

IDENTIFICATION

Species: *Amaranthus hypochondriacus*

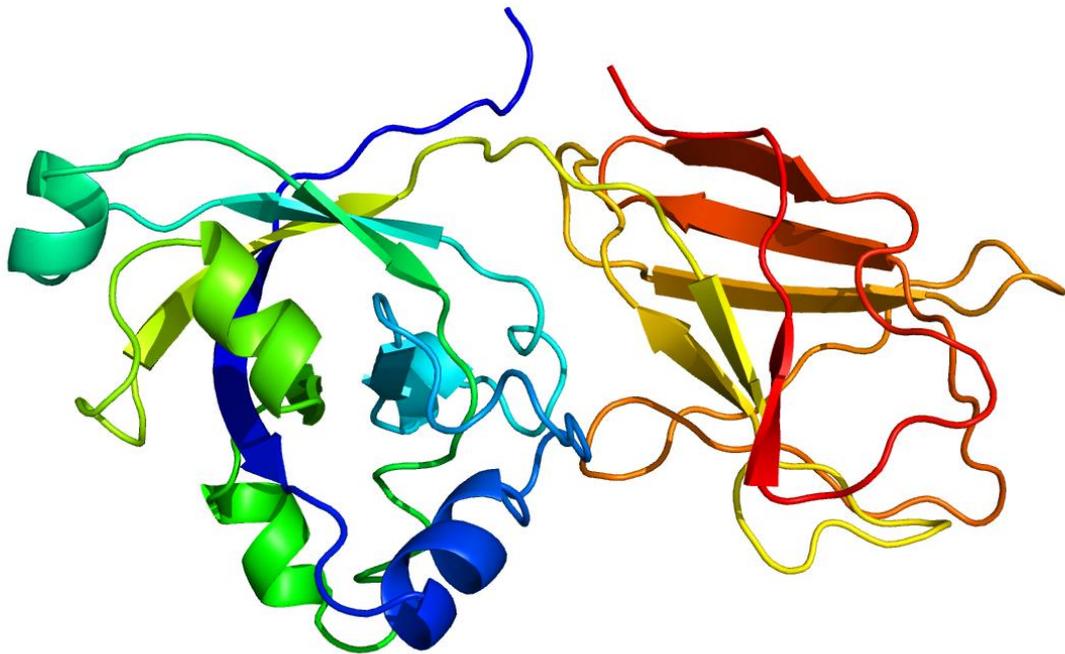
Locus: AH017526

Gene Model: AH017526-RA

Description: AhyEXPA-11

Family: Alpha Expansin

3D structure:



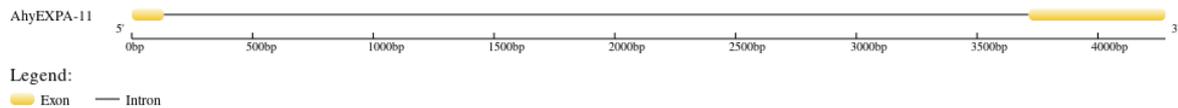
GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1

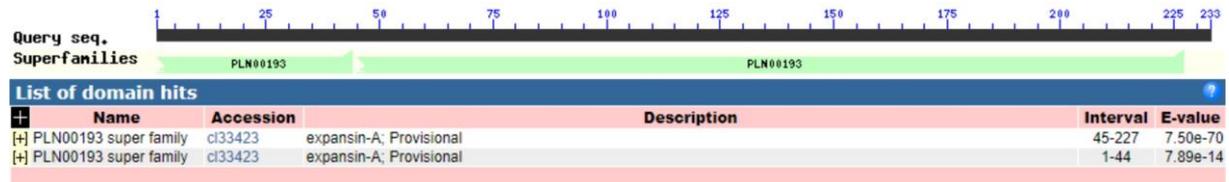
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AhyEXPA-11

MSRNWGMNWQSSAEWVGQSLSFQVTISDGKSLEFDGTVVPSNWQFALSTALFNNGST
CGACFEITCVDSQWCKKGASPIRVTATNFCPPYYKETPQAWCNPPRKHFDSLMPMFL
RIAQYKGGIVPVLVYRRIICQKKGGVKFELKGNPYWLMVLVYNVGGVGDVVGLNIKG
GSQSSWVHMSRNWQNWQTWARLQGQSLSFQVVTSDBGKMSLFSNVVPSDWEFGQ
TYESKTNVN*

CDS (coding sequence)

