaris*

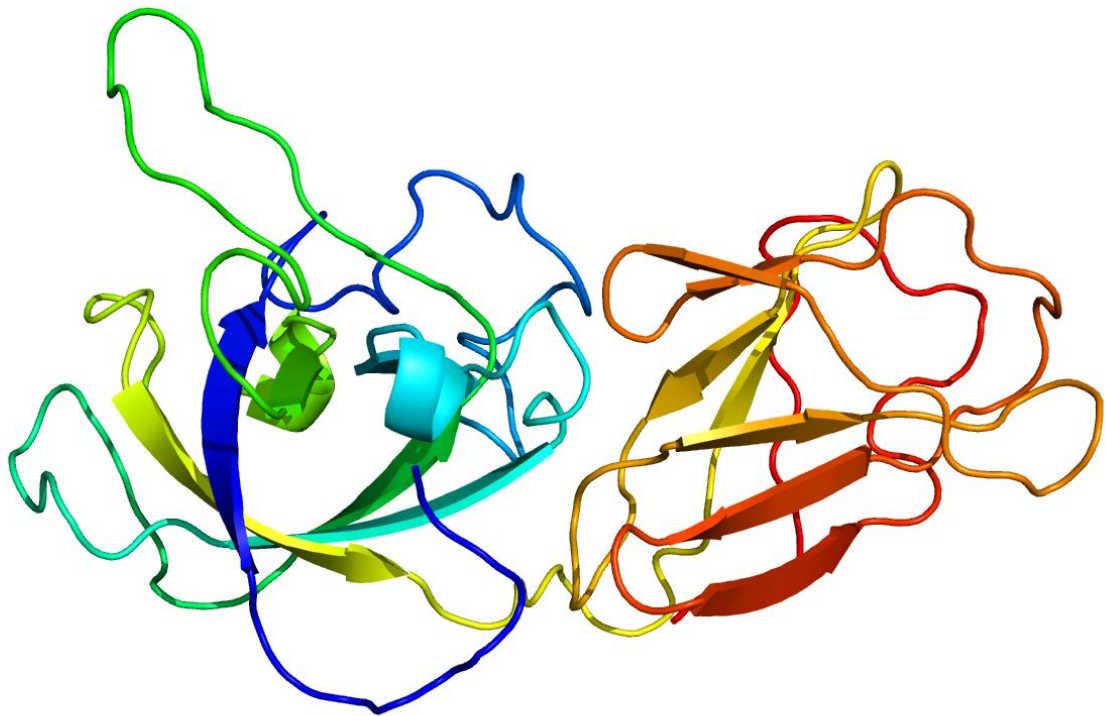
Locus: Phvul.009G019000

Gene Model: Phvul.009G019000.1.p

Description: PvEXPA-20

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

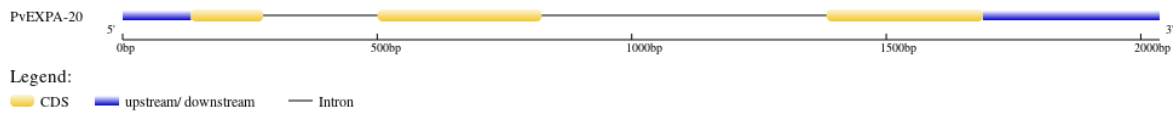
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris_v2_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03093>

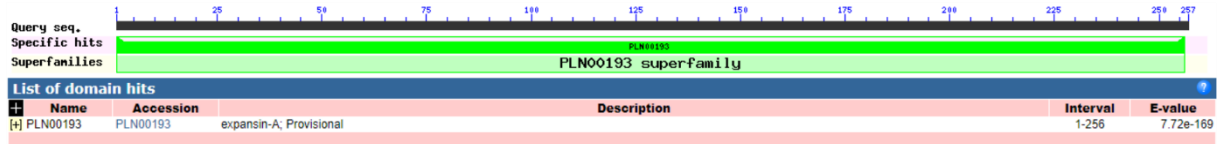
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.pulsedb.org/organism/636>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PvEXPA-20

MASVMFVLVSFLVLLCCFSVNICAFSPSGWTS AHATFYGGSDASGTMGGACGYGNL
YSTGYGTDTAALSTALFNDGASCGECKIMCNYQADPKWCLKGTSVTITATNFCPPN
FALPSNNGGWCNPPLKHFDMAQPAWEKIGIYRGGIVPVLFQRVPCMKKGGVRFVS
N GRDYFELVLINNVGGAGSVQSVSIKSGKTGWMTMSRNWGANWQSN AFLNGQSLSF
RVTTTDDGVTKLFQDVPVPSNWA FGQSFP TTVQF*

CDS (coding sequence)

