

IDENTIFICATION

Species: *Asparagus officinalis*

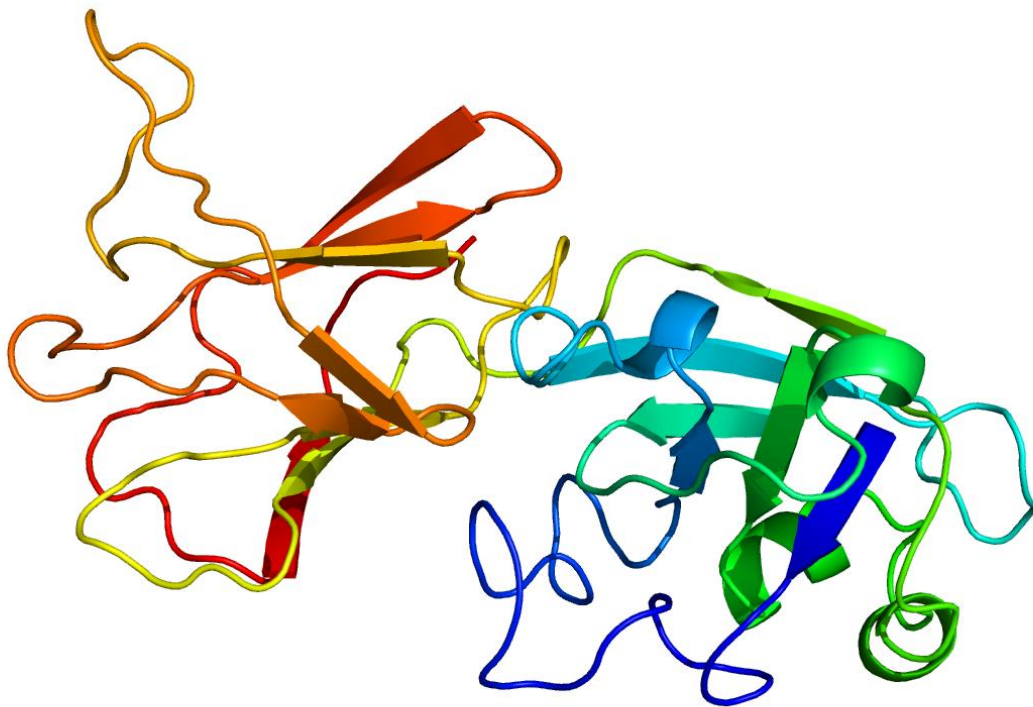
Locus: evm.model.AsparagusV1_10.675

Gene Model: evm.model.AsparagusV1_10.675

Description: AofEXPB-04

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aofficinalis_V1_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05243>

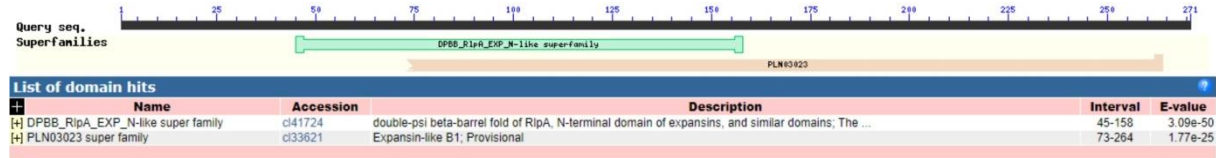
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AofEXPB-04

MANYGFSLKLSALLAFRSLVFEPVACFNPKLLNLSSASPTESWPSAGATWYGSAN
GDGSDGGXXXXXXXXIAAGNPNLFKSGKGCACFQVKCTCNAACSGNPVTVVITDSCL
GGPCLAEPVHLDMSGTAFGAMAVQGQADQLRDAGVLQVQYTKVECNYPGVDFIAFH
VDAGSNPNYFAVVVEYEGGDGDLGALDLHQGSQSPSSSSSSWMSMQQSWGAVWKL
NSGSALQAPFSLRLTSLSTGKTLVANNAVPVGWQPGKTYRSFVNYS*

CDS (coding sequence)

>AofEXPB-04

ATGGCTAATTATGGGTTCTCACTCCTGAAACTTTCAGCTCTGCTAGCTTTTCGCTC
TCTCGTTTTTCGAGCCCGTTGCTTGTTTCAATCCCAAGCTATTGAATTTATCATCTTC
AGCTTCTCCGACGGAGTCCTGGCCCTCTGCTGGAGCTACTTGGTATGGAAGTGCC
AACGGCGATGGAAGTGATGGTGGTNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNATTGCGGCTGGT
AACCTAACCTGTTCAAATCTGGCAAAGGCTGTGGTGCTTGCTTCCAGGTGAAAT
GCACCTGCAATGCTGCGTGCTCTGGCAATCCGGTGACGGTCGTTATAACTGACTC
GTGCCTCGGCGGCCCGTGCTTGCAGGAGCCCGTGCAATTTAGACATGAGCGGGACA
GCTTTCGGCGCCATGGCTGTTCAGGGGCAGGCTGATCAGCTTCGCGATGCCGGGG
TGCTTCAGGTCCAGTACACTAAGGTCGAGTGCAATTACCAGGTGTTGACATCGC
TTTCCACGTCGACGCTGGGTCCAACCCCACTACTTCGCCGTCGTTGTTGAGTACG
AGGGAGGCGACGGTGATCTCGGAGCCCTTGACCTCCATCAAGGATCCCAATCACC
ATCATCATCGTCATCGTCATGGATGTTCGATGCAGCAATCATGGGGTGCAGTCTGG
AAGCTAAACTCAGGATCGGCATTGCAAGCGCCGTTCTCGCTGAGGCTTACGTTCG
TGTCGACGGGGAAGACGCTGGTGGCGAACAAATGCTGTTCCGGTCCGGGTGGCAGC
CCGGGAAGACTTATCGCTCTTTTGTAAATTACAGTGATTAG

