

## IDENTIFICATION

**Species:** *Capsella rubella*

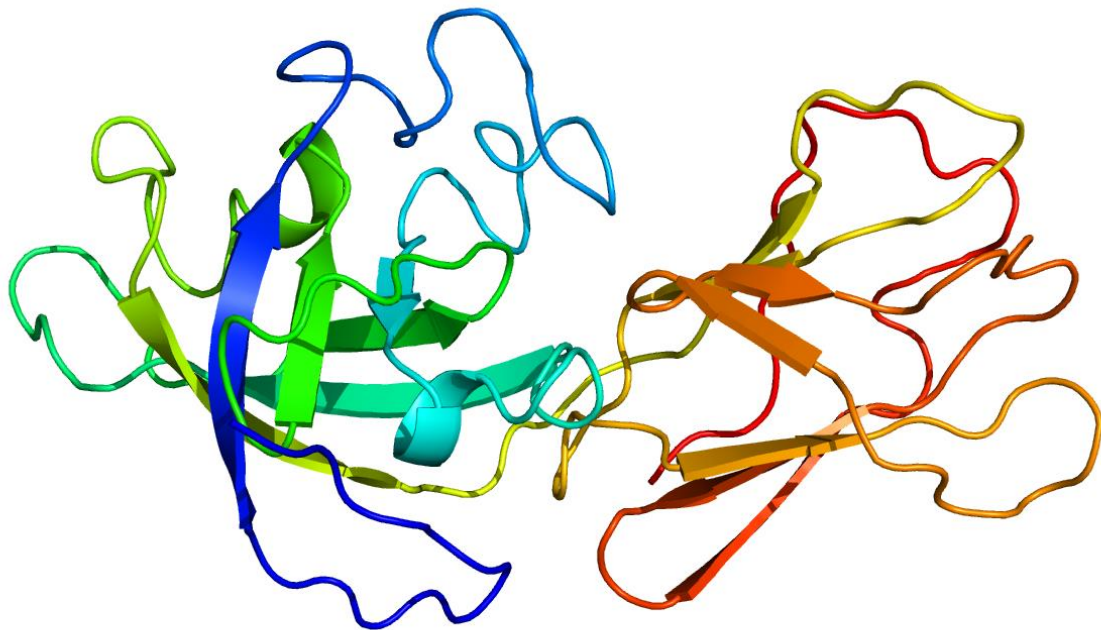
**Locus:** Carub.0006s0110

**Gene Model:** Carub.0006s0110.1.p

**Description:** CrEXPA-16

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Crubella\\_v1\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Crubella_v1_1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T02984>

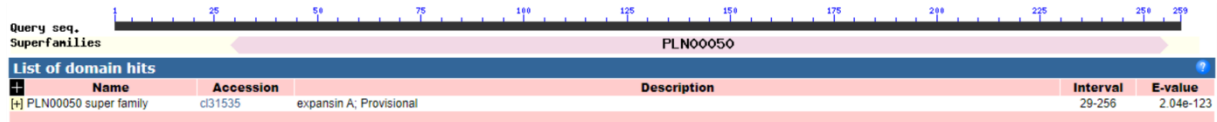
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CrEXPA-16

MAAKVITLMAVMLATAFTVHARIPGVYTGGPWVNAHATFYGGADASGTMGGACG  
YGNLYSQGYGVNTAALSTALFNGLSCGSCFELKCINDPGWCLPGNPSILITATNFCP  
PNFAQASDNGGWCNPPREHFDLAMPMFLSIKAKYKAGIVPVSYRRIPCRKKGIRFTIN  
GFKFFNLVLVTNVAGAGDVRKVSVKGTNTQWLDLSRNWQNWQSNVAVLVGQSLSF  
RVKTS DGRSSTSNNIAPSNWQFGQTYSGKNFRV\*