>PvEXPA-20

ATGGCCAGTGT CATGTTTGT TTTGGTCAGCTTCCTCGTATTATTATGTTGTTTCTCA
GTTAACATTTGTGCCTTCTCACCTTCTGGATGGACCAGTGCACATGCCACCTTTTA
TGGAGGTAGCGATGCCTCTGGGACAATGGGAGGAGCTTGTGGGTATGGGAATCT
GTATTCAACAGGGTATGGAAGTACAGCAGCACTGAGTACTGCCTTATTTAAC
GATGGAGCTTCATGTGGGGAGTGCTACAAAATCATGTGCAATTATCAAGCAGACC
CCAAATGGTGCTTGAAGGGAACATCTGTAACCATAACTGCCACAACTTTTGCCC
TCCCAATTTTGCTCTGCCAAGCAACAACGGTGGGTGGTGAACCCTCCTCTCAA
CACTTTGATATGGCTCAACCCGCATGGGAAAAGATTGGTATCTATAGAGGAGGGA
TCGTGCCCGTTTTGTTCCAAAGGGTTCCATGCATGAAGAAGGGAGGGGTTAGGTT
CAGTGTGAATGGGAGAGACTACTTTGAGCTTGTGCTGATCAACAATGTGGGAGGA
GCTGGATCTGTTCAATCTGTGTCGATCAAAGGTTCAAAAAGTGGATGGATGACTA
TGTC AAGAAATTGGGGAGCTAATTGGCAATCCAATGCCTTTTTGAATGGTCAATC
TTTGTCTTTCAGAGTCACAACAACCGATGGTGTAAACCAAACCTTTTTCAAGATGTTG
TTCCATCCAATTGGGCTTTTGGCCAGAGTTCCCTACCCTGTTTCAAGATGTTTAA

Nucleotide

>PvEXPA-20

CTTATTTAAAGACTCCTAATTTGGTGCTTAGAGATGATAATAAATGTTTCTTAAAC
AAATACAAATTCTCTCACTCACTGCACCCTTCTCTTCAATTTAGTCTTACCATT
CTGCTTAAGGCAACATACTAATGGCCAGTGTGATGTTTGT TTTGGTCAGCTTCT
CGTATTATTATGTTGTTTCTCAGTTAACATTTGTGCCTTCTCACCTTCTGGATGGAC
CAGTGCACATGCCACCTTTTATGGAGGTAGCGATGCCTCTGGGACAATGGGTGAG

TCAATGTACACTTAACATTTTTTTTCTTCTATATTTTATTCCCTTACGTATGATCCT
TGTAACAATATCAGCATGATGCTAGCTAGCATGATTGAGTGTAGTTTAATACACC
AATTATATTTGGTGAAAACCTGTGCTTTGCCATGTCACTAGAGATATCCCAAAGA
ATCTACATTTATTTTTTTCCTTTTACTGAAAGTTTGCATGTGTGAGAGTGCAGGAG
GAGCTTGTGGGTATGGGAATCTGTATTCAACAGGGTATGGAACCTGATACAGCAGC
ACTGAGTACTGCCTTATTTAACGATGGAGCTTCATGTGGGGAGTGCTACAAAATC
ATGTGCAATTATCAAGCAGACCCCAAATGGTGCTTGAAGGGAACATCTGTAACCA
TAACTGCCACAACTTTTGCCCTCCCAATTTTGCTCTGCCAAGCAACAACGGTGG
GTGGTGCAACCCTCCTCTCAAACACTTTGATATGGCTCAACCCGCATGGGAAAAG
ATTGGTATCTATAGAGGAGGGATCGTGCCCGTTTTGTTCCAAAGGTTTGAACTTTA
TTCAACATCTTTGTCTAATAATAGGACAAAACACTTAGATCCAGCTTTTTATAAGT
TATTCTTTATTCAAAATTGAAGTTGAATAAACAAAGTTAAAACCTATTATACATTTA
TGACTGGATCGATAATCGGACAGACCGATATAATAATAGTATGATAAATAATTTT
ATTAATCTATTA AAAAAGTAAACTTTTAAACTTAACTCAATTTTATAAAAATCAAAC
TACAAAGTAAGATTTGCATTCCCTATGAAATGTCAAGAGTTGGGGTGTTCGTCCA
TTAAAACGGTAAGTGAGCTGGTTGAGAACGAGATCTCTAACAAATATTCACCTTT
TATAGCGGTGGTTGTAGGAGTGGTGAGAAAACTCATTAGATTGAATATATAAAA
ATGAAAAAAATTTACAACTTATTA AAAATATTTGGTTAAAGGTAATAATATAATG
TTAGTTTATATATTAGATCATGAATATTTGTCCAGGAACTTTATAAAGCTGTAAAT
ATATTTAACCTAATTGTTAGATACATGATTAACCTTTGTCTTACTTGCAGGGTTCCA
TGCATGAAGAAGGGAGGGGTTAGGTTCAAGTGTGAATGGGAGAGACTACTTTGAG
CTTGTGCTGATCAACAATGTGGGAGGAGCTGGATCTGTTCAATCTGTGTCGATCA
AAGGTTCAAAAACCTGGATGGATGACTATGTCAAGAAATTGGGGAGCTAATTGGC
AATCCAATGCCTTTTTGAATGGTCAATCTTTGTCTTTCAGAGTCACAACAACCGAT
GGTGTAAACCAAACCTTTTTCAAGATGTTGTTCCATCCAATTGGGCTTTTGGCCAGAG
TTTCCCTACCACTGTTTCAAGTTTTAAGAGTTTTTCTCATGGACGAAAGGGCAGAGGC
GTGCCTCTTATTTTGCTGGAGCAGCCCGCCACCCTTCTCTTCTGCTTTTTCAATT
TCGTTAATATGGTTAGATCCAAGCCATGAACTTGATGGCCATAATGAAGAAGCCC
AAATACACATTCCACTTGCATGAATCATAAGTGTGAGCCAAGTAGAAATAAACAT
TTTACAGTTTTAATCATATACTATATATATATATATATGAACCTGTAAAGTGCTGT
GTTGAGAGAATTCGGAACCCTCAAATTCTGTGTTATTATAATAAGTCTAGAAGCA
ATGTGCTTTTGGCTAATTTGTTCTTCAAGTTTCATCACAC