

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

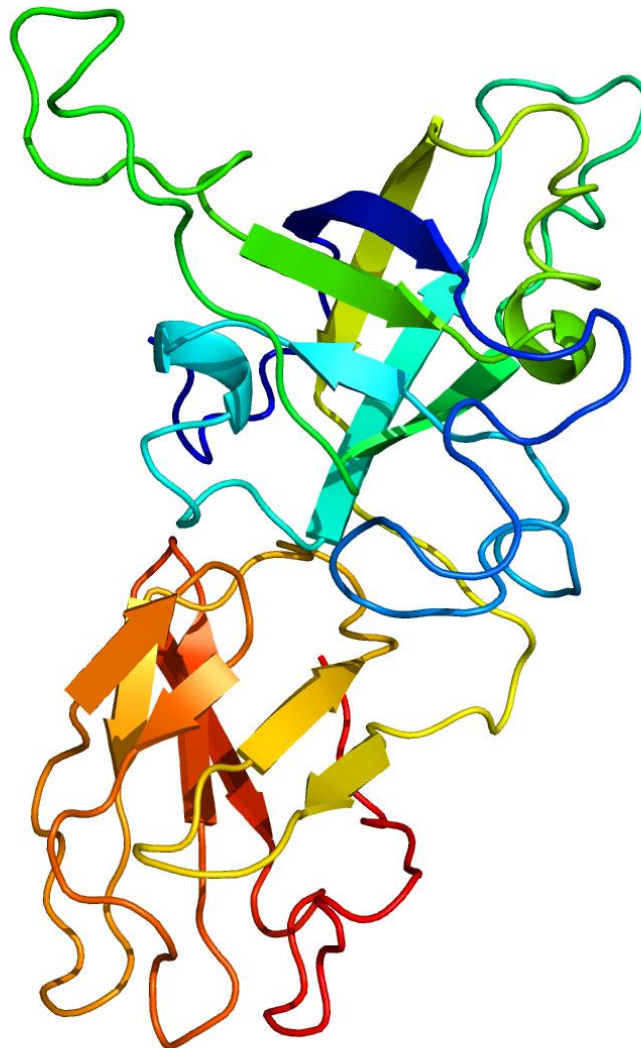
Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA12337

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA12337

Description: TprEXPA-08

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

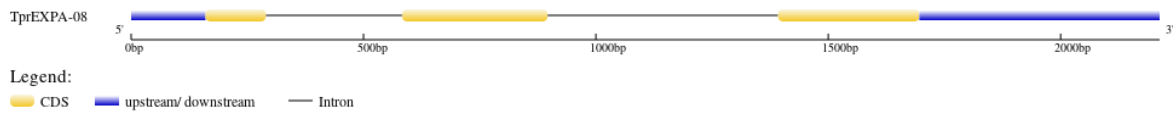
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

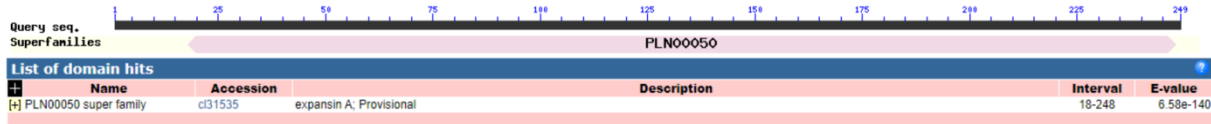
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXPA-08

MALLGLLL VGLVLSLGSTVFASNDGWIDAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQ
GYGTNTAALSTALFNSGLSCGACFEIKCVNDQRWCLPNSIVVTATNFCPPNNALPNN
AGGWCNPPLHHFDLSQPIFQQIAQYKAGIVPVAYKRVP CQKKGGIRFTINGHSYFNLV
LITNVGGAGDVTA VSIKGSKTNWQPMSRNWQNWQSNSHLDGQSLFKVTSSDGR T
VVANNVAPAGWSFGQTFTGIQF*

CDS (coding sequence)

>TprEXPA-08

ATGGCTCTTTTGGGTCTTCTCTTGGTTGGATTAGTTCTCTCTCTAGGATCTACTGTC
TTTGCATCCAATGATGGTTGGATTGATGCTCACGCTACCTTCTATGGAGGGGGTG
ATGCCTCTGGCACAATGGGTGGAGCATGTGGATATGGGAAC TTGTATAGCCAAGG
GTATGGGACTAACACAGCTGCTTTAAGCACTGCTTTGTTCAATAGTGGATTAAGT
TGTGGAGCATGTTTTGAGATTAAGTGTGTTAATGATCAAAGATGGTGTCTTCCAA
ACTCAATTGTTGTCACCGCAACAAATTTTTGTCCACCAAACAACGCACTTCCAAA
TAATGCAGGTGGGTGGTGTAAACCCTCCGCTTACCATTTTGATCTCTCTCAACCTA
TCTTTCAACAAATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTTCCAGTTGCATACAAAAG
GGTCCCTTGCCAAAAGAAAGGAGGCATAAGATTCACAATCAATGGTCATT CATA C
TTTAACCTAGTACTAATTACCAACGTTGGAGGTGCTGGT GATGTTACTGCTGTTTC
AATCAAAGGTTCAAAA ACTAATTGGCAACCAATGTCCAGGAATTGGGGTCAAAA
TTGGCAAAGCAACTCTCACCTTGACGGACAAAGTCTCTCCTTCAAGGTC ACTTCT
AGCGATGGTCGGACTGTGGTCGCTAATAATGTTGCACCCGCTGGATGGTCCTTTG
GTCAGACCTTACC GG TATT CAGTTCTAA

