

IDENTIFICATION

Species: *Manihot esculenta*

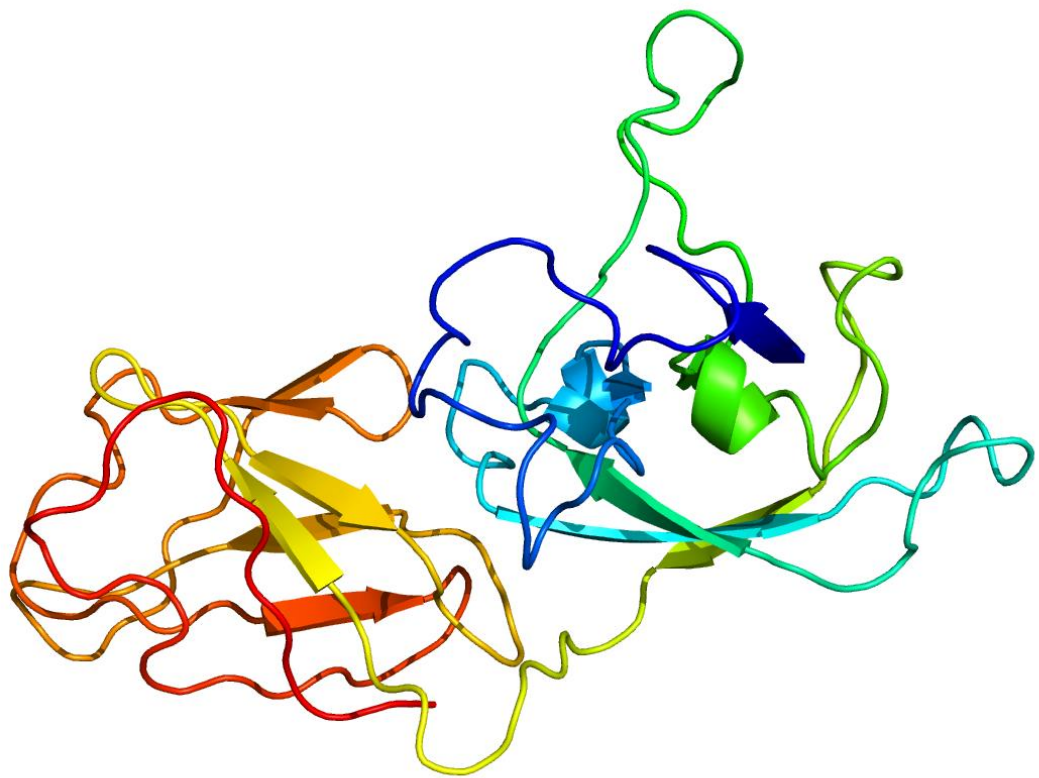
Locus: Manes.09G143300

Gene Model: Manes.09G143300.2

Description: MsEXPA-26

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mesculenta_v7_1

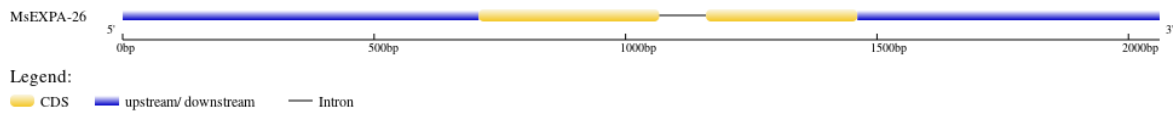
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05761>

EXTERNAL RESOURCES

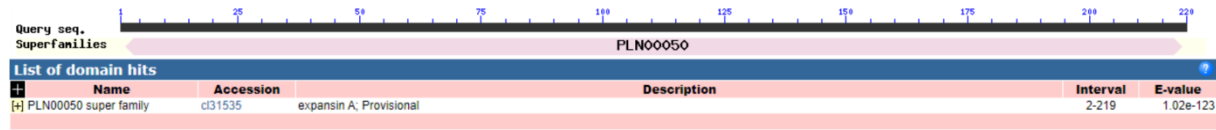
<https://cassavagenome.org/>

<https://cassavabase.org/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MsEXPA-26

MHSSWLKQIDGLIAAGGACGYGNLYSQGYGTNTAALSTALFNNGLTGACFEIRCV
NDARWCSSGSIVVTATNFCPPNNALPSNAGGWCNPLPHFDLSQPVFQHIAHYKAGI
VPVQYRRAACRKIGGIRFTVNGHSYFNLVLITNVGGAGDVVSVSIKGSRTGWQPMR
NWGQNWQSNSYLNQALSFKVTTSDGHSISNDVAPPNWAFGQFTTGRQF*

CDS (coding sequence)

