

## IDENTIFICATION

**Species:** *Chenopodium quinoa*

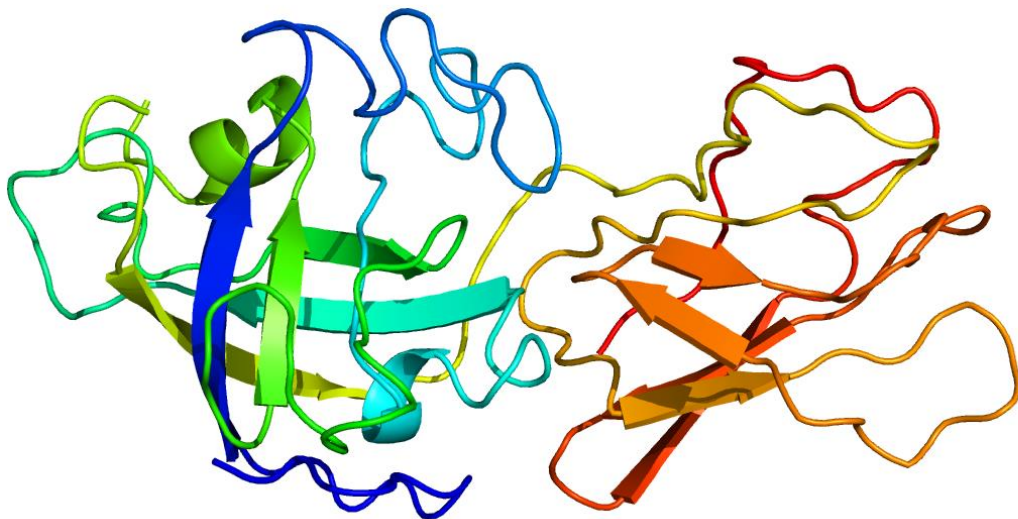
**Locus:** AUR62034258

**Gene Model:** AUR62034258

**Description:** CqEXPA-08

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0)

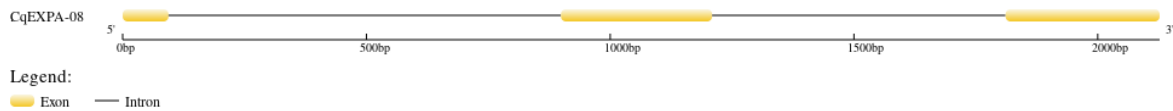
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

## EXTERNAL RESOURCES

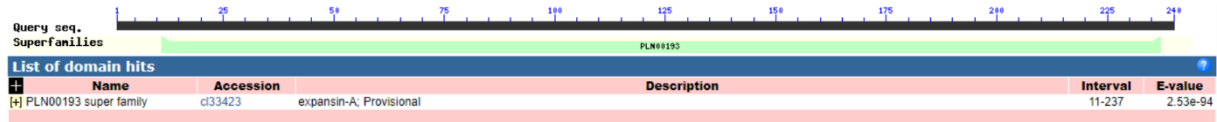
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CqEXPA-08

MFDGVNRRHANRWSNGHATFYGANQSPATLGGACGYDNTIHAGFGVHTTALSGV  
LFRSGEACGACYQVKCDYKADPKWCLRGRGVTVTATNFCPPNNQGGWCDPPRQHF  
DMAMPSFLRIARPGNEGIPIVFRVVSCHRRGGVRFMRGQGNFNMVMISNVGGSGD  
VKASWVRSSKAKRWVPMSRNWGVNWQSSKDLRNQMLSFKLTLVDGKTMTFNNVV  
PSFWNYGQTFSAKNQFMH\*

### CDS (coding sequence)

>CqEXPA-08

ATGTTTGATGGTGTCAATGGTCGTCGTCATGCTAATCGTTGGTCTAATGGTCATGC  
TACATTTTATGGAGCTAATCAAAGTCCTGCCACTCTTGGGGGAGCTTGTGGCTAC  
GACAACACCATACACGCTGGATTTGGAGTCCACACAACGGCATTAAAGCGGTGTGT  
TGTTTAGGAGTGGGGAGGCATGTGGAGCGTGCTACCAAGTTAAGTGTGACTATAA  
GGCCGATCCCAAGTGGTGCCTTCGAGGGCGAGGGGTCACCGTGACTGCCACCAA  
CTTTTGCCACCTAACAACCAAGGTGGGTGGTGTGACCCTCCTCGCCAACACTTT  
GACATGGCCATGCCTTCTTTCCTTCGTATTGCTCGACCAGGCAATGAAGGCATTAT  
CCCCATCGTTTTTCAGAAGGGTATCATGCCATAGGCGAGGCGGAGTCCGATTCACA  
ATGAGAGGGCAAGGGAACCTTCAACATGGTGTGATGATCTCCAACGTCGGTGGTAGT  
GGAGACGTGAAGGCGAGTTGGGTGAGAAGTTCCAAGGCCAAAAGATGGGTGCCT  
ATGTCCAGGAATTGGGGTGTAAATTGGCAAAGCAGTAAAGACCTAAGGAACCAA  
ATGCTCTCTTTCAAACCTACTTTGGTGGATGGCAAACCTATGACTTTTAAACAATGT  
TGTGCCTTCATTTTGAACTATGGCCAACTTTTAGCGCAAAAAATCAATTCATGC  
ATTAG

