

## IDENTIFICATION

**Species:** *Medicago truncatula*

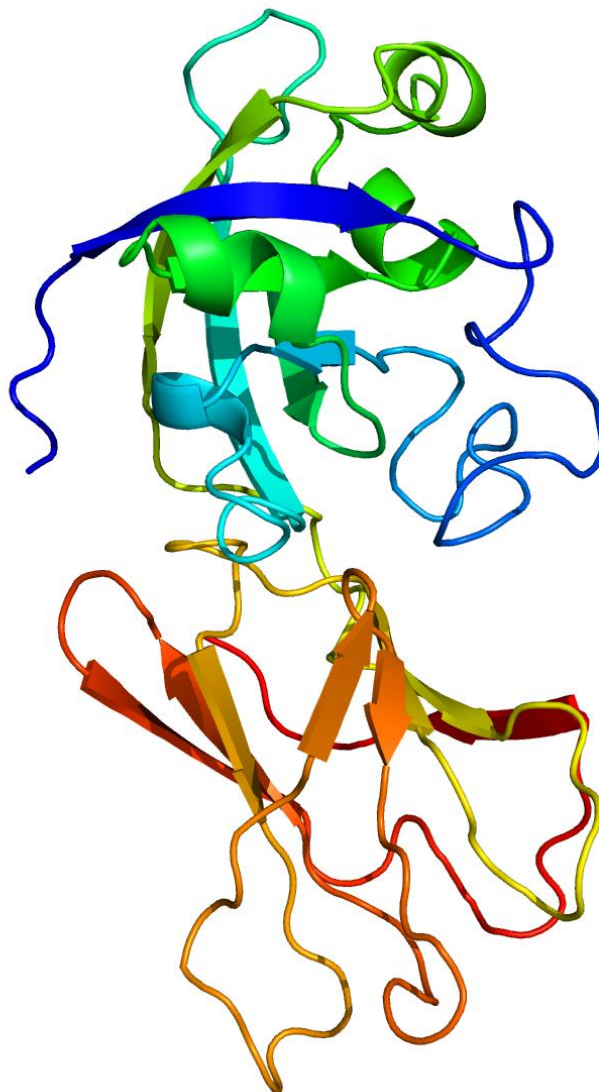
**Locus:** Medtr0118s0070

**Gene Model:** Medtr0118s0070.1

**Description:** MtrEXPB-04

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

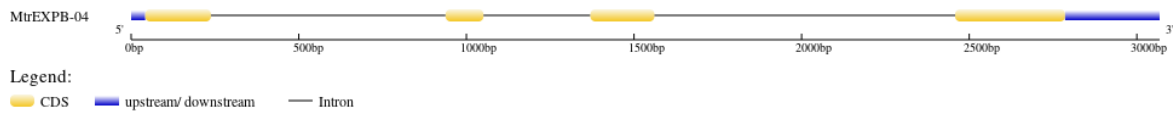
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula\\_Mt4\\_0v1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

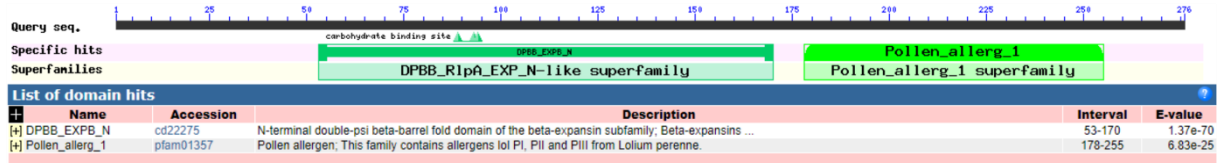
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MtrEXPB-04

MALTLEHAFSHILILLGLLSIFLVTSPICFNPRKLVNVSSYSSSGSDWSPSVATWYGSPD  
GDGSEGGACGYRNAVGEPPFSSMISAGSPLIYNKGKGCSCYEVRCTGNSVCSGNPV  
KVVITDECAGCGSDAEYHFDLSGSAFGSMASVGEDEELRNAGKIVIEHRRVQCNYGG  
STIAFHVDSGSNQEYFAALIEYEEGDGLNKVELKEALDSSSWDTMQQSWGAVWKF  
DKGAPLKAPISIRLTTLKSGKTIVAHNVIPAGWKPGQTYRSIVNF\*

