

IDENTIFICATION

Species: *Prunus persica*

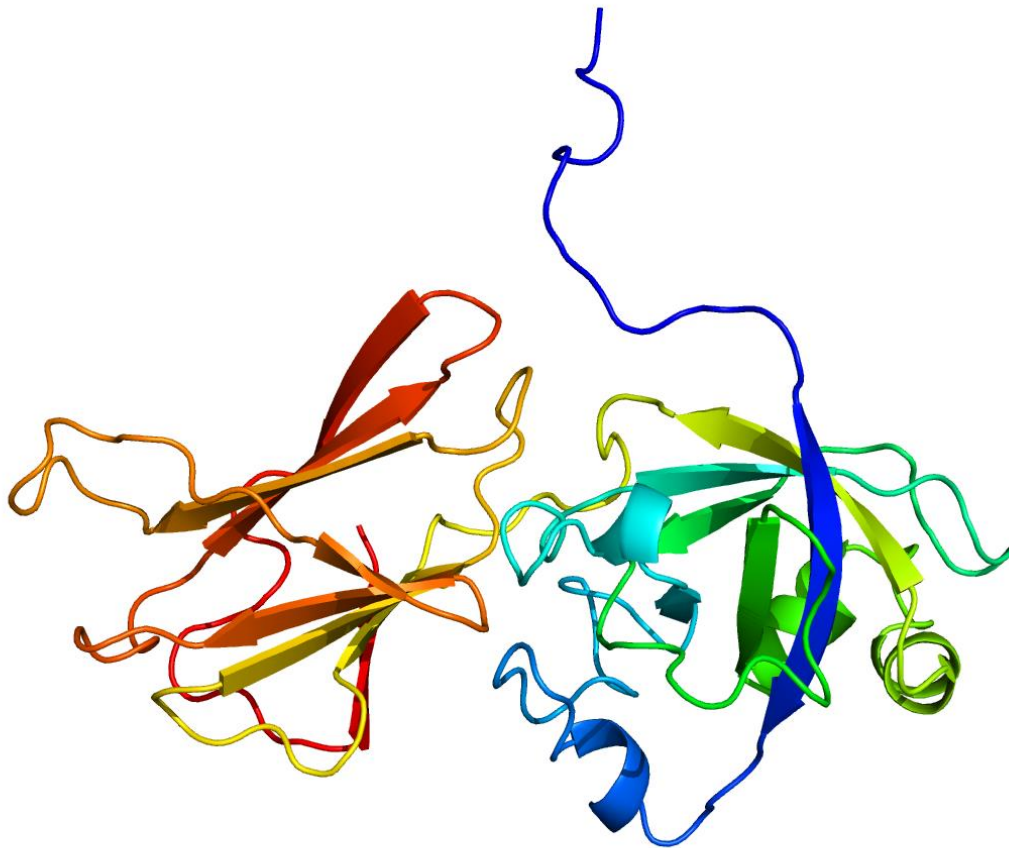
Locus: Prupe.2G274400

Gene Model: Prupe.2G274400.1.p

Description: PrpEXPB-02

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

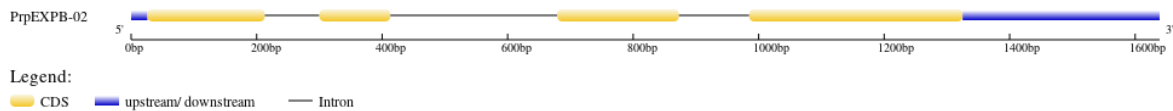
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ppersica_v2_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03092>

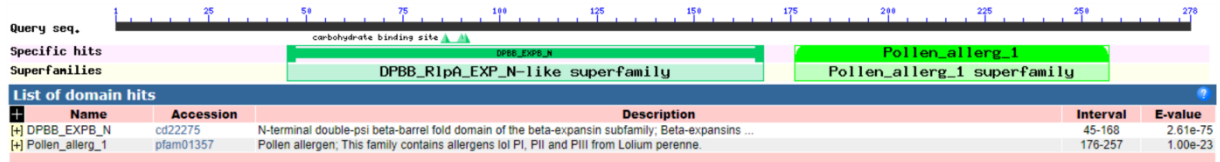
EXTERNAL RESOURCES

https://www.rosaceae.org/species/prunus_persica/genome_v2.0.a1

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PrpEXPB-02

MPTLNKLPLAGLKPLWYLITVFCYFKLCFAVNRKHLNLSTAATHWAPAGATWYGSP
DGAGSDGGSCGYGNLVSQPPFSSMITGIGPSLYKSGKECGACYQVKCTKHASCSGRP
VRVVITDFCPGGPCASEPAHFDLSGTAFGAMASPGQKEKLRDAGVLQIQFARVACDY
SGKTIAFHVDQGSNSNYFAAVIEFEEGDGDLAGVELKEASSSEGGDEWRAMQQSWG
AVWKLDAGSELHPPLSIRLTSQYSAQTLAKDVIPVGWKPGATYRSLVNYL*

CDS (coding sequence)