Nucleotide

>AofEXPB-04

ATGGCTAATTATGGGTTCTCACTCCTGAAACTTTCAGCTCTGCTAGCTTTTCGCTC
TCTCGTTTTTCGAGCCCGTTGCTTGTTTCAATCCCAAGCTATTGAATTTATCATCTTC
AGCTTCTCCGACGGAGTCCTGGCCCTCTGCTGGAGCTACTTGGTATGGAAGTGCC
AACGGCGATGGAAGTGATGGTAGTCTCCACAACGGCATTGCTTTTGCATCAGGA

TTATTTTTTCGTATATTTAAGTTTTAAATGACTTTAGATAATTAATTGGTAAATAAA
TTCGATAAGATGATTTTTAACTTTTAACTAATCCGTTTTTTTTAAACGTCAGTGTGC
AGTTCTTTTGATTTGAGAAACAAGAAATACAATCATAACAAGAAATACATTTTTT
TTGATAATAAATTAAGTGGTAATGTGGTCAATGAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
ACCAAATAGTATTGAAAGATAACTAAAAGCTATCAGAGTAGTACTATAGTTTTTA
TTAATGGTTGATTATTTGAAAACAAATATTCACAAAAGAATTGAATTTTTTAAGTA
GCACTATTTCTACAATTGTTTTAATTCCTGACTCATAACATTTGAGCATAGATATTT
ATCATGATGATTAATTAAGAGAGACAAAGATATTGAGATTAGGCATTGACAATG
AAGAGGACCTTGGAATTCAGATTTTCAACAATTAATGTGATTAAGCATATAAAT
AGTCCGCGGAAAAAAGAACGCTAGCCCTTCAATGCTAACATTAAGTAATAAATTC
ACTGTTTACAACAAGGGTTTTATATGACCCACCTTTAAAATAGGATCTTTCCGTA
TAAAATATTTTTAATTTCAATTTATATATAAACTATATACAAATTTTTGATTTTCA
ATTTAAAATAAGATCATTCCATGTAAAATATATTTTTACTTCTGATTTAAAATATT
CTTTTGTTGCGATCATCTACATGGGTCTACTTTTCAGTCAAACCTTTTTTCGTAATTG
ACTCCACCTAACCTTCATTAACATAATTCCTCTGGTATAATTGGTATTCGGCAACT
AACTCTTGATCAAAATCGAAAAACCTTGATTGAAAAGCGAGTCTAGGTTGCAA
CAAATAATTGTTAAAGATGCATAGTTTATTATAAATTGACAATAAAAGATCATT
AACTTCTTTAGAATGATTATCTGTCAAAGGTAGTTTCTTGGGGGGGAACCCCTTAT
AACAAAAATAATAAAAATAAAACATGCATATACTTTCACACAGTTATGCGCAC
GTATGGCGTATAACAGTTGATTACATACGAACGATGTACATACACAAAAACTT
ATGCAATATATTGAGCACAAATGGACGAATGAATCAGGTGGTNNNNNNNNNNNN
NNNNNNATTGCGGCTGGTAACCCTAACCTGTTCAAATCTGGCAAAGGCTGTGGTG
CTTGCTTCCAGGTAATTACTACTTATAGGAATTAATTTCCCTAAAAGTTGTGTTCA
CATAATGAAAATTGCGCCGGTAATTAATGTTTTGATCAGGTGAAATGCACCTGCA
ATGCTGCGTGCTCTGGCAATCCGGTGACGGTCGTTATAACTGACTCGTGCCCTCGG
CGGCCCGTGCTTGCAGGAGCCCGTGCAATTTAGACATGAGCGGGACAGCTTTCGGC
GCCATGGCTGTTCAAGGGGCAGGCTGATCAGCTTCGCGATGCCGGGGTGCTTCAGG
TCCAGTACACTAAGTAAGATAGCTAATTGGAAATTATTTCCAAATAAATCAATC
TCATACTTAATTAAGCGTGACTTTGATGAGAGCTAGCTCTCGTAACGCACTCGTTA
AAAAATAATTGTTATTCTACGTACTGAGAACAATAATGCAAATCATAAAAGATATT
ATAGGAAGTGTTAGATTTGAAATAAATAATCACACATTCATTTATTAATAAAATTT
AATCAAGTCAATCTATTCTTGAGTAAAAGAATTCAAATGCTATAATTAGGTGATT
ATATATTACCGGTGCACCAAAAACCTATCTATTCTTGAGTAATTAATTGAAGTAAT
CAAGAACTCTGAGGATTATTAGTATACAATTCATCACTTGATTATATAATGGAA
TGAAAATAGTTGATTGTTTGGTTTGACCTCGTCCAAAATCAGTTACACGAACATT
AATTGCCTCAAACCTTCCTGCAGGGTCGAGTGCAATTACCAGGTGTTGACATCGC
TTTCCACGTCGACGCTGGGTCCAACCCCACTACTTCGCCGTCGTTGTTGAGTACG
AGGGAGGCGACGGTGATCTCGGAGCCCTTGACCTCCATCAAGGATCCCAATCACC
ATCATCATCGTCATCGTCATGGATGTGATGCAGCAATCATGGGGTGCAGTCTGG
AAGCTAAACTCAGGATCGGCATTGCAAGCGCCGTTCTCGCTGAGGCTTACGTCGC
TGTCGACGGGAAGACGCTGGTGGCGAACAAATGCTGTTCCGGTCCGGTGGCAGC
CCGGGAAGACTTATCGCTCTTTTGTTAATTACAGTGATTAG