

## IDENTIFICATION

**Species:** *Trifolium pratense*

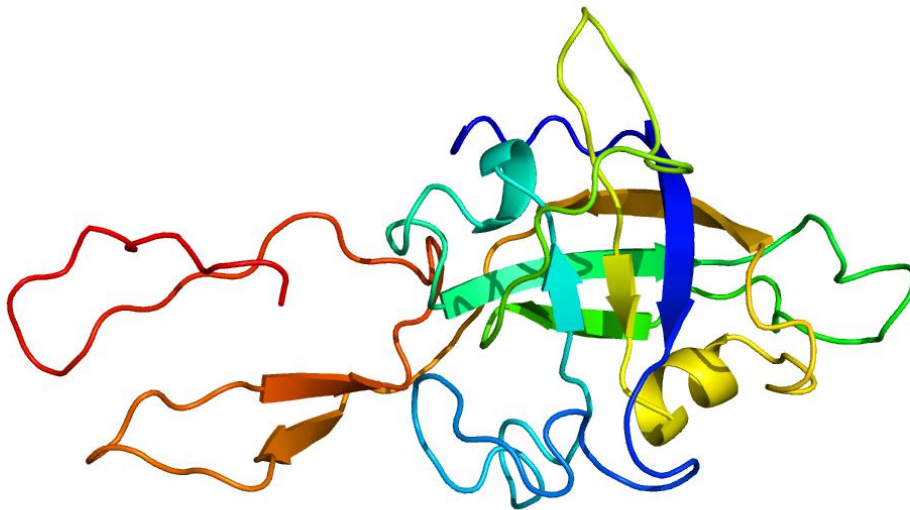
**Locus:** Tp57577\_TGAC\_v2\_mRNA32575

**Gene Model:** Tp57577\_TGAC\_v2\_mRNA32575

**Description:** TprEXPA-26

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense\\_v2](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2)

KEGG:-

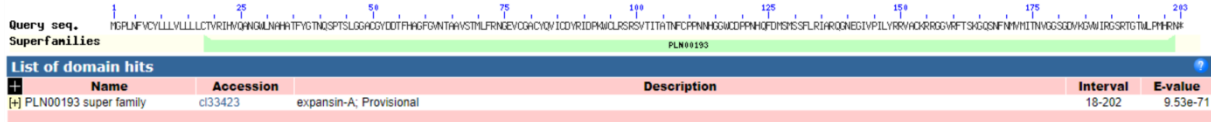
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>TprEXPA-26

MGPLNFVCYLLLVLLLCTVRIHVQANGWLNAHATFYGTNQSPTSLLGGACGYDDTF  
HAGFGVNTAAVSTMLFRNGEVCGACYQVICDYRIDPKWCLRSRSVTITATNFCPPNN  
HGGWCDPPNHQFDMSMSSFLRIARQGNIGIVPILYRRVACKRRGGVRFSTKGGQSNFN  
MVMITNVGSGDVKGVWIRGSRTGTWLPMHRN\*

### CDS (coding sequence)

>TprEXPA-26

ATGGGACCTCTTAATTTTGTGGTTATCTTTTGTGGTTTTATTATTATTATGTACA  
GTTAGAATCCACGTCCAAGCTAACGGTTGGCTTAACGCTCATGCAACGTTCTATG  
GGACCAATCAAAGTCCAACGAGCCTTGGAGGAGCATGTGGTTATGATGATACCTT  
TCATGCTGGATTTGGAGTGAACACAGCAGCAGTGAGCACTATGCTATTCAGAAAT  
GGTGAGGTTTGTGGTGCTTGTACCAAGTTATATGTGACTATCGAATTGACCCAA  
AATGGTGTCTTAGAAGTTCGAAGTGTCAATAACTGCAACAAATTTTGTCTCTCC  
AAACAATCATGGAGGATGGTGTGATCCTCCTAACCATCAGTTTGATATGTCAATG  
TCTTCTTCTTCGATTGCACGACAAGGCAATGAAGGCATTGTTCTATCCTTTA  
TAGAAGGGTGGCATGCAAAGAAGAGGAGGAGTTAGGTTACATCGAAGGGGCA  
ATCTAATTTCAACATGGTGTGATAACAAACGTGGGTGGTAGTGGTGTGTAAG  
GGAGTGTGGATAAGAGGATCAAGAAGTGAACATGGTTGCCAATGCATAGGAAT  
TAG

### Nucleotide

>TprEXPA-26

GTACATGCTTGTGGAGAAAAGCCAAAAAAGAAGAAAAAAAATTAAGTTTG  
TTTGTGAGTAAATGGGACCTCTTAATTTTGTGGTTATCTTTTGTGGTTTTATTA  
TTATTATGTACAGTTAGAATCCACGTCCAAGCTAACGGTTGGCTTAACGCTCATG  
CAACGTTCTATGGGACCAATCAAAGTCCAACGAGCCTTGGTAAGCCATTTTAAAT  
TGAGATTAATTACTTTTTACATATTCAAGGATGGTGTGAAACTTTACACATACATC  
TAACTAAATTATCTTAAATAAATATTTGTATAATGAGAGAAAGAAACATGCATTG  
ATAGTGTAATAAATTTTATACTGTCAACTACTCCCTCCGTCCTCCAAAAAGAATGA  
CCAGTTGACCGAAACACGCATGCCAATGCATAACTTTGGCGACTAATATCTTTA

