

## IDENTIFICATION

**Species:** *Boechera stricta*

**Locus:** Bostr.0556s0552

**Gene Model:** Bostr.0556s0552.1.p

**Description:** BosEXPA-02

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Bstricta\\_v1\\_2](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Bstricta_v1_2)

KEGG:-

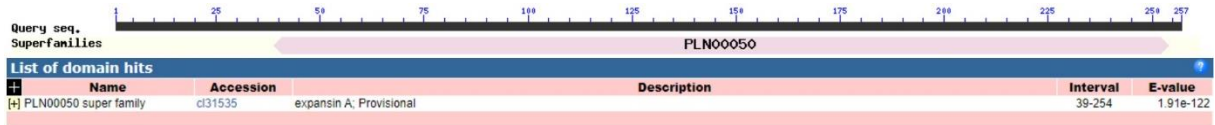
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>BosEXPA-02

MGVLVISVLVVQLLVFSVCVQGGYRRGGGHHPPGGHMGPWTNAHATFYGGGDASGT  
MGGACGYGNLYSQGYLETAALSTALFDQGLSCGACFELMCVNDPQWCIKGRSIVV  
TATNFCPPGGACDPPNHFFDLSQPIYERIALYKSGIIPVMYRRVRCRKSSGGIRFTINGH  
SYFNLVLTNVGGAGDVHVSVMKGSRTKWQLMSRNWGQNWQNSYLNQSLSFV  
VTSDRRSVVSYNVAPPSWSFGQTYTGGQFRY\*

### CDS (coding sequence)

>BosEXPA-02

ATGGGCGTTTTAGTAATCTCGGTTCTTGTGGTTCAGCTCCTAGTGTTCTCCGTTTG  
CGTTCAAGGCGGCTACCGTCGTGGCGGTGGCCACCATCCCAGCGGCCACATGGGA  
CCTTGGACCAATGCTCATGCCACTTTTTACGGCGGCGGTGATGCTTCCGGCACTAT  
GGGTGGAGCATGCGGGTACGGGAATCTGTACAGCCAAGGTTACGGACTGGAGAC  
GGCGGCGTTGAGCACGGCGTTATTCGATCAGGGACTTAGCTGTGGAGCGTGTTTC  
GAGCTGATGTGTGTC AACGATCCTCAATGGTGCATAAAAGGTCGATCCATTGTGG  
TCACTGCCACTA AACTTCTGTCCTCCTGGTGGTGCATGCGACCCTCCAACCACCAT  
TTCGATCTTCTCAGCCGATCTACGAGCGAATTGCTCTGTACAAGTCCGGTATCAT  
TCCTGTTATGTACAGAAGGGTTCGGTGCAAGAGAAGTGGCGGGATAAGGTTAC  
GATCAACGGCCATTCATACTTTAACTTGGTACTGGTCACAAACGTGGGTGGAGCC  
GGGACGTACACTCGGTCTCAATGAAAGGGTCGAGGACAAAATGGCAATTAATG  
TCAAGAAATTGGGGGCAGAATTGGCAAAGCAACTCTTATCTCAATGGTCAAAGTC  
TGTCGTTTGTGTC ACTACAAGTGATCGTCGAAGTGTCGTCTCGTACAATGTTGCA  
CCTCCAGTTGGTCCTTTGGCCAGACCTACACCGGAGGGCAGTTTCGGTATTAA

### Nucleotide

>BosEXPA-02

CTTTAAAAAAGTTAAAACCCTTAAAAATTTAAATTA AAAAGAGTACAGTGAAGACC  
ATAAAGCGGTTGCATGGACCCTGATTGATTACATTACCGCTAAAACCTTTGTCTGAA  
TCCTCCTTCCTATTTATACCACTCTCTTCTTCTTCTCCAGTTTCATCACACCAA  
ACTTCTCACATCTCCACATCTGTATTTTGACGAAAACACCCTTTTGCTTCTT  
TAGCTTCTCTCTCCTTTGCATGTTGTGATTGCTTTGCTTCACAACATGGGCG  
TTTTAGTAATCTCGGTTCTTGTGGTTCAGCTCCTAGTGTTCTCCGTTTGC  
GTTCAAGGCGGCTACC