### Nucleotide

>CqEXPA-08

ATGTTTGATGGTGTCAATGGTCGTCGTCATGCTAATCGTTGGTCTAATGGTCATGC  
TACATTTTATGGAGCTAATCAAAGTCCTGCCACTCTTGGTAAGCTTATTACTA  
TCAAATATTCATTTAAATTGTTAAAAGTATTAACCTTTCTAACAAAATTAAGGCA  
ATGAGACGTATGTAGCTAACTTGCTTGCCGTGGATTAACTAATCTATGTATCGTT  
AATTAGTCTTTTTTTGCAAATGTTGAATCGATTAATAAATACTTTTGGCAGAACTA  
ATGCTAGGTTATTATTCAAGTACATTCAACAACCTATTGACTAACTAATGATAAAC

GTATTACATTATATATGTGTATATTGATATATTGAAACAAAGACATACTTACTACG  
ATAATTAACAACACTAAGGTTATTATTTAACAATATGTTATCTGTCTTACAACCTTAT  
AATCTCAATGAGTATTAGCAAATAATAGAATTGATTTTACAAAATAATTGTAATC  
AAATGCTCTCTAGGCCAATCCATACATAAGTCGAATATAACAACATGATATGATT  
TATTAGTATTTGTGATGGTAATTTTTTTTATTTTCATTTTAGTGGTCTTGATGAGTTA  
AAACCTAGCCTTACGATAAGCATTTTTAACTTAATTTGTTGAATAATGAAAGTTTA  
TTAGGAGGATGTATGCCACGTGACACATAAATGTTTTTAGGAACAATTTTTAGAA  
AATAAAGTATAGATATAAATATGTCAAACCTGATAGCAAGGAGTTCAATTCAGCT  
TGAGTAATAATTTTTTATGGTGATAATTAATCAAGAAGATCACAATAATTTCAA  
AATTATTATAATCAGGTACAATAAATAATACTGTCTAATTTAATTTAATATCCC  
TACTACTAGGGGGAGCTTGTGGCTACGACAACACCATACACGCTGGATTTGGAGT  
CCACACAACGGCATTAAAGCGGTGTGTTGTTTAGGAGTGGGGAGGCATGTGGAGC  
GTGCTACCAAGTTAAGTGTGACTATAAGGCCGATCCCAAGTGGTGCCTTCGAGGG  
CGAGGGGTCACCGTGACTGCCACCAACTTTTGCCACCTAACAACCAAGGTGGGT  
GGTGTGACCCTCCTCGCCAACACTTTGACATGGCCATGCCTTCTTTCCTTCGTATT  
GCTCGACCAGGCAATGAAGGCATTATCCCCATCGTTTTTCAGAAGGTATACTTAAA  
CCTTATTTACATTA AAAATTGAATACTTGATTCTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAATTG  
AATACTTGATAATGTTAGTGTATGTTGGTGCATGCATGTTTCATCTAAAATAAATGT  
TACATTAATAAAAATGTTAGTTGGTGTGATTTGAATGAACTTGTAACGTAAAAATC  
TAATCCAAAAATCCAAAAGAAGATTATAATATATACTTTCTCTGTTTTTATACTTG  
CAACACATACTTGTTGCACGCGATTTGAGGTCAAAATTTTATAATGCAAATGCCT  
AAATTATTCAATATAATTTTTATACATGATACCTAACTTTACTTTAATCCTCGTGTT  
AAAATTATTTAATAAAAATGTTTCGTTAATAAAAATGCTCGTTTACTTTTACTAAT  
CATCTCCTAAAACCTGCGTGCCTAAAAAGTTGCTAGTAAAAAGAAAAAGAGAAAG  
TATATGGTATATAGTATTTGGTTCCCTCATCTTTTGCTTACATACTATGGTCTTTTA  
ATGTACATGCATGCCTTGTGCGTACGTGCATGGTAGTTAAAATAATTGTCTAGTA  
ACTAATTTTGTATGCTTGATGAACATAAAAATATAGGGTATCATGCCATAGGCGAG  
GCGGAGTCCGATTCACAATGAGAGGGCAAGGGAACCTCAACATGGTGTATGATCT  
CCAACGTCGGTGGTAGTGGAGACGTGAAGGCGAGTTGGGTGAGAAGTTCCAAGG  
CCAAAAGATGGGTGCCTATGTCCAGGAATTGGGGTGTAAATTGGCAAAGCAGTA  
AAGACCTAAGGAACCAAATGCTCTTTCAAACCTCACTTTGGTGGATGGCAAAC  
TATGACTTTTAACAATGTTGTGCCTTCATTTTGAACTATGGCCAACTTTTAGCG  
CAAAAATCAATTCATGCATTAG