

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

Locus: XP_016198410

Gene Model: XP_016198410.1

Description: AipEXPA-10

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

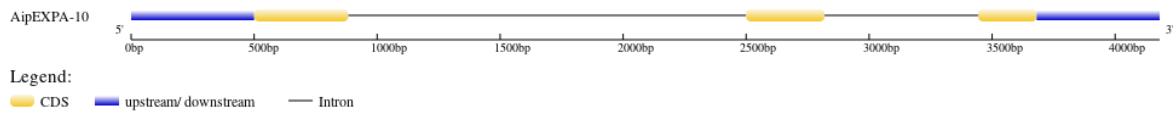
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

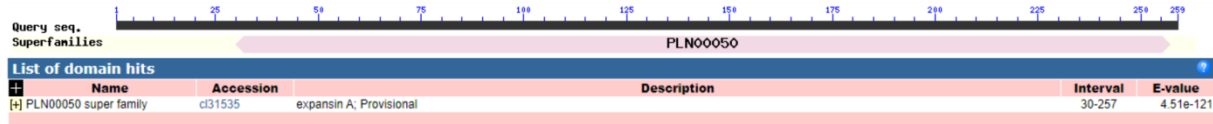
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXPA-10

MAGIVLLCIASLLASLFVATTARIPGVYAGGPWQSAHATFYGGSDASGTMGGSCGYG
NLYSQGYGVNTAALSTALYNDGFSCGACFEIKCDQDPRWCNPGNPSILITATNFCPPN
FALPSDNGGWCNPPRPHFDLAMPMLKIAQYRAGIVPVA YRRVPCRKTGGIRFTINGF
RYFNLVLITNVAGAGDIVRASVKGTNTAWASMSHNWGQNWQSNVAVLVGQALSFRV
TGSDKRTSTSWNVAPPNWQFGQTFGKNFRV

CDS (coding sequence)

>AipEXPA-10

CTTTCCTCCTCACTTTCCATTCACCCTGAAACCACAAACAACCTAACTAACTAGTAA
CCTCTCTCTCTCTCTCTCCCTCCCTTTTGCAATGGCTGGAATTGTTCTGCTTTGCAT
TGCATCATTACTGGCGTCTCTCTTTGTTGCAACCACTGCCAGGATCCCCGGCGTTT
ACGCGGGTGGCCCCCTGGCAGTCTGCTCATGCCACTTTCTATGGTGGCAGTGATGC
CTCTGGAACTATGGGAGGTTCTTGCGGTTACGGCAACTTGTACAGCCAAGGGTAC
GGAGTGAACACAGCAGCACTGAGCACAGCACTATAACAACGATGGCTTCAGCTGC
GGCGCGTGCTTCGAGATCAAGTGCGACCAAGATCCCCGTTGGTGCAACCCCGGCA
ATCCTTCCATACTAATAACCGCCACAACTTTTGCCACCAAATTTTGCTCTTCCC
AGTGATAATGGCGGTTGGTGTAAACCCGCCGAGGCCGCACTTCGATCTTGCCATGC
CAATGTTCCCTCAAGATCGCTCAATACCGCGCGGGAATCGTTCGGTTGCTTACCG
CCGGGTGCCATGTAGAAAAACAGGAGGTATTAGATTCACAATCAATGGCTTCCGT
TACTTCAACCTGGTTCTGATACCAATGTTGCGGGTGCTGGGGATATCGTGCGCG
CGAGTGTGAAAGGTACCAATACTGCGTGGGCAAGCATGAGCCACAACCTGGGGGC
AAAATTGGCAATCCAATGCCGTTTTAGTGGGCCAGGCTCTCTCCTTTAGAGTCAC
CGGCAGTGACAAGCGCACCTCAACCTCATGGAATGTGGCACCACCTAATTGGCAG
TTTGACAAACCTTCACGGGCAAGAATTTCCGCGTCTAAAATTGATAAAAAAAG
TTCAACACTAGAAAAAATTGAAATGATATGGCTCCTCTTTGTATTTTTTGGGCTTT
G