GTCGTGGCGGTGGCCACCATCCCGGCGGCCACATGGGACCTTGGACCAATGCTCA  
TGCCACTTTTTACGGCGGGCGGTGATGCTTCCGGCACTATGGGTACCTTATCGATCG  
ATATCTCCATTAAAATTCCTTTCCATTTTCACTTCGATAACAATAGTTTTTTCTTT  
GTTTTTTTTGGACAACAAGATCACAATAGTTTAACTCACAAAAGGATAGTTTAGT  
CATTTCACTTCAAGTTTTCTGAGCTATCCCCCTCGTAACATGCAAACAATTTTAAA  
GGCTAGTCATGAAAATATTTACAAGATACTATATTAGTATTATATAAACAGAACT  
CGATTTTGAATCTAACGTTGTATGCTTACAACATTTAATTTTGTTCATATGTTTTAA  
AGTCTCAATTGGTTCAAACGTCCATTTTATGTTTGCCTTTAGATATATATATATA  
TATAATTTTTAAAAATATCAGATTTTTGTGATATAAAAACATTTTTTTCGTCTTTCAC  
ATAAAATATTTTCCCATAGCGTAATTTATACAGAATCTAAACGCAAACGTCAAAC  
TCTTCTTTTTGAAAAACACAAGAAAAACGCAAACAAACATTCGAAGACACTAAAT  
ATAAATTAAGAGTCGAATACTAGTTTTTGTGATGATTATAAACATTAATTTTGGC  
TAATGAACTACATTAGGTGGAGCATGCGGGTACGGGAATCTGTACAGCCAAGGTT  
ACGGACTGGAGACGGCGGCGTTGAGCACGGCGTTATTCGATCAGGGACTTAGCT  
GTGGAGCGTGTTTCGAGCTGATGTGTGTCAACGATCCTCAATGGTGCATAAAAGG  
TCGATCCATTGTGGTCACTGCCACTAACTTCTGTCCTCCTGGTGGTGCATGCGACC  
CTCCCAACCACCATTTTCGATCTTCTCAGCCGATCTACGAGCGAATTGCTCTGTAC  
AAGTCCGGTATCATTCTGTATGTACAGAAGGTACTAATATCTATTAACCCCGTT  
TAGACCCTCACAGAACTGAACTGAACTATACGTGTAGTTTATGAATATAGCACAT  
TGAACACTTGCTTAGAACCGTTATTTAAAGAAAAAGAAACATTTATTTAGAAATA  
TAACTCGTATCTTTGAAATTTCTAACACTATTAAGTAGATCTCCTTTTTTGACTTA  
GAGATATATAGTCAAATTTAGTAGACGAATATTTGAATGAACTAATCGTAAAAGC  
AAATAATAAGGTAAGACTAAAATTAAGTTGTACTIONTTTAGAAACATATGGACT  
TCTCTATACGTATGGCTTTTGTCTTAACTCTTAACTGGTTATCTCTTGTGTTTTTT  
CTTTCTAGTAAAAAGTTATTCTATCTTTTATTTTTGAACATTTTTTGTAGTACTTTT  
ATAGACTAATGAAGGCGAAGTAAGATTTCTTCTTACCTTACTTAATTATTGTTTCT  
GACTTTTTCATAGAACATATGAGTCGAAAAAAAAAATAGACGCGTATATTGAAC  
CATTTATAATCAGCGTTTGGTCCTATAAATACACATTTAATTCTTTTGGACCAGTT  
GACACATGTACGGTATTAATAGACCCAAAACCTTAATAATAGTGACATACCGAGC  
TTCCTAGACTCCTAGTGGTGAGAGCTTTCCCGTGAACCAAATTTACATATTTTAAAC  
TTTCACAATAGTATAAATTTAACTTATGAATCTTTGATGAATATTAATAGGGTTCCG  
GTGCAAGAGAAGTGGCGGGATAAAGGTTACGATCAACGGCCATTCATACTTTAAC  
TTGGTACTGGTCAAAACGTGGGTGGAGCCGGGGACGTACACTCGGTCTCAATGA  
AAGGGTCGAGGACAAAATGGCAATTAATGTCAAGAAATTGGGGGCAGAATTGGC  
AAAGCAACTCTTATCTCAATGGTCAAAGTCTGTCTGTTTGTGTCACTACAAGTGAT  
CGTCGAAGTGTCTCTCGTACAATGTTGCACCTCCCAGTTGGTCCTTTGGCCAGAC  
CTACACCGGAGGGCAGTTTCGGTATTAATTACACATAACCGATCCTGTTTGGTTC  
GGTTATGTAATGTTTTTTTTTCCGGTTCCAAGTTGGGGACTCTTTTTTAGTAACCA  
ATTGAGATTGGGATTGATAGTGATATGTAGCGAATATGTGTGGGAACGAGAAAG  
AGAGAGATATAATTCTCGTTTTTATTATATAAGAAAATGAAAGTGATGTTTATGCA  
TTTGTTTTAATTAATTTGTGTTATGAAC