

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

Locus: Medtr4g063975

Gene Model: Medtr4g063975.1

Description: MtrEXPA-11

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

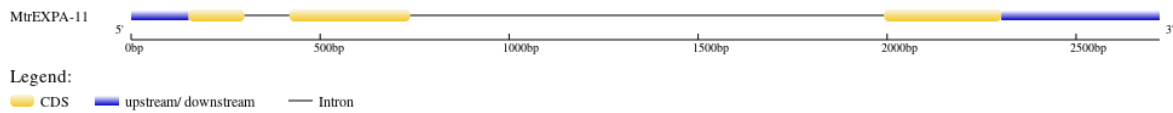
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

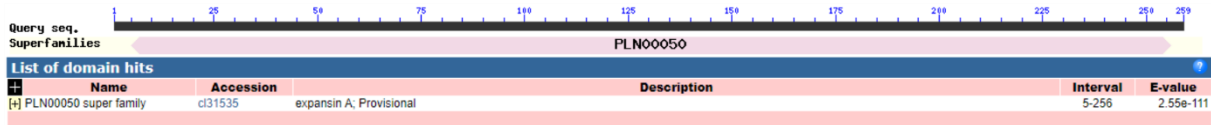
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPA-11

MVAKMLYIAFIITSMYIVQARIPGVYSGGQWQDAHATFYGGSDASGTMGGACGYG
NLYSQGYGVNTAALSTALFNGLSCGACFEIKCANDKEWCHSGSPSIFITATNFCPPN
FAQASDNGGWCNPPRPHFDLAMPMFLKIAEYRAGIVPVAYRRVPCRKRGGIRFTVNG
FRYFNLVLISNVAGAGDIVRAYVKGTRTGWMPLSRNWGQNWQSNVAVLVGQALSFR
VSSDRRSSTSWNIAPPSWQFGQFTTGKNFRV*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-11

ATGGTGGCCAAAATGCTCTACATTGCTTTCATAATTATCACTTCAATGTACATTGT
TCAAGCTAGAATTCCTGGTGTACTCTGGTGGTCAATGGCAAGATGCTCATGCT
ACTTTCTATGGTGGATCTGATGCTTCTGGCACCATGGGAGGAGCATGTGGGTACG
GAAATTTGTACAGTCAAGGTTACGGAGTGAACACAGCAGCATTAAAGCACTGCTTT
GTTCAACAATGGTTTAAGCTGTGGTGTGTTTTGAGATAAAGTGTGCAAATGAC
AAAGAGTGGTGTCACTTCTGGGAGTCCTTCAATTTTCATTACTGCTACTAACTTTG
TCCTCCTAATTTTGCTCAAGCAAGTGATAATGGTGGTTGGTGTAAACCCTCCTCGTC
CTCATTTTGATCTTGCTATGCCTATGTTTCTTAAGATTGCCGAGTATCGTGCTGGT
ATTGTCCCTGTTGCTTACCGCAGGGTGCCATGCAGAAAGCGCGGTGGAATAAGAT
TCACCGTGAACGGATTCCGTTACTTTAACCTGGTGTCAATTAGCAACGTAGCAGG
TGCTGGTGATATCGTGCGCGGTACGTGAAAGGCACTCGAACCGGGTGGATGCCA
CTGAGCCGAAACTGGGGTCAGAACTGGCAATCCAACGCGGTTTTAGTGGGCCAG
GCTTTGTCTTTTCGTGTTTCAAGCAGTGACCGTAGATCTTCAACATCTTGGAACAT
TGCTCCTCCTAGTTGGCAATTTGGTCAAACCTTCACTGGAAAGAATTTTAGGGTTT
AA

Nucleotide

>MtrEXPA-11

GCACTTCCCAACTCCATAAGTACTCCCCTCTCCCACACTCTCACTGCCCAATCAA
CTCTCACCTCCCAATCAATCTCTACTCTAGGGTAGGTTCTTTGTTACTTATAATTTT
CTCATTCGGAAAAGAAGAACAAAAATACTTCAAATAGCTATGGTGGCCAAAATG
CTCTACATTGCTTTCATAATTATCACTTCAATGTACATTGTTCAAGCTAGAATTCC
TGGTGTACTCTGGTGGTCAATGGCAAGATGCTCATGCTACTTTCTATGGTGGAT