>AhyEXPA-11

ATGTCTAGGAATTGGGGTATGAATTGGCAGTCTTCTGCTGAATGGGTTGGCCAAA
GTTTGTCGTTTCAAGTTACTATTAGTGATGGAAAGAGTTTAGAGTTTGATGGGGTT
GTGCCCTCTAATTGGCAATTTGCCTTAAGTACGGCACTCTTCAACAACGGATCTAC
GTGTGGAGCTTGTTTCGAAATAACTTGTGTAGACTCACAATGGTGCAAGAAAGGC
GCTAGTCCGATTCGCGTTACCGCCACCAACTTTTGCCTCCATACTACAAAGAAA
CACCACAAGCATGGTGTAAATCCACCTCGAAAACATTTGATTTATCAATGCCTAT
GTTTCTTAGAATTGCTCAATATAAAGGTGGTATTGTGCCTGTTCTTTATAGAAGGA
TTATATGTCAAAAAAAGGGTGGTGTAAATTTGAACTAAAAGGAAATCCATATTG
GTTAATGGTTTTGGTTTATAATGTTGGGGGTGTTGGAGATGTTGTAGGGTTAAATA
TTAAGGGTGGGTCCCAATCTAGTTGGGTACATATGAGTAGAAATTGGGGACAAA
ATTGGCAAACCTTGGGCAAGGTTACAAGGTCAAAGTCTTTCATTTCAAGTTGTTAC
AAGTGATGGTAAGATGTCCTTTGTTTAGTAATGTGGTTCCTAGTGATTGGGAATTTG
GGCAAACCTTATGAGAGTAAGACTAATGTTAATTAA

Nucleotide

>AhyEXPA-11

ATGTCTAGGAATTGGGGTATGAATTGGCAGTCTTCTGCTGAATGGGTTGGCCAAA
GTTTGTCGTTTCAAGTTACTATTAGTGATGGAAAGAGTTTAGAGTTTGATGGGGTT
GTGCCCTCTAATTGGCAATTTGGTATGTCCTTATCAAGGAACTCTAATTTTAAACA
TGTGATTGATTTTTATAAATATAATATGGAGTATTATATATGAAGGAATAATTAT

TTATTATTATGAGTTATTAATAAATTCATTTCTTATTTTAGTATTATTGTTTTTTGTC
GTGGTCATCATTATCATACTCAGTGTATCCCGCTCATAGAAAATTATGGTTAG
AGTCTGGGAAGGGAAGGACGGCGACAACCTTATGCCATAAAGAAGAGTACAAAG
AGTCTCCTAACTCGAAAAAGAAAAAGAGAAGTATTTGCAATGAAAAAATGCAT
GTATATAAATAAATAAATAAATAGAAATAAAAAGAAAATAATATAACGAATAAAA
CTGATGGAAACGAGAAAAAGCTAGAGAAGTTTTTTTCATTGTCAGCAATTTAATA
TTTCACTCGAAAATAAGGTTTGGGTCATGAAGGGTGACGGACAATTAATACCCCT
GTACATCTTTTAAAGAAAGGACTAGAGAAATACGGTCAATTTTATCACAAAAAGT
AAGAGTCTACATAAAGAGGAATGTAAGTAAGATCGTTGCCTCAACAATAAACA
TTACAAGCAGAAAAACAACATTAGCAAATAACAAATTATGTTGATATTAATT
TTGTGCTCTTAATAATTTTGTGTTGTAGAGCTAGCTACTCTTGTGAGAGATCTTCTCT
TAGTGAGACGAGTTTCAAACAAGGCTATACAGGGGTGAGCCAAAATTGAAAATT
TCCTTAAAGGCTCTGCAATTTTGAATAATTATATTTTTCTAACAATTTTGTATAT
TTAAACAACATTGGAGTACTACGTGATTCAATATTGAGGCCACTATTATTTGAG
GTTTTGTGCGGTCAAACATGTTGAATATGCTCAGAACCTCTCAAGAGGCTATATG
CTAATAATTAGTATTAATTAAGCTATTTAATCTATGTATGGGTTGTATCTCGATGA
GATCATGTCATAAAAAATTTGTGTTGTATATATAAAGTGATAACTCCTTAATATC
TGTATTGACGATGAAAGTCATCCATACTAATATTGTTAATTAGTTGAAGGACAC
TTGGCCTTATATTTGCGATGTTTCGTCATTCTAACTATTTTTTGTACATACGTAAAA
GGTAATTTGTGACCAAACCTTCTTGAGTTCAAAAATAATTAATCAAAAAACGAAA
ATAA
AAAAAAAAAAAAAAAAATAAATATAAATATATAAATATAAATTTAAAAAAAAA
AAATAATT
ACATGCTATTAATACAAACATACTATAATATTAATTTCTTTTAAAATAGATAAAAT
ATTTAGAATATATAGTGCTTTTATTAAGAAAAATAAGGTCGTTAATAAATATTA
ATTAAGCTATCATACTTTTTGAGGCAAATATAAAAAATCTTTTAACTTATTATA
ATGACTATTTGTCATTCTCAAAATATTTTTTGATTGTCATGTATCTTTGTTTCTTGA
TGAATTATTTTAGAACTTAAAATTTGGATGAAAAACTATATTAATTAGCTTATAC
TACACATAAAAAATAAATATATTTTAAAGAACTTTAATTTGAAAATTTTGAAGTT
TTTAAATTCAAAATATAATATTTTCGAGAAAATTTTGTAAAGACATATTTTGTGTT
GATATACTACTCAAATATTAAGGAATATGTTGATATTAATATGGTAAAAAAAT
TTATATGACAAATTTATATGGGGATGACACTTGAATTTTACACTCTTTTTATTAG
ATTGTATGATGATTGTGATATACTACTCAAATATCAAGGAATATGTTGATATTA
ATATGGTAAAATTTCTTTATATGGCAAATCAATATGGTAATGACACTTGAATTT
TACATCTTTTTATTAGATTGTATGATTCATAAATTGTACTTCCCTCCACTGAAACA
AAATGTTAAAAGAGTGGGAGCAGTTTTTAAACTCTTTTTATCACTATTTAACTC
TGAAACTGAAAATGTGCCTGCAAAAATAAATCCACATAAGTTAAGGAATCAATTA
AACTTGTAAGTTACAAATTAATTAATATTCATTTATAAATAACGCCACTAAAATT
AAATTTTATTAATTACAGAGTAAGTCGAGAAAAGAATATAATTAGCTGATGAGA
GTAAAATTTAAAAGTAGTACTTATTATCTAAAGGAAATAGTGTCCGATTTTCTA
AAAAATATATATAATTTAAAATAACTTCTCGTAATAATTAAGTCAATCAAAG
TTCCAAAGACTTGTGATCTTGTGTCATATTTAGCAAGACATTTAATTTAATTTA
ATTTAATATAATCAAGTAACTCCAAATATGTTATTTTGAAGATTTCTTGCTCCTTTA
GAAAATTACATTAATAGTGAGTAGAATTAGAATTATTGCTCTTAATAATTCAGT
CAAAGTATTAATAATTTCAATTAATATTAATTTGTGATTTATTTATATATTTA
TAGTCATAAAAGCGAGATTTTGTACCATTATAAATTTAGAGTTGCTCCAAAAC
AAAAATTTACACACATTTATTATTATTGTAAACACTAAACAATAAGAGTTAAAT

