

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

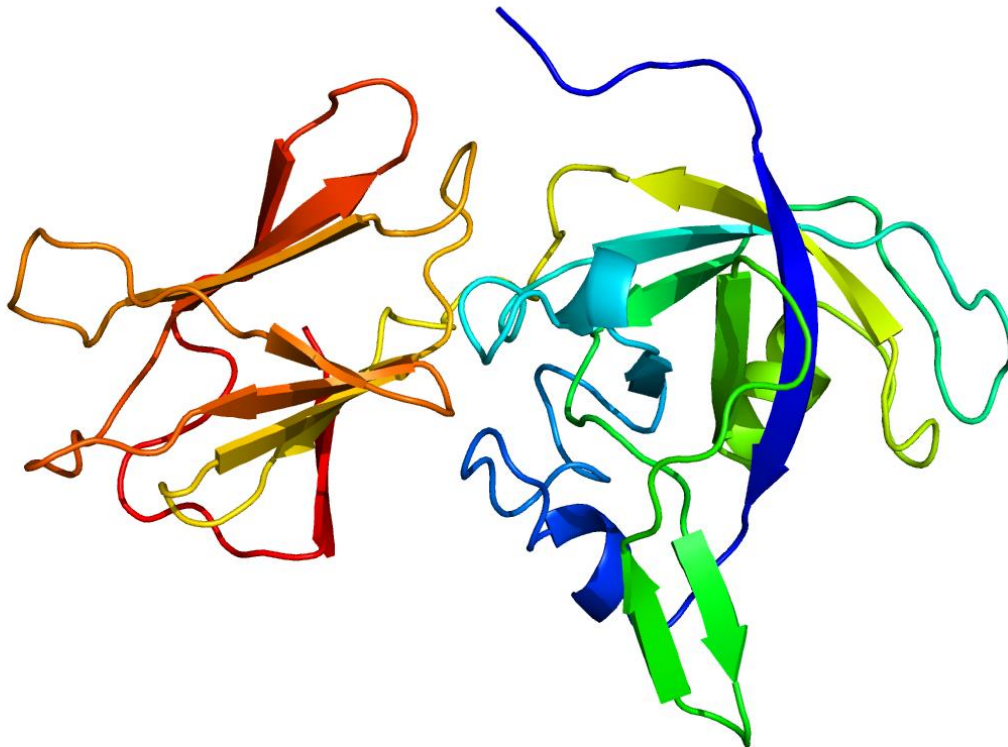
Locus: Ca_03574

Gene Model: Ca_03574

Description: CarEXPA-10

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

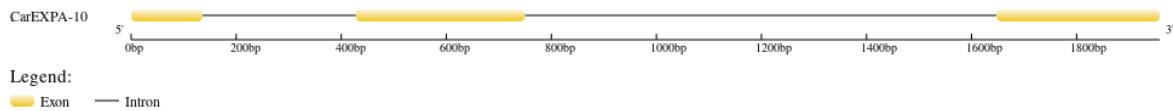
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

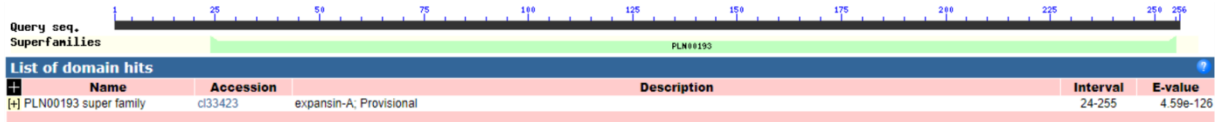
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-10

MERLMILSGVVMLVGLFTSQLRVASAKWEKAHATFYGGSDASGTMGGACGYGDLY
TDGYGIKTTALSTALFKDGGKSCGGCYQIVCDASQVPQWCLRGTSTVATNFCPPNFD
LPSDNGGWCNPPRPHFDMSQPAFEMIAKYKAGIVPIFYRKYVCKRSGGIRFTINGKDY
FELVLISNIGGPGDISKVKWIKGSKMKKWETMSRNWGVNWQSLSYLNGQSLSFVQLS
NGKHTAINVAPSGWSFGQSFISKIQF*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-10

ATGGAAAGGCTTATGATTTTGAGTGGTGTAGTAATGCTTGTGGGGTGTGTTACCTC
ACAATTAAGAGTAGCATCAGCAAAGTGGGAGAAAGCTCATGCAACTTTTTATGGT
GGAAGTGATGCCTCAGGAAGTATGGGGGGTGCATGTGGGTATGGAGATCTGTAC
ACAGATGGTTATGGAATAAAAACAAGTCTTTGAGTACTGCTTTGTTCAAGGATG
GAAAGTCATGTGGTGGTTGCTATCAGATTGTTTGTGATGCAAGTCAAGTGCCACA
GTGGTGTCTTAGGGGAAGTCCATAACAGTTACTGCCACAAATTTCTGTCCCCCA
AACTTTGATCTTCTAGTGACAATGGTGGTGGTGTAAATCCTCCTAGACCACATTT
TGACATGTCTCAACCCGCTTTTGAGATGATCGCCAAATATAAAGCTGGGATTGTT
CCAATCTTTTACAGAAAAGTTGGTTGCAAAGAAGTGGAGGAATCAGATTTACAA
TCAATGGGAAAGACTATTTTGAAGTGTGCTTATAAGCAACATAGGGGGACCAG
GGGATATCTCAAAGTTTGGATCAAAGGGTCAAAAATGAAGAAATGGGAAACTA
TGTCGAAGGAATTGGGGTGTAACTGGCAAAGCTTAAGTTATCTAAATGGTCAAAG
CTTGTCATTCAGAGTCCAAGTCAAGTAAATGGAAAGACCCACACAGCTATTAATGTG
GCACCGTCTGGTTGGAGTTTTGGCCAGTCTTTTATCAGCAAGATTCAGTTCTGA