Nucleotide

>TprEXPA-08

ATCCAAGTCCCTATCCCAACATTCATCTATTTATACCTCCCACATGCTCTTCTTTTT
CCTCACA ACTCATATTTTCTTTGCCTCTCTCATTTGAGGCATTATTAATTCAATTA
CACTAGGATTTTTTCTCCATACTCATCACTTTCTCAAGAAAAAAAAAATGGCTCTTT
TGGGTCTTCTCTTGGTTGGATTAGTTCTCTCTCTAGGATCTACTGTCTTTGCATCCA
ATGATGGTTGGATTGATGCTCACGCTACCTTCTATGGAGGGGGTGATGCCTCTGG
CACAATGGGTTAGTAATTAGCACTTTTTTATGAAAATTATCTTGGGGTTATATATT

TTGAGTCTCTAATTAGACCCAAAATGAAAATTA AAAACACTCAAATTTTATAAAATT
AACTATGCTTAACAGGTATTCTGAAGACACTGTTTAGCATGACGCTTTAAATTTTA
TAGAAATAAAAATATATTTATTTATACACTTTTAATGTGTACAAGATTAATGGATT
TAAAGTATAATGTATAACCTTAAAATATTTTATGTTTTATAATTTTTTAATGTGAT
TTTTGTGCTTTAATTATTGTAGGTGGAGCATGTGGATATGGGAACTTGTATAGCCA
AGGGTATGGGACTAACACAGCTGCTTTAAGCACTGCTTTGTTCAATAGTGGATTA
AGTTGTGGAGCATGTTTTGAGATTAAGTGTGTTAATGATCAAAGATGGTGTCTTC
CAAACCTCAATTGTTGTCACCGCAACAAATTTTTGTCCACCAAACAACGCCTTCC
AAATAATGCAGGTGGGTGGTGAACCCCTCCGCTTCACCATTTTGATCTCTCTCAAC
CTATCTTTCAACAAATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTTCCAGTTGCATACAA
AAGGTA CTTAAATTTTTCTTATTTGTTTCAAGATTTTATACTTTTATAATTTTCTA
CATTTTTTTCTATGAGTAAAAATTATTTATTGATTCAAAAAGGATATACACAATTA
TGTGTTTCGACAGTTAGACTGGAAAATACAGGAGTATATGTGTAATTATAAAAATAT
AAAAATAATATATAAAAATTAATGGATTTTTTCACACCGCTAGACCTAGTGGACTC
TCAAATTTCTTTTATATATAGCCACAAAAAACA AAAAAAAAAAACTTTAATATA
TTAAGATTA AAAAGACTAGATGATTTTTTTGTCAAAAAAAAAAAGACTAGATATATT
TCTTTATTTTATAAGAAGACAAGATATATTTAACATGTTCTTATTCTAGGAATATA
TTCCCTTGCCACGGTGACGGCACTTCTTTATCTAATTGTTACCTTATTTTGCCACTT
TATTTGATTCTCTCTTTTTGT TTTCTCTTTTTAATTGTTGATAACACGTATAGGGTC
CCTTGCCAAAAGAAAGGAGGCATAAGATTCACAATCAATGGTCATTCATACTTTA
ACCTAGTACTAATTACCAACGTTGGAGGTGCTGGTGTGTTACTGCTGTTTCAATC
AAAGGTTCAAAA ACTAATTGGCAACCAATGTCCAGGAATTGGGGTCAA AATTGG
CAAAGCAACTCTCACCTTGACGGACAAAGTCTCTCCTTCAAGGTC ACTTCTAGCG
ATGGTCCGACTGTGGTCGCTAATAATGTTGCACCCGCTGGATGGTCCTTTGGTCA
GACCTTCACCGGTATTCAGTTCTAATTGGATCTGCTACATTAGTGCTGATACAATT
AGTTAGAATATTATAAAAACCATTAATATTTTTGTTATTGGGTATGTTGGCTGGTTA
AAATTAAGGAATTATTCTATATTTGTTATACTTAGTAGTAGTAGGATACAATATAT
AATATAATAGAAAAATATCAAAAATAATTTTGATATATAGGAATGAGTTTTAGAG
GCAAATGAAAAGGGCTTATTTTAAAATGGTCCTGTCATTTGGGTTATGGTATGAG
GCAATATATGTTATGCTCTCAATTAGAAGGCAGAGGTGGATGTTTGT TTTACAATTT
ACCACCCGCCAGAGTCTTTTATTTTATTGTATGGTTTGTATTATGTATCAACCCCA
TATTA AAAAATAAAGAGATTA AAAATAAATTGCTTAATTTTATTTTAACTCTTGTA
TTTTGATTGATTGTATGATTTTGATCTCTTATATATTCTAATTCATTTATTAGAGA
TCAAAGGATCAATATAATAAATATAATATGCTATGTCAA