

## IDENTIFICATION

**Species:** *Ricinus communis*

**Locus:** 27940.m000329

**Gene Model:** 27940.m000329

**Description:** RcEXLB-02

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

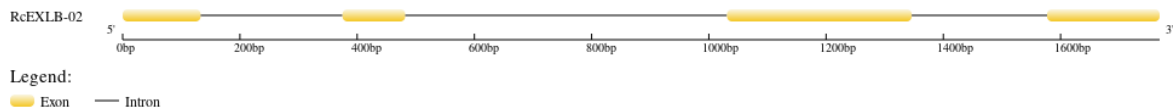
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Rcommunis\\_v0\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Rcommunis_v0_1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01087>

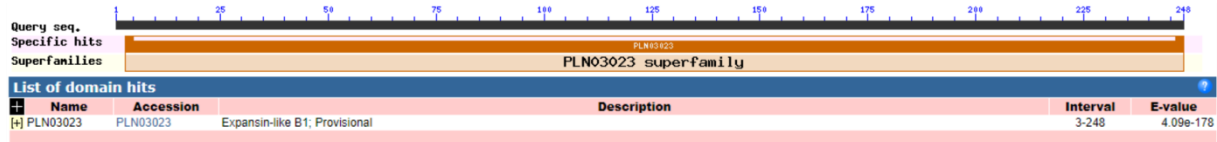
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>RcEXLB-02

MGFTFTYGYCMFCLMVLLPPITYSQDFTSSRATYYGSPDRLGTPTGACGFGEYGRTV  
NNANVAGVSRLYRNGTGCGGCYQVRCKAPHGICNDDGVNVVVTDYGEGDKTDFIL  
SSRAYARLARPNMAAELFA YGVVDVQYRRISCRYAGYNLIFKIHEYSRFPEYLAIVVL  
YQGGQNDILA VQIWQEDCKEWIGMRKAYGAVWDMPNPPKGYITLRFQVSGSAGLT  
WVQAKNAIPREWKVGVAAYNIQLN

### CDS (coding sequence)

>RcEXLB-02

ATGGGGTTTACTTTTACATATGGTTATTGCATGTTTTGTTTGATGGTACTACTACC  
GCCAATAACTTACTCTCAAGACTTCACTTCTTCAAGGGCTACCTATTATGGTAGCC  
CTGATCGCTTAGGGACACCAACTGGAGCTTGTGGTTTTGGAGAATATGGAAGAAC  
AGTCAACAATGCTAATGTGGCTGGGGTTTCCAGGTTGTACAGGAATGGCACTGGC  
TGTGGTGGTTGCTATCAGGTTAGGTGTAAGCACCGCATGGTATTTGCAATGATG  
ATGGAGTGAACGTAGTGGTGA CTGACTATGGCGAAGGAGACAAGACAGATTTCA  
TCCTTAGCTCACGCGCCTATGCAAGACTAGCACGCCCAATATGGCCGCAGAGCT  
GTTTGCATATGGCGTCGTTGATGTTTCAGTATCGGAGGATCTCTTGTCTGGTACGCAG  
GTTACAATCTTATATTTAAGATTCATGAGTATAGCAGATTCCCCGAGTACTTGGCC  
ATTGTTGTTCTGTACCAAGGTGGCCAAAATGATATCTTAGCTGTTCAAATATGGC  
AGGAAGATTGCAAGGAATGGATAGGCATGAGAAAGGCATATGGAGCAGTTTGGG  
ACATGCCTAATCCACCAAAGGGTTACATAACATTGAGGTTCCAAGTGAGTGGGAG  
TGCAGGGCTAACATGGGTCCAGGCTAAAATGCTATTCCAAGAGAATGGAAAGT  
TGGGGTTGCATATAACATTCAGCTCAATTA

### Nucleotide

>RcEXLB-02

ATGGGGTTTACTTTTACATATGGTTATTGCATGTTTTGTTTGATGGTACTACTACC  
GCCAATAACTTACTCTCAAGACTTCACTTCTTCAAGGGCTACCTATTATGGTAGCC  
CTGATCGCTTAGGGACACCAAGTATGTGCCTCATATTCCTTTATCTTTATGTTTAGT  
CATGGAAATATATACATTCACATCAAATTGTGTTGTATTATTAATTTTCTATATAG  
ACATAGAGATAGGAGAATACTATAATTGGACAGTCATTTAAATACTGAGAGATAT  
ATGGATTTACTATCAGTTTAAATTAATTCGGTATATAATCACATTTTTCATTAGTC  
TATTATGATGCTAATTCGTTTCGTTTCATAATTTTCTTAGCTGGAGCTTGTGGTTTT

GGAGAATATGGAAGAACAGTCAACAATGCTAATGTGGCTGGGGTTTCCAGGTTGT  
ACAGGAATGGCACTGGCTGTGGTGGTTGCTATCAGGTTTACAAAATAAAAACCAC  
AGTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTTAATTTTGTCAACGAACCGTATTTTGGAAATTTAT  
TTAACATTATATGATTATATTAATCACTATATAACGAAAGTGACTGTATCTACTAT  
GTACCTAGAAAGTATGGTAGAAAGTAATACCATTAATTAAGGATAAAGTTTTTA  
CATCCACTTAATCATTACTACAAATGTTGAAACTAACAAGCCAACATCTTAAAGC  
TTCTACGACTGCATATGAAAGAAGCTTAATTAATTATCAATTCATTTACACTTTTC  
TTTCTTTCTTTTTAGATAAAAACATGGTTAGCAAAGAAAAAGAAAAACAGATGGAG  
ATTCACCTTCAAATTACAATGTAGCATATACATATATATACATCAAATCATTAGGT  
GCTCTCAAATTTAAAATAAATTCAGCAAATGAATTAATTATTATGAAGTATTTAG  
ATAAGTCGGCATGCACTAACAAATAAAAAATTTGATAACGGTAGTGACAGTGAT  
GGTTAATTCGTTGTGCAATAATGATTCAGGTTAGGTGTAAAGCACCGCATGGTAT  
TTGCAATGATGATGGAGTGAACGTAGTGGTGACTGACTATGGCGAAGGAGACAA  
GACAGATTTATCCTTAGCTCACGCGCCTATGCAAGACTAGCACGCCCAATATG  
GCCGCAGAGCTGTTTGCATATGGCGTCGTTGATGTTTCAAGTATCGGAGGATCTCTT  
GTCGGTACGCAGGTTACAATCTTATATTTAAGATTCATGAGTATAGCAGATTCCC  
CGAGTACTTGGCCATTGTTGTTCTGTACCAAGGTGGCCAAAATGATATCTTAGCT  
GTTCAAATATGGCAGGTAACGGCATGTCTCCAGACCCTTA ACTATCAGGAAAATG  
TTGCTCAGTCCAATAACATAAGTTCCATTCATATACAAGTACTCGTACAATCTATC  
ACTGTGGTAATAAAAATGTCATTTAAAAGGAAATTATTAAGATGGAGTACACAAC  
ACTGTTTAAATATGAAATATAAGACCTTTTCTTAATACTACCATAATAATAATGG  
AAAAGAATTGATGGGTTGGATGCAGGAAGATTGCAAGGAATGGATAGGCATGAG  
AAAGGCATATGGAGCAGTTTGGGACATGCCTAATCCACCAAAGGGTTACATAAC  
ATTGAGGTTCCAAGTGAGTGGGAGTGCAGGGCTAACATGGGTCCAGGCTAAAAA  
TGCTATTCCAAGAGAATGGAAAGTTGGGGTTGCATATAACATTCAGCTCAATTA