

IDENTIFICATION

Species: *Gossypium raimondii*

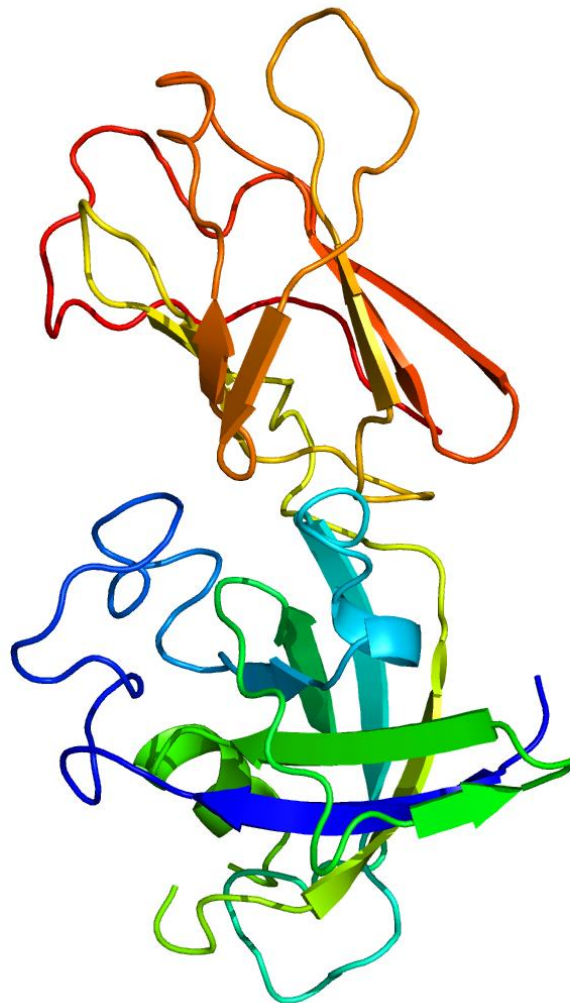
Locus: Gorai.002G071600

Gene Model: Gorai.002G071600.1

Description: GrEXPA-07

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

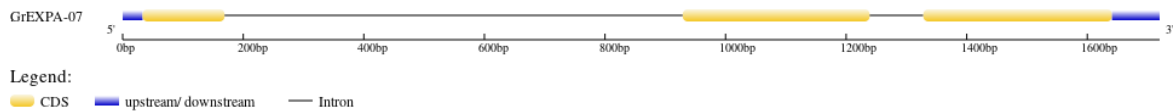
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Graimondii_v2_1

Kegg: <https://www.genome.jp/entry/T04129>

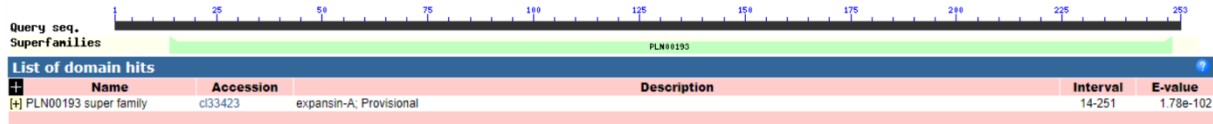
EXTERNAL RESOURCES

https://www.cottongen.org/species/Gossypium_raimondii/jgi_genome_221

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>GrEXPA-07

MGPFIIPIFKVWLLFFIVGTIFGAVNGWFNAHATFYGADQSPFSLGGACGYDNTLHAF
GANTAALSGALFRDGEACGACYQLRCDYRADPKWCLRRASVTITATNFCPSNNNGG
WCNPPHHHFDMSLPAFLRIARHGDEGIVPVL YRRVPCKRRGGVRFTLKGQSSFNMV
MITNVGGSGNVKAAWIRGSRTRTWLPMNRNWGANWQSSIDLNRQLRSFKLTLVDG
KTLEFLNVVPSTWKFGQTFASIRQFF*

CDS (coding sequence)