Nucleotide

>CarEXPA-10

ATGGAAAGGCTTATGATTTTGAGTGGTGTAGTAATGCTTGTGGGGTGTGTTACCTC
ACAATTAAGAGTAGCATCAGCAAAGTGGGAGAAAGCTCATGCAACTTTTTATGGT
GGAAGTGATGCCTCAGGAAGTATGGGTAATAATGCAACTACATTTTGTCTTATGTG
TTTTTCTCAACATTTCTATATTTCAATTTAATTGTGAATTCACATATATGATATGAA
ATGTGTAAGGGTGTGTTTGGATTGAGTGTGTTGAGTTTATCTATTAATATAAACAT
TTTTGATACTGTTTGGACAGAGCTTATTGAAATAGTCTGTAAGATATTGTTTCACAT

ATTTTATCTTTTGTATAGAAATAAATTATACATAAAAAGCTTAGAAAAATTGTTA
TTCAATTAGTGGTTAATGAATTTGTGTCTACTTGTAGGGGGTGCATGTGGGTATGG
AGATCTGTACACAGATGGTTATGGAATAAAAACAACCTGCTTTGAGTACTGCTTTG
TTCAAGGATGGAAAGTCATGTGGTGGTTGCTATCAGATTGTTTGTGATGCAAGTC
AAGTGCCACAGTGGTGTCTTAGGGGAACCTCCATAACAGTTACTGCCACAAATTT
CTGTCCCCCAAACCTTTGATCTTCCTAGTGACAATGGTGGTTGGTGTAATCCTCCTA
GACCACATTTTGACATGTCTCAACCCGCTTTTGAGATGATCGCCAAATATAAAGC
TGGGATTGTTCCAATCTTTTACAGAAAGTATGTTATCTTATACATATATGCTCACT
ATGTTTTTCTTTTCTATTTATCTGTCAATAGAAAGGAAACTTTGATTTCTTAGTGAC
ACATTAATCCTGATACTTTACGGTTGCATAATAGTGTTTCCGATGTAGAAACAATT
AAATTTAGACGGGTAATTTTTTTTTATGTAAATTAATAGTTTCTACCACTGCAAC
ACCATACTATAATTATAGAGGATCTAAATACCAATTCATACCTTTATTTTCAGTC
AACTTTTCCGGACAATCCTGCACAAAATCTTGAGTTATTTTCTTCAAGTGAAAAAC
ATTTTAACCCACAAGACAGCCACATGTGATTACATTAATGAATTAATGCACTTT
TGATTTCTCTATTTTGCTCAAATTTATTTTTAGTTCCCCTATTTCTAAAATCACGT
TTTTGATCCCCTGTTTTACAATTTGTAGAATTTTGTGGTCCCCTCCATTTTTATTA
TACTGTGGCACAGCTGAATTGAATAAAAATAGAATTAATTAACATTCTTTTCTTT
TCCTTTTAATATTTTTTATGTTGTTACATCCATAGTACAACATTAGTTAGTGAACA
TGTAACATCATAAAAAAATAGGAGACCAACAAAATCTCACAAATTGTAAAATGG
GGACAAAAAAGTGGTTTTAGAAATAAGAATAAAAAGTTAATTTTGAACAAAATA
GGAGGATCAAAGTACATTTAAGTCTATATTAATTTAATTACTTTGATTTTCTTAA
ATTATTTTCGTTGTTTACATTTTCGTTGTTTACAAGTCAGTATAAGTGTGCGTGTGTG
CAGGTGTGTCTAGAGTTTGATAGATTGTCCTGATTAATACAGCTAGCCAACTAA
TATTGCACAATGTTGTGTTGCATCTATGCAGAGTTGGTTGCAAAAGAAGTGGAGG
AATCAGATTTACAATCAATGGGAAAGACTATTTTGAAGTACTGCTTATAAGCAAC
ATAGGGGGACCAGGGGATATCTCAAAGTTTGGATCAAAGGGTCAAAAATGAAG
AAATGGGAAACTATGTCAAGGAATTGGGGTGTAACTGGCAAAGCTTAAGTTATC
TAAATGGTCAAAGCTTGTCAATTCAGAGTCCAACCTCAGTAATGGAAAGACCCACAC
AGCTATTAATGTGGCACCGTCTGGTTGGAGTTTTGGCCAGTCTTTTATCAGCAAGA
TTCAGTTCTGA