>MsEXPA-26

ATGCATAGTTCCTGGCTCAAGCAAATTGATGGTTTGATTGCTGCAGGAGGAGCTT
GTGGTTATGGCAACCTTTACAGCCAAGGCTATGGAACAAACACAGCTGCATTGAG
CACTGCTCTATTCAACAATGGACTAACTTGTGGAGCATGTTTTGAAATCAGATGT
GTAATGATGCCAGGTGGTGCTCATCAGGCTCCATAGTTGTCACAGCAACAAATT
TTTGCCCTCCAAACAATGCTCTTCCAAGCAATGCAGGTGGCTGGTGCAATCCTCCT
TTGCCGCACTTTGATCTTTCTCAGCCTGTTTTTCAACACATAGCTCACTACAAAGC
AGGAATAGTCCCTGTTCAATACAGAAGGGCAGCTTGTCGAAAATTGGAGGAAT
AAGATTCAGTGTAAATGGTCATTCATACTTCAACCTTGTACTTATAACCAACGTTG
GTGGTGCTGGTGATGTTGTGTCTGTCTCCATCAAAGGATCAAGAACTGGCTGGCA
ACCAATGTCTCGCAATTGGGGCCAAAATTGGCAAAGCAACTCTTACCTTAATGGG
CAAGCACTCTTTTTAAGGTCACAACAAGTGATGGGCACTCCATCTCCAACGATG
TTGCTCCCCCAACTGGGCTTTTGGCCAGACCTTACTGGCAGACAGTTTTAG

Nucleotide

>MsEXPA-26

CTTTTACTAGCTTTTTATATGTGTTTCTTACATAATGGAATTTAGCATTAAACAACA
CAAATCAAATAATTACAGTCAAGCAAAGAGAGTCTTTTTTGCTAATCTAGTGCTT
TCTGAAGCTTTACATCTTCCCTTTTCTTTTATAAAAAAAGAGCAGGCGGCTAAAGT
TTGTCAACTCCATAAAATGACAGGCATAGAAGATGTGTCAATTATGCTTTGCTTTT
TGGTCTCATAATTTAATCCTGCGTGCATGGGCTATAACCTTTAGCAAGCATTATTT
CATAATTTTTTTTTTCTTTTACTCATCTATAAATATAGCTTCTTCTTCA
CATAACATCCCTTACCTTTTCCTGTCAATTGACTCCTGCAATCCAAGCTGATTTCT
ACAAGTTCAACCAACTTTTGTAAAGCACAAATCCATCATCATTCTCTACTGTTTCA
TCATATCAGTACTATCACAAAAGTATAGCAGTACTTCTAAATTGTCTCATCTTTT
CTGCTTAATTTTGCAGGACATGGATTTCTTGGGAATTTATCTAATAACCCTTCTAG
CCATTTCCAAAAGAATTGATGGGTATGCAGGTGGTGGATGGTCTAATGCCCATGC

TACCTTCTATGGAGGTGGTGATGCTTCTGGTACAATGGGTAAGAACTAACAACAA
CCCAATAAAAAGCTATGAATAAGCATTTTCTTACCATATGCATAGTTCTTGGCTCA
AGCAAATTGATGGTTTGATTGCTGCAGGAGGAGCTTGTGGTTATGGCAACCTTTA
CAGCCAAGGCTATGGAACAAACACAGCTGCATTGAGCACTGCTCTATTCAACAAT
GGACTAACTTGTGGAGCATGTTTTGAAATCAGATGTGTAAATGATGCCAGGTGGT
GCTCATCAGGCTCCATAGTTGTCACAGCAACAAATTTTTGCCCTCCAAACAATGC
TCTTCCAAGCAATGCAGGTGGCTGGTGCAATCCTCCTTTGCCGCACTTTGATCTTT
CTCAGCCTGTTTTTCAACACATAGCTCACTACAAAGCAGGAATAGTCCCTGTTCA
ATACAGAAGGTAATTAATAACATCAAATTTTCTACAATTCAGAGTAATTGATTGT
TTATTATGGTATCAGAATCAGAGATATCTACTGTAATCAAATTCAGGGCAGCTT
GTCGGAAAATTGGAGGAATAAGATTCAGTGTAAATGGTCATTCATACTTCAACCT
TGACTTATAACCAACGTTGGTGGTGCTGGTGATGTTGTGTCTGTCTCCATCAAAG
GATCAAGAACTGGCTGGCAACCAATGTCTCGCAATTGGGGCCAAAATTGGCAA
GCAACTCTTACCTTAATGGGCAAGCACTCTCTTTAAGGTCACAACAAGTGATGG
GCACTCCATCTCCAACGATGTTGCTCCCCCAACTGGGCTTTTGGCCAGACCTTTA
CTGGCAGACAGTTTTTAGCCAAAATAACCGAAATCACTTAGAAAAATGGCCCCCT
AATGGTAATTAGCACTGATTAACTATAATTGATCTGTATTCTTTGTGATGTAATAG
TATTTGTAATATAATGACAATGGTGTACATAGCAAATGGGTCCTTTTAGCCATGGCT
CTGAAATGCTTTTGTTCATGTTGTTTACACCCTATGACAGGGTTGGTGTCTTGTT
ATGATCAAAGATCATGTTTCAGGTTTGGGAGATAATCCCAGGATTTATTAGTGGT
TTTATTTATAGTAAGGAGGAATATTTGTAGTAAATTCCTTCTCAGAATGCAGTGA
TGAGAAGTGTTGATGGTGTGTAGTTTTTAGTTCATTGTATTTAGGGCTTTTAGCT
GGGAAGTGTCACCTTGTATTGTAAATTCATCATGGAGATGAAAGAGTAAATGGG
AATATAACATATATTCTCTGATCTGAGCCTCTACACAAATATTCTCTTTAGAACCA
TACCATGAGTGGTTTTGCTTAATGGCTTGCTTACTATTGCTGCACAAAATAAAAG
ATATTCAAATGTATTAAATACACCTTTATAAATTTTTTAATTATACATATTTTAAAT
TAAAA