### CDS (coding sequence)

>CrEXPA-16

ATGGCGGCTAAAGTCATTACATTAATGGCGGTTATGTTGGCTACTGCCTTCACGG  
TGCACGCCAGAATCCCCGGAGTTTACACCGGTGGTCCCTGGGTCAACGCTCACGC  
CACCTTCTACGGTGGTGCTGATGCTTCTGGCACTATGGGTGGTGCGTGTGGGTAC  
GGGAACCTGTATAGCCAAGGCTACGGCGTTAACACGGCGGCTTTAAGTACTGCCT  
TATTCAACAATGGCTTAAGCTGTGGCTCTTGCTTTGAGCTCAAGTGTATCAATGAT  
CCAGGATGGTGTCTTCCCGGTAACCCATCAATCCTTATCACCGCCACTAATTTCTG  
CCCTCCAAACTTTGCCAAGCTAGCGACAATGGTGGTTGGTGCAACCCTCCTCGT  
GAGCACTTTGATCTCGCCATGCCTATGTTTCTATCCATCGCTAAGTACAAAGCCGG  
TATTGTCCCGTCTCTTACCGCAGGATCCCATGTAGGAAGAAGGGAGGTATAAGA  
TTCACAATCAACGGATTCAAGTTCTTCAACTTGGTGCTTGTCACCAACGTAGCCG  
GAGCAGGAGACGTCAGGAAGGTGAGTGTCAAAGGAACCAACACTCAGTGGTTAG  
ATCTAAGCCGGAACCTGGGGACAGAACTGGCAGTCCAACGCTGTTCTTGTCGGCCA  
GTCTCTTTCTTTCCGAGTCAAACCTCCGATGGCCGAAGCTCCACCTCCAACAAC  
ATTGCTCCGAGTAATTGGCAATTTGGTCAGACTTACTCCGGCAAGAATTTCCGCG  
TCTGA

### Nucleotide

>CrEXPA-16

CTTCTCTCTCTCTCTTCCACAACCAAAAAAATAAACCAAACTTTTGGCTCCGTAC  
TAAAGTTAGAAAAAATGGCGGCTAAAGTCATTACATTAATGGCGGTTATGTTGGC  
TACTGCCTTCACGGTGCACGCCAGAATCCCCGGAGTTTACACCGGTGGTCCCTGG  
GTCAACGCTCACGCCACCTTCTACGGTGGTGCTGATGCTTCTGGCACTATGGGTA  
CACTCTCTCTCTCTCACCTCCTCTGTTTTGAAACAGGGTTTATTTATCTTTTTT