ATTGTATAATAGTAAAAATTATAAAAAATTTGATATTTTGAAAATACTCATCGAGA  
CGAATCTAACAACATCTTATATGTTAATATTTATTTTTATTATTAGTAGAAAAAT  
ATGGTCAAACAATATATATGAATAGTGCATATATTCAAATGGGTCATTCTTTTT  
GGGACGGAGGGAGTAATAGTAATCATGTTTTTCGCCATGTCATCCCATTTCATTCC  
ACTTTTTTAATGACATGTCAAATTGATAGTTTTTTTATTAATGATTGTGTAAAAC  
ATTTTACACGGTCAGTGCATCTCCATTAAATTCTTTAAGAATTTATCTTAAAATTG  
GCACTATGAAAATATGATTGAATGCATGGTTAAAAAAGTTTTACACAATCGGTAT  
CAGTGTATATAAATTAATCTTTTTAATTTGCAAAAATAACAACCGGTACATTTAT  
GTTTCTTGAATAATGCATATTAATTAACAATAGAAAAATAACAAGCATAATACAT  
ATTAGAAGTCAAATATTACATATCAACTTTAATTTCTTGTCTGTAATTTTTATTG  
GTATATTTCAAATTTTCTAAATAGTGAATCAATTATAGTATATATGAATATTTTT  
CATTAAAAAAAATAATAGTTTGGATATTTACTTCTTTTTTTTTATTGGTAATAG  
AGTGATTAATTTGGATATTTACTTTTAGTTTACATATATAAGTTTATAGTTTGAGA  
CATTGATGAGAGTTTGGGAAAAATTTGAAAATTATGATGCAAATATGATTGCAAC  
TCGTTTATATGAATATAAATTTTATTATTTAATTATTTTTATAATTTGTAGATCAT  
ATTTATATTTTACAAGTATTTGTTATTAGAAAATTGACAAAGTTCGTTAGTATTA  
TTTTTAAAACAATTTATCATGTCATAAAGTATTATCAATTTATCATGCACAATAAC  
ATAAAATTACACCTTTTATATGTATGATTGCATCAACGATTCTACATCATGTGAAA  
AAGAAACACAATTAGAACAATTAAGAACGACATGAGTAAATCGTTAATTTCTTT  
AATAAAATAATTATAAATAGGTATATTTTCGACCCAGACACATAGATCATCCTTG  
TAAGCTTTACATAAATGTCATGACTCGTTGACCCAACACAACCTGAACTCACCAT  
CGGATTGGGTCGGTTAAAATTTGACATAAAATATTCGCGTTTTACCTCCAACCTCA  
ATCTAATTAATTAATTTGATTGGATCGGATAATGAGTTTACTAAAATCAACCA  
AATCCGACATGCAAACACTCTACTTGTAAATCATTCAATTTATTATTATGACAATTT  
ATTTAATTTTCAGGAGGAGCATGTGGTTATGATGATACCTTTCATGCTGGATTG  
GAGTGAACACAGCAGCAGTGAAGCACTATGCTATTCAGAAATGGTGAGGTTTGTG  
GTGCTTGCTACCAAGTTATATGTGACTATCGAATTGACCCAATAATGGTGTCTTAG  
AAGTCGAAGTGTCAACAATAACTGCAACAAATTTTTGTCCTCCAACAATCATGGA  
GGATGGTGTGATCCTCCTAACCATCAGTTTGATATGTCAATGTCTTCTTTCTTCG  
CATTGCACGACAAGGCAATGAAGGCATTGTTCTATCCTTTATAGAAGGTAAGGT  
AAGGTAGTACAAATATTTTTTATAAGAAAAATTAATAATTTGTAATTAACAGATGA  
AGGGAAATGATAGAGATACATAAATTATTTAAAACATATATGTATTGTAATAA  
TGAATTTGCGCGCACTTATATACATAGATTAATTAATTAAGGAGGTTGGCATGC  
AAAAGAAGAGGAGGAGTTAGGTTACATCGAAGGGGCAATCTAATTTCAACATG  
GTGATGATAACAAACGTGGGTGGTAGTGGTGTGATGTGAAGGGAGTGTGGATAAGA  
GGATCAAGAACTGGAACATGGTTGCCAATGCATAGGAATTAGGGAGCTAATTGG  
CAGAGCAATGCAGATCTAAGGAACCAGAGACTTTCATTCAAGATTACTTTGGTTG  
ATGGTAACACATTGGTGTCTCAATGTAGTGTCTTCCAATTGGAGATTTGGACAA  
ACATTTTCATCCCAATCAATTTCTTTTAGTTTCTTTATGAGCTGCTGGAATATCA  
TCACAGATCCAATACCCTGCAATTTTTAAAAGGGACTTGAGTGGAGGATATATAC  
TACTATATACTTTATATATGATAACGTTGATTTCTTTTGTCTTTGAAATTTCATAT  
TGGTTAAGTTTTCGATAATGCAGTACTGAAAATCAGTTAAGCATGTGTAATCTTCT  
TATTCCTAATCTAAGTATGTATTTGCTCTGATCAAAGGGAGTATTATTAATATTT  
GTAATTTTATTCGTATAGAATAAATAAAATGATAATTTGATGAATGAATCAACAA  
TGCTCCG