>PrpEXPB-02

ATGCCACTCTTAATAAGCTACCCTTAGCTGGTTTAAAACCCCTTTGGTACTTAAT
CACTGTATTTTGCTACTTTAAGCTGTGTTTTGCCGTTAATCGCAAGCACTTAAACT
TGTCGACCGCTGCCACCCATTGGGCCCCTGCCGGAGCTACTTGGTATGGCAGCCC
TGACGGTGCGGGAAGTGACGGCGGGTCTTGTGGGTATGGAAATTTGGTGTACAG
CCTCCATTCTCTTCTATGATTACTGGGATAGGCCCTTCTCTGTACAAATCAGGCAA
GGAATGCGGAGCTTGTATCAGGTAATAATGTACCAAACATGCATCTTGTTCGGC
AGACCAGTGAGGGTGGTCATCACGACTTTTGCCCCGGAGGACCTTGTGCATCGG
AGCCGGCACATTTGACCTGAGTGGAACTGCATTTGGTGCCATGGCAAGTCCTGG
CCAACAAGAGAACTACGCGATGCCGGAGTGTTACAAATTCAGTTTGCACGTGTG
GCATGTGACTATTCAGGAAAAACCATCGCATTCCACGTGGACCAGGGCTCAA
CAACTATTTTGCTGCTGTGATTGAATTTGAGGAGGGAGATGGTGATCTTGCTGG
TGTTGAGTTGAAGGAGGCTTCTCATCGGAAGGTGGTGTATGAATGGCGTGCCATG
CAACAATCATGGGGTGCAGTGTGGAACTTGATGCAGGCTCAGAATTGCATCCTC
CATTGTCAATAAGGTTGACATCTCAGTATTCAGCCCAAACCTTTGCTGGCCAAAGA
TGTAATTCAGTTGGGTGGAAACCTGGTGCCACCTATAGATCCTTGGTCAATTATC
TATGA

Nucleotide

>PrpEXPB-02

CAACTTAAGTGCCTTAGCCATGCCACTCTTAATAAGCTACCCTTAGCT
GGTTTAAAACCCCTTTGGTACTTAATCACTGTATTTTGCTACTTTAAGCTGTGTTTT
GCCGTTAATCGCAAGCACTTAAACTTGTGACCGCTGCCACCCATTGGGCCCCTG

CCGGAGCTACTTGGTATGGCAGCCCTGACGGTGCGGGAAGTGACGGTAATTAATG
CATGATTAATATGTGCATGTTAATAATTTTGTTTAAGAAATAATGATGTTGCTTA
GTAAACAAATTGTAAATGCAGGCGGGTCTTGTGGGTATGGAAATTTGGTGTCACA
GCCTCCATTCTCTTCTATGATTACTGGGATAGGCCCTTCTCTGTACAAATCAGGCA
AGGAATGCGGAGCTTGTATCAGGTATAAAGTATTTCCCTCTCCTGTCTTATTTTTT
TCTAGGTGGTAATTACACGCACCCCTTGTGATAAATTTCCCTTCTTTTTTATATTTT
TTTTAAGGCATGTACAACCACCAATATATTTCCCTTGCTAATTTGCTTACGTCACT
CTTCTATTCTTTATAATAGCTGACATTCATAAACTTTAGTGTTTGGACGTATGTA
TAATAATATATTAATTCTCTCTAAAAATATATATATTAATTTGTCCAATTTTAATT
AACGTCAGGTAAAATGTACCAAACATGCATCTTGTTCCGGCAGACCAGTGAGGGT
GGTCATCACGGACTTTTGCCCCGGAGGACCTTGTGCATCGGAGCCGGCACATTTTC
GACCTGAGTGGAAGTGCATTTGGTGCCATGGCAAGTCCTGGCCAACAAGAGAAA
CTACGCGATGCCGGAGTGTTACAAATTCAGTTTGCACGGTACATGTAACCCAATT
TTACATTTGCAAAATTTGGTAGATTATTTATTATACATTTTGGACACTGATTAATT
TGTGTTAATATATATTTTTTTTTTCCATGGCCATTTGGCAGTGTGGCATGTGACTATT
CAGGAAAAACCATCGCATTCCACGTGGACCAGGGCTCAAACCTCAAACCTATTTTGC
TGCTGTGATTGAATTTGAGGAGGGAGATGGTGATCTTGCTGGTGTGAGTTGAAG
GAGGCTTCCTCATCGGAAGGTGGTGATGAATGGCGTGCCATGCAACAATCATGGG
GTGCAGTGTGGAAACTTGATGCAGGCTCAGAATTGCATCCTCCATTGTCAATAAG
GTTGACATCTCAGTATTCAGCCCAAACCTTGCTGGCCAAAGATGTAATTCCAGTT
GGGTGGAAACCTGGTGCCACCTATAGATCCTTGGTCAATTATCTATGACCAAGTC
TCTACCCTATAATAATAAGATATATATGAGGCAGGAAATATGTATTAGAGTAGAA
TAAAACCAGGAAAATGTGACCAAATTCTGCAATTATAATTCAAAGTCCAGCTTGG
TGCACAAAGTAAATCTCCAATCGCCTACTTAATCGTGACGTCCTGTAAAGAAAAA
CAAACGTTACAAGAATTACCAAAGGGCATCCGTCTTGACCAAGAAGTTCGAGA
AATAAAATTTCAAATCTCAAGTATATGGCATCAAGGGAAAAGGGATTAGGAACA
CTCCCAGTCACTCATCTCCATTGGCCTCTGAGAA