TTGTGGTGTAAACAGAGTACATAAATCTCCAAATGCAACATTTCACTAGAAAAGT  
TACGTTCTTGATAAAAATCTCCAAGTTAACTATTTTGAACCCATAAATGTTCACT  
GTATATATATTCAATATGTAGGTGGTGCCTGTGGGTACGGGAACCTGTATAGCCA  
AGGCTACGGCGTTAACACGGCGGCTTAAAGTACTGCCTTATTCAACAATGGCTTA  
AGCTGTGGCTCTTGCTTTGAGCTCAAGTGTATCAATGATCCAGGATGGTGTCTTCC  
CGGTAACCCATCAATCCTTATCACCGCCACTAATTTCTGCCCTCCAAACTTTGCC  
AAGCTAGCGACAATGGTGGTTGGTGCAACCCTCCTCGTGAGCACTTTGATCTCGC  
CATGCCTATGTTTCTATCCATCGCTAAGTACAAAGCCGGTATTGTCCCCGTCTCT  
ACCGCAGGTAACCTAATCTCTCTTACTCTGTTTTCACTAAATATACTCTGTTTTAA  
CCTTTTTAAGTTGCAAACCTCTGAGCATAGGAGCAGCATTGACTCTATTAATAACT  
AAAACACCTAACCTAAAAAAGTACACTTATTTATGGGTAAACATTTTCGAGATCCAT  
CCTATGAAACCGCCTAATGTTGCTCAGTCAAAGATGTA AAAAAGATATTGCTTCA  
GAAGTGACTTTTTGTTTTGGGAGTATATATAATTAGGATCCCACGAATCTAAGAAT  
CTGTGAGCTTGAAGATTTTTCTCAGAGCCTTCGCATGTTCCACTCTATTCTTTATTC  
CATTTTCTTTTGATTTCCCGAGAAAGTTATTTCTTTTCTTTTTATTTTTTTCGGGA  
ACCAAACATGTAAAAAAGGTTTATTTTCTTGGGTAAATTTGTTGTTAGTACGTTT  
TTAAACAATATATGCTATTTAGTACATTTTTTATTTCATAATTTGCAAAATAGGTG  
TTGTGTAATAAGGGTTGTGTGTAATAGAATTTTGTGTGGGGTAAGAGGTTGTTGG  
GTGAAAAGACAAAAATAGGGCATGTGTTTGTGGTGTGAGTCGTTTGTGTTGGAG  
AGAAAGAGAGGTGTGTAATAGTTTTTTTTTTAATTATTTTCTTTTTCTTTTTATTA  
CACCATTCCAATCTAATAACTAAAATGTTCCACCAATATATATATTATTTTTGATAT  
TTTTCACAAACAAAAAATCTATGTTTTTTTCTCTACAATTTGATATGCATTTTGT  
AAATGATTTTAAATTTATATAATAGTCTATATATATACAATTATATCTGTACATAT  
ATTTTTGTATACAGCTGTTATACATACATTTTTTGTACATATAATAAGTGTACAGT  
TTGATCTGTACAATTGTATTTGTACATATATCCTATTGTACAAATACGTGTACAAT  
GCAATATAATAGTCAATATATATACAATTATATCTGTACATATATTTTTGTATACA  
GCTGTTATACTTACATTTTTTCTGTACATATAATAAGTGTACAATTTGATCTGTACA  
ATTGTATTTGTACATATATCCTATTGTACAAATACATATAACAATTGTTTACTACAT  
GTACACTAATATATGTACACTTATTAAGTTGTACAGATGTACATATATACACGTTT  
TAGGTTGTACGGATTACATCTGTACACTTAGTAAGTTGTACAGATCTAAAATTTAT  
AAAAATTATTTGTTATTATCAAATAAAATCATCAAACAAAATGCATATCATATAA  
TAGAGAAAAAACATAGATTTTTTATATATCTGAAATTTTTATAATTTCAAATTTTC  
ATTTACTAGTATTTTAGTTTTAAGATTGAAGGAGAAATTTAATAAAAAAGAAAA  
AAGAAAAAGAAAAATATTAATTA AAAAGTGGGAGTTGATCTCTTCGGTTTGGGGG  
GATAAATGTTTCAGTGGCATTAAATAGTAAATAGATGGATATAATAATGGCAAAC  
ATGGCTGTGTGCAAAGTGAACAGTGACTTATGTGTATTTTGC AAATTATAAATA  
GTGAATGTATCAAATAGCATATTATGTTTTGAAAACGTA CTATATTGCCAATTATT  
CCTATTTTCTTTCTATTAACGTACTGTTTTAGTTGAGTTCATGCAATCACCTTTCCT  
GTCTTTTAGTCTCTTTAAAGCCATAACCTTTAAATCAAACGAACCTAACCTA ACTT  
TTCAATCTGAACTTACCAACATACCCTTTAAACCCGGGTTCGGTTATTAGTCCATGG  
ATCCGGGTCAAACCTATAGTGCCTTGAACCTAGCTAAGAGCAAAGGACCGACA  
CTTGCTCGCTCCACCCCATACATTTGCCTGGTCATCCGCGTAGCCCAAACCGAGT  
CGGGTCATCACTGCGTACTATGAGTTCACTTAGTTCATGAAGTCACGTAAAACA  
ATAAAAAAATATTCAGATGGTTCGAATCTAATATAGTCCATTATTATTAATTTTCG  
CAATTTTTGTTACTGTTGTAGAAAATACATTTTCATAGGTA ACTAATAACAATAAT  
AAATTTATGGGATGTTGCAGGATCCCATGTAGGAAGAAGGGAGGTATAAGATTC  
ACAATCAACGGATTCAAGTTCTTCAACTTGGTGCTTGTCCAAACGTAGCCGGAG

CAGGAGACGTCAGGAAGGTGAGTGTCAAAGGAACCAACACTCAGTGGTTAGATC  
TAAGCCGGAAGTGGGGACAGAACTGGCAGTCCAACGCTGTTCTTGTCGGCCAGTC  
TCTTTCTTTCCGAGTCAAACCTCCGATGGCCGAAGCTCCACCTCCAACAACATTG  
CTCCGAGTAATTGGCAATTTGGTCAGACTTACTCCGGCAAGAATTTCCGCGTCTG  
ATTTCTCGAAAAATAAAAAGAATCGCATGGCGGAAGATATATTGAAGCTTCTTTT  
TTTTCTTTTCTTTTTTCATCAAATATATATATTTACGTGTCTTTGATTTAGCTTACA  
ATTTGGAATTGGGGTTTTACCATTTTTCCCTTATTTTCTCAGGGAAAGTATTGGGA  
TTGCTTGGTTTGAAAGTTAGGGCTTTATTTTAAAGATTAGGGTTGTGTTGTTGTTT  
TTTTGGTTTCATTTGGTGTGTTTGTGTCTTGTGTTGGTATGTAGAGAGGCTGAAGCG  
GCTGCAAAAATCAAGGGTTGGGATAAAGATAAATGTAGCCCGCAGCTCTCTTTTA  
CGTTCTGATTGTATTAAGTATATATATATATATTATGAAAGAA