### CDS (coding sequence)

>MtrEXPB-04

ATGGCTCTTACACTTGAACATGCATTCTCTCATATACTCATCCTTTTAGGTTTACTC  
TCAATATTCCTAGTGACCCCTTCCATTTGTTTTAATCCAAGGAAGCTTGTTAATGT  
TAGCTCATACTCCTCATCTGGTTCAGATTGGTCACCTTCAGTTGCTACTTGGTATG  
GATCTCCCGATGGTGACGGAAGCGAAGGTGGTGCTTGTGGGTATAGAAATGCAG  
TTGGAGAACCTCCATTCTCTTCGATGATATCAGCTGGAAGCCCTCTCATCTATAAC  
AAAGGCAAAGGCTGTGGTTCTTGTTATGAGGTGAGGTGCACAGGAAATTCTGTAT  
GTTCAGGCAACCCTGTTAAGGTAGTTATCACTGATGAGTGTGCTGGGTGTGGGTC  
AGATGCTGAATATCATTGTTGATTGAGTGGTAGTGCTTTTGGTTCCATGGCAGTTT  
CTGGTGAAGATGAAGAGCTACGTAATGCTGGAAAAATAGTCATTGAACACAGAA  
GAGTTCAATGCAACTATGGTGGTAGTACAATAGCTTTCCACGTGGACTCTGGATC  
CAACCAAGAATATTTGCTGCCTTGATTGAATATGAGGAAGGAGATGGTGATCTT  
AACAAAGTTGAACTCAAGGAAGCACTTGACTCATCCTCATGGGATACTATGCAAC  
AATCATGGGGTGCTGTTTGGAAATTTGATAAAGGAGCACCCTTAAAGCACCAAT  
TTCTATAAGGCTTACCACACTTAAATCTGGCAAACTATTGTGGCACATAATGTG  
ATCCTGCAGGTTGGAAGCCTGGTCAGACTTATAGGTCAATTGTGAATTTTAA

### Nucleotide

>MtrEXPB-04

ATATAGCTACTAACAAAATAACCTAAGTGGTGTCTGATAAAATGGCTCTTACAC  
TTGAACATGCATTCTCTCATATACTCATCCTTTTAGGTTTACTCTCAATATTCCTAG  
TGACCCCTTCCATTTGTTTTAATCCAAGGAAGCTTGTTAATGTTAGCTCATACTCC