CTGATGCTTCTGGCACCATGGGTATGTAATACAAACATGTACATAAACTACTTAC
AAATAATTACAATGTACCTAATTAACATAAAAAACAGTGAAATGTTACTATGTT
TATGTTAATTTTTCTGTTGGTGTTTTTAGGAGGAGCATGTGGGTACGGAAATTTG
TACAGTCAAGGTTACGGAGTGAACACAGCAGCATTAAAGCACTGCTTTGTTCAACA
ATGGTTTAAGCTGTGGTGTCTTGTTTTGAGATAAAGTGTGCAAATGACAAAGAGTG
GTGTCATTCTGGGAGTCCTTCAATTTTCATTACTGCTACTAACTTTTGTCCCTCCTAA
TTTTGCTCAAGCAAGTGATAATGGTGGTTGGTGTAAACCCTCCTCGTCCTCATTTTG
ATCTTGCTATGCCTATGTTTCTTAAGATTGCCGAGTATCGTGCTGGTATTGTCCCT
GTTGCTTACCGCAGGTTAGTTCACTCACAACCTATGAGGTCCTGAGTTCGAACCCG
GATCACAACCTACGGCCTTACAATTTTAACATTTGTCAGTTGAGCTAGGAATTCTA
AACCTTCTTTTCTCTTTTACCACTGCATTTTATAAAAATTTTGGTATAAACTTCA
TTTTTAATTTTAGATTAATTAAGTTATACATGCATTTTATCTTTTAAGTTATTTAGG
TCTCTAAGTTTATTTTATTTTTACTTTGGTGTCTAAGTTTGTGATACAAGGAAAA
GCATTTGGTTTAACTTTTTAAATAAAGTCTATAATGCTGTTAGAACAAAAAACA
TTTATAGAGACAAAGTGTATAGTACTTTGTCTGTGACTTAAATGACTAAAATGAA
AAGAAAATATTTTAGAGGACCAAAAATAAATCTAAATAATATATAAACTACCAG
GAATATATTTTAACGACCTAATTTTTTTAGTAGTATAGAGTACTCCCTCAATTA
TGAAAAAGAAAAGTACTAGCTTATATTATTTGACTTTTTCTATGGAAAATGATGTT
TATAGTTAAGAAATTAGTTGTGGTAGGAGTCGAGTCTCATCACAGTTAATGAAAA
AAGAAAAGTAGCTTATATTATTGACCCTAGTTACTTCACTCCTTTCTGTATATGGT
TGGCTCTAGTCAATATGATGGTGTTTTCGACTTTTTGGCTATGTAAATTTCTGCAC
TTCTCACATGATCTGTGTGTGTGTGTCTGATTCATGAAGTGGGGTAGTGTTCCTTC
CTTCGGGTAAAGGATTCTCTTACACACGTATCTTTTTTCTATTGGACATTCACTTTT
TCCTTGTTTTTCGTAATAAATTGTTTCGTACAACTCAAGTGATAATGCTGTTTAT
TCATTAAGCTTAGTCATATACATACTTGAAAAATTATGTTCCCTTCTTTTTTCATTCT
TTCCATGTTAGTGTCTCATATTTTATACTTTTGGAAATCATTTTTCTTTTACTTTTTG
GTCACCTACAGTGAAATTACCTACGTCAATGCACCCAAATTAATTAATTAATTTTT
CTTAACCACGTCGATTTCTATTTAATATAGATATCCACTCACTCAACTATATGAAA
ATTGGATAATTAAGTGTAGTGATATAGACTGTACGGAAAAAGTAGAAATTGGA
ATTAATTATGGTAGGGTATAGCTAGCATGTGTAAAAATAAAAAAGATAAGTGAA
AAGTCAAAAATGGTGACGTATTTTGTGATATTTACACAGGGTGCCATGCAGAAA
GCGCGGTGGAATAAGATTCACCGTGAACGGATTCCGTTACTTTAACCTGGTGCTA
ATTAGCAACGTAGCAGGTGCTGGTGATATCGTGCGCGGTACGTGAAAGGCACTC
GAACCGGGTGGATGCCACTGAGCCGAACTGGGGTCAGAACTGGCAATCCAACG
CGGTTTTAGTGGGCCAGGCTTTGTCCTTTCGTGTTTCAAGCAGTGACCGTAGATCT
TCAACATCTTGGAACATTGCTCCTCCTAGTTGGCAATTTGGTCAAACCTTCACTGG
AAAGAATTTTAGGGTTAATATATAAATATATCAATGACATTATCATATGCTAATTC
TAATATATATTTTTAATGTTGGTTGAGAAAGGTTAATTTTTCTTACTGTTTTTAGT
TGGTGTTTTTTGACTTGATGCTTTATTGAGAATGAGATGATGGATGGGGATAGAG
AGAAAATGACAAGTTAATTGTGACTAGGTGTTGATTTGTCTTGGTTATTGATGTTA
GGGTTTGATATTGATACATTATTATATAACTAATGTAATGAAGGTTGACTTTG
AATTGCTGAAAGTGGCTAAACAAATGGTAGCCCGCAGCTAATTTGTATTTTTACA
GAATGATGATGGTGGTGAATATATAAATATTACCATTTGCTTATCATTATGATT
TGTTTCGGTGTGCTTAAGAATAAGAAGAATTAATTTTGACTCCATA