>GrEXPA-07

ATGGGGCCTTTCATCATTCCCTTTGTTAAGGTTTGGCTATTGTTTTTCATTGTTGGC
ACCATTTTTGGAGCAGTTAATGGTTGGTTAATGCTCATGCAACGTTCTATGGGGC
TGACCAAAGTCCCTTTTCTCTTGGGGGAGCCTGTGGATATGATAACACTTTGCATG
CTGGATTCCGAGCAAACACAGCAGCACTGAGTGGTGCACCTTTCAGAGATGGCG
AGGCTTGTGGTGCTTGCTACCAACTCAGGTGCGATTACCGGGCCGACCCGAAGTG
GTGCCCTCCGTCGTGCTAGTGTCACCATAACGGCCACCAACTTTTGTCTTCCAACA
ACAACGGAGGGTGGTGCAATCCCCCTCATCACCATTTTCGACATGTCATTGCCTGC
CTTCTTTCGCATCGCTCGCCACGGGGATGAAGGTATTGTTCCGGTCTTTTATCGGA
GGGTGCCATGCAAGAGGAGAGGCGGAGTCCGGTTCACCTTGAAAGGGCAATCGA
GTTTCAACATGGTGATGATCAGAACGTCGGTGGCAGCGGCAACGTGAAGGCGG
CATGGATAAGGGGGTTCGAGAACCAGAACATGGCTGCCTATGAATAGGAATTGGG
GTGCAAATTGGCAAAGCAGCATTGATCTAAGAAACCAAAGACTGTCTTTTAAGCT
CACTTTGGTGGATGGCAAACATTGGAATTTCTCAATGTTGTCCCTTCGACGTGG
AAGTTTGGCCAAACCTTTGCTTCAATACGACAGTTCTTTTAA

Nucleotide

>GrEXPA-07

GAAAAATTTGTTGATTGGTTAGAGAGAAAATTAATGGGGCCTTTCATCATTCCCTT
TGTTAAGGTTTGGCTATTGTTTTTCATTGTTGGCACCATTTTTGGAGCAGTTAATG
GTTGGTTAATGCTCATGCAACGTTCTATGGGGCTGACCAAAGTCCCTTTTCTCTT
GGTAAGCCTACATTTTCTAATGGATAATTAATTTTCATAAATTTCTATTTTTTCATTA
TCGATTAAGTTTTAATTTTATTAATATTATTATAATAAATAAATAAATAATATATGAG
TTTAAACATTTTTTTTTTCGATTTAAGGATTAATAAAAAATTTATGACATGGTATAA
AAATTTATATTTATCTTCTTTTAAGAATAATAAATCCAATAATCTTATACTTATAA
TTAAAAGCATTTCATGACTATTTCTTTTATATATGTATTTAGTGTGAGATTATTT

TTGTCTTGATTTGAATAGAACGGTAATTAATAATTCTCATCAGACACTTATTTGACA
CGGATTTGAACCAACCATCTCTTACCTCTAATATTGTATTGAAAAAAAAATTTTAT
TATGAATTTTATTTCAAGTTCTTATAAAAAAGTTTTTGTTCGTAAATAAATATATAG
GCTCAACTCTTTTTTGAATAAAGTTTGTATTTGTTATATTATTTTGAAGTGAA
CATACTATAACTCAAATAATGTCATAAAATATGGAACCTTCTGAATTAATATTA
TATATATATATAGATAGATAGATAATTATCTATTGATATGTTTCTTTTCCCCTAGA
AATGCCAAAAATAAATTTGGGTGCCACCCAATAATTAATAATTGGGGGATATTTG
AACTTTCAATATATATATACTTACACCAAAAAATATATATATATATACACTTTTA
CAAATTATTAATTGGATGATGATATTATTATAGGGGGAGCCTGTGGATATGATAA
CACTTTGCATGCTGGATTCGGAGCAAACACAGCAGCACTGAGTGGTGCACCTTTTC
AGAGATGGCGAGGCTTGTGGTGCTTGCTACCAACTCAGGTGCGATTACCGGGCCG
ACCGAAGTGGTGCCTCCGTCGTGCTAGTGTACCATAACGGCCACCAACTTTTG
TCCTTCCAACAACAACGGAGGGTGGTGAATCCCCCTCATCACCATTTTCGACATG
TCATTGCCTGCCTTCCTTCGCATCGCTCGCCACGGGGATGAAGGTATTGTTCCGGT
CCTTTATCGGAGGTACGATTAACATTTTTGCATACCATTACCAATAATCTTAATAA
GATTGTGCTTTTAAAATTTGTTTTTTCATTATTTGATTTTTCGAAGGGTGCCATGCA
AGAGGAGAGGCGGAGTCCGGTTCACCTTGAAAGGGCAATCGAGTTTCAACATGG
TGATGATCACGAACGTCGGTGGCAGCGGCAACGTGAAGGCGGCATGGATAAGGG
GGTCGAGAACCAGAACATGGCTGCCTATGAATAGGAATTGGGGTGCAAATTGGC
AAAGCAGCATTGATCTAAGAAACCAAGACTGTCTTTAAGCTCACTTTGGTGGA
TGGCAAAACATTGGAATTTCTCAATGTTGTCCCTTCGACGTGGAAGTTTGGCCAA
ACCTTTGCTTCAATACGACAGTTCTTTTAACTAATATTGCCATTAAGACAAATTA
TGTCTTAGAAAAACCATTATTTTTAAAATTGATGGTTTTATAATTAATAAAG