TCATCTGGTTCAGATTGGTCACCTTCAGTTGCTACTTGGTATGGATCTCCCGATGG  
TGACGGAAGCGAAGGTATACAATTGAAAAAAGTTAACCCTACTTGGGTTGGCCTA  
GTGGTATTGGCTTGAGATCTGAGAGTATGCTCCTCCTCGAGGTCTCAGGTTCAATT  
CTCTCTGATGTCAATTTGGGTGGGCTAATTTAGCCTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAA  
ACAATTGAAAAAAGTTGTTAAATAGTTTTTTCATCCGTATGGATTCGGTGCATG  
CTTAGGTGCATGCTTAGCTTAACAATGCATCACGGTGTGTCAATGTAATTTTGGCA  
AAAACCTACGGTTTATAATTTTACAATATCTTGATGCCATTGTGATTTTGCAAACT  
CCGTATTGATCTTAACGTACACTTGAAATGTAATAAATAAGATATATTTTATATC  
TACCTCTTAAAAATTAATGAAAAAATAATTTTATTAATAATAAAAATAGGTGA  
ACAAATATAATATTTTCATTCAAAAATATTAAGGTCACCTTCAAATTAGGTCCATA  
TTGGACGTGGTCAACTAAATAATGCTTAACTTTTTAAAGAACTAGTTTTTCAATGA  
CTTTATTAGATAAACTCACTTGGGTTGGTCTGATGGCATTAAATTTGAGACTTGGGA  
GTGTGCTTCATCTTAAGGTCTCAGATTCAATTTTTTTCAGTGTCAATTTTGGTAGA  
CTAATTTAGTTTCTTTAAAAAATGACTGTATTTGATAATTATGTAGGTGGTGCT  
TGTGGGTATAGAAATGCAGTTGGAGAACCTCCATTCTCTTCGATGATATCAGCTG  
GAAGCCCTCTCATCTATAACAAAGGCAAAGGCTGTGGTTCTTGTTATGAGGTGCT  
ATAATTATTAATAAAATAATATCACTAGAAAAAATAATTAATAATTAGCAAT  
TGAAATTACAGGAAAAATATTTAACACTGATTTTAATATTTGTAACACTAATCAA  
CATAATTAGGGGAAAGTACACAAAAAATAATATTAGGGGAATCTGTTGCTT  
TTCAAGAGTTGAAAATTGTTTGTCAAAAAAATAATTGTAACATTTTTATCAATAGA  
AATTATTGCTTGTATATGGATATGAAAAATGAAGATACTAATTAATTAATTAATT  
ATTTAATGCAAGTTTGGATTTTATTTTCTTATAATTTTAGGTGAGGTGCACAGGAA  
ATTCTGTATGTTCAAGGCAACCCTGTTAAGGTAGTTATCACTGATGAGTGTGCTGG  
GTGTGGGTCAGATGCTGAATATCATTTTGATTTGAGTGGTAGTGCTTTTGGTTCCA  
TGGCAGTTTCTGGTGAAGATGAAGAGCTACGTAATGCTGGAAAAATAGTCATTGA  
ACACAGAAGGTGGGTTTTATGCTATCTTTTTTGGTGGTGGTTCGGAGTTTGAACCTC  
GGACCATGCATATTTTATGCATTGTGCAAAACCAACTGAGATAAGCTCACGAGGA  
CATATAATATTTTCATTAAAAATAGGAAAGATACATCTATGAATCATTTTTGAAAG  
ACACATATTTATTAACACACTCTTATAATTTAAAAAAGATTATGGACCAATTA  
TATCCAAATTTTAAAAAATTTATAAACTAATATGCCAAATTTGCAAAAATAAAAA  
ACCAAAACAAAACACTTAAGAAATTTAATGTACGAGTTTTACAACAACATTTCAA  
TATATTTTTTTTGTGTGATGTCCGAGGTTTGAACCTCTAACCTGCATATATTATG  
CATTGTCCATACCAACTGAGCTAAGCTCACGAGCACAGAATTTTCAATATCTAT  
TAAATCAACATGTGTCCATAAAACCTTGCGATATTATTTAAAATTCTCTAAATAA  
GTTATAACAAAATAATTAAGCATTTCATTAAACAATTGTTTTCTAAATTAATGT  
TCATAAAGCCTATCTATTTTGATTTTTTTTTTTTAAAGATTGTTTTACAAACAAAATA  
ACTTACATTGATGAATTTGAGTTATTATGATCTAAAATTATATTACCTCATACAAA  
ACTCTCTCAACACAATACATCCTACAAGTTTTTAACTTTCCATTAAATATGGA  
AACTTATTTGACTTTACGTTTATTTTATTTATTTATTTTTGTTACTATTTGATTCC  
TTATTTTTGTTTTATGGACATAAGTTGTTTTTATGTTTTTGTCTTAACTATAATTTA  
CTTAAAATATTCAAATATTTTGTTTACAATATTACAATTATTGAAATTATTTACTA  
TTTTTTATGCAGAGTTCAATGCAACTATGGTGGTAGTACAATAGCTTTCCACGTGG  
ACTCTGGATCCAACCAAGAATATTTTGTGCTGCTTGATTGAATATGAGGAAGGAGA  
TGGTGATCTTAACAAAGTTGAACTCAAGGAAGCACTTGACTCATCCTCATGGGAT  
ACTATGCAACAATCATGGGGTGCTGTTTGGAAATTTGATAAAGGAGCACCCTTA  
AAGCACCATTCTATAAGGCTTACCACACTTAAATCTGGCAAACTATTGTGGC  
ACATAATGTGATTCCTGCAGGTTGGAAGCCTGGTCAGACTTATAGGTCAATTGTG

AATTTTAAATGCTAAAATGTATGTTTGTGGATTATGTATTAGCATATAGTGCTA  
TATATTCTACTCAATCAAGTCACCTAAGTGGACTTTGTATTGTCTTTAATTAATAA  
TCAATTAAGTACTGCTTTCAGTTATAATGACGGGTGGAGAACTGTTTATTATGTATGG  
ATGTTAGGGAGTAGTTCTTTTATGGTTTCTTCGTTGTGTTCTATAGCAGCAGATTC  
ATAACGTTGTAATCCTTTTGGAGGGTTCTTTTCAACACATTTTGTGCGGGATGAGC  
CACTCTTGTTG