Nucleotide

>AipEXPA-10

TTTGAAATTGAGCTTCCAAATATACTACCGCTGCCATTCGAAGATGGAGTAAAGA
GTCTTCGCCTCGACATTGGTATAATTTTGAACAATTTTGTGAATCTAGGACTAGGG

TTCGTGTTTGGGATGAAAGAAGGTTTGAATTTGAGAAATTTTGGGGTTCAGGATT
CATTATAACGGTCAATGCTCAGCAGGCCACGTATGAAGTCCTCAGGCCACGTCAT
GCCATGAAGTGCCACGTAGGGAGCGTTAAACGCCGGAATAACAATTGGTTAGTTT
CGTCCCACGGATATTATTATTGATGGATATATTAGGTAATTATTTTTTTTTGTGGA
TAAATTTGTCAGCATTCTCAACTTTCTCAACTTTTATGAGTAAAAATAATAGTTTA
TTTTTTAGCAAACTAAAAAGAAAAAGGACTGCAATATTACCCACTTCAACACTT
CCCGGGAAAATAGAGGAAAGTATTAAGGTGGGAACTCAAACAAACAAACCAAC
AAACAAAGCCCAAAAAATACAAAGAGGAGCCATATCATTTCATTTTTTCTAGTG
TTGAACTTTTTTTTATCAATTTTAGACGCGGAAATTCTTGCCCGTGAAGGTTTGT
CAAAGTCCCAATTAGGTGGTGCCACATTCCATGAGGTTGAGGTGCGCTTGTCACT
GCCGGTGACTCTAAAGGAGAGAGCCTGGCCCACTAAAACGGCATTGGATTGCCA
ATTTTGCCCCCAGTTGTGGCTCATGCTTGCCACGCAGTATTGGTACCTTTCACAC
TCGCGCGCACGATATCCCCAGCACCCGCAACATTGGTGATCAGAACCAGGTTGAA
GTAACGGAAGCCATTGATTGTGAATCTAATACCTCCTGTTTTTCTACATGGCACCC
TGTTAGATTAATAATAAAAAAAAAAAGGTTAGAAGTGATAGTATTGCTGAATGC
AAGAAGAAAAATAGTATCAATACTCCTATTACGGATTACGAAGGCCCATAGGTTT
GTACTTTTCTACGGATGACTTGTGTCTCAAATCAGCATGGATCTACTTAAAAATG
TTCTTCTGACTTTATGCCCTGATTTTCTGGGAACAATTTAATTTTCTTATGTTTATT
TACTAGAATACCCTCAATTTACTTATTAATTTACAGTAAGTTATCACAAAATATGT
CACAAAATAATTAAGAAATGAGAATATGTAATTAATAATAATAATAATAATAAT
ATAATGGAATAATTGAAAGACTAGAATATCCGATGACTACTTGTATTAGTAGTGA
CAATAGAGGTTACTTTGGTCAATTCGGCCTTAGACACCAGAACAATAAACATAGA
CTCTACGGGCCTAAAAGCACAAAAATGCAGAGCTTCACAACTTAAAAAAAAAAAA
AAAGGGAAAAGGTTCTTGTTTTACCAAGTCCTGTATTGATTTGGCAACAAGTTTA
CTAATAAACCAATGATTAACAAGTTTGCTAGTAATTGTTCCCTATAATCCTATATC
ACATATTGAAAGCGTTATTATTACTCAACGCATATTAATAAAGGCTGTCAGATCA
GGTGATGTATGTGGAAGTGTAGAACTATAAAATGCATGCAGCAAAATTAAGTGTT
GTGGTTGTGGACAAAGAAGAATGGTCTTTCTAGTTTGTACTGTTGTATTTTTGGCA
GTGTACAAAGCACCGGAAAGAGGATTTCCGGTCTGCAGAAATGTTTAGTGACCAA
ATATAGTCCCAACTCATAAAATATTTAGTATTTATTAATTATTATGAATATTAAT
AAAATAAATTCTGAATATTTTTTTTGGCTTTTCTAGGATTACTGTTATAACTAAAAC
TGCTAATGCCATTCTAACACACTCTTTGTTCCCTCCACAAGAAAATTAACCAGCT
GGTTGAATAGCTCATCAATATTTAGACACATTAATAATAATAAAAAAAAAATAAATA
AGTTCTGTTATCTAATGTTGTAGTAGTTAAAAAAAAATTAAGGATTATATATGGTTA
ATTAATCTTTTAAATTTTTTAAAGTATTGAGCATTTCAAAAAATATTCTTCCAATAA
AATTTATTAGTTTCAAAGAATTAAGAAATGATTTTTTAAAGACATTCCTCGATAA
AACCTTCAAATAAATTAAGAAAGATTTGACAGACTAGAAGCTAGAGACAAAGCTC
ACTTTTACTGAGTGTATCTAAACAAAGATTATTAATAATTATATTCATGAAATGAG
AATTTATCGCATATTTGTGCATGAAATGACTTTTTTTTATAGATAGATATAATAATA
AAAAAGAAAAGTTCTAGCAATAAATAAAAGAAAAACAAAAGACACAAAATGTG
AAAATTAGTTACTCTTCTCTACTACTAATTGCAGACTTAATTTTTTTTCTTAAGG
CATGTGAGTTTCCCCCATATTTTCTGGGCAACCAGACAGCATAATCATGGGAAAA
CCAATCACCTCCATTAAAGCTGAAAAAGCCAAAACAATTAGCAAAAGAAAAAAA
AATAACAGGACTCACCGGCGGTAAGCAACCGGAACGATTCCCGCGCGGTATTGA
GCGATCTTGAGGAACATTGGCATGGCAAGATCGAAGTGCGGCCTCGGCGGGTTA
CACCAACCGCCATTACTGGGAAGAGCAAAATTTGGTGGGCAAAAGTTTGTGG
CGGTTATTAGTATGGAAGGATTGCCGGGGTTGCACCAACGGGGATCTTGGTTCGCA