GGGTGTTTCATCCATTTTTTTATGCAGTAATTTGGGTATGTTTTTTGTGGTGGTAGT
GGGATCACACCAAATTC AAGGTGCCCTATAATGGTTGGGATCATGCCCATGCTACA
TTTTATGGGGATATCAAAGGTGGCCAAACCATGTGTAAAGTGAATACATTCCATTT
CATTTCATTATGTAGGTGGCTACCAATTAGGTTGGAATTTAGAAGGATCGAATAT
ACACGTAATTCTATTCCGTGTTAAATGATTTAATTAATAAATAGGGTATTTTTGAT
GGATTGTTGATAGTAGCAAACATTTTAAATTCAGTCCATTATAATCTAAAATCAA
AAAATTATAAAACTTTAACGTGTAACGTAAACGTAATATTTATACTTTTAATGTTT
ATACATAGTCTTTGAACAGGCATGTCTATCGAACACACATCTAATCTAAAGTTGA
ATATTTGGTTCACTCTACACTATTATCTTTAATACGTCAGTATATCATGTAGTGAC
TAAATTATTATACGAACGCATGAAATTCAGGGTTGTCTCGTTTTCTTTGGACCCC
AGAGCAAAGATAAAAAGGCTTTTAAAAATTTAAGGTGTAATATATAAAAAATA
TAATACTCGTTTTGTTTTGACTGTAAATATTTTAACTATTTTATAAAAAAAAATC
CTAATAACTCATATATTACATAACAAAAATGTAAGTTTCACCTAAATTTAATTCAT
GCTAATGTCAATCTTGTATAAGATTAGAAAAAAAATCTTTTGAGCCTAAATTTTTA
GGGTCCTAGGCGATAACCCTACTTTACTCTTGCTAATCGATGTCCATGACTTGATTA
CAGACGGTGCATGTGGTTATAAGA ACTTATTCAAACAAGGATACGGTCTAGAAAC
AACAGCCTTAAGTACGGCACTCTTCAACAACGGATCTACGTGTGGAGCTTGTTTC
GAAATAACTTGTGTAGACTCACAATGGTGCAAGAAAGGCGCTAGTCCGATTCGCG
TTACCGCCACCAACTTTTGCCCTCCATACTACAAAGAAACACCACAAGCATGGTG
TAATCCACCTCGAAAACATTTTCGATTTATCAATGCCTATGTTTCTTAGAATTGCTC
AATATAAAGGTGGTATTGTGCCTGTTCTTTATAGAAGGATTATATGTCAAAAAAA
GGGTGGTGTAAATTTGAACTAAAAGGAAATCCATATTGGTTAATGGTTTTGGTT
TATAATGTTGGGGGTGTTGGAGATGTTGTAGGGTTAAATATTAAGGGTGGGTCCC
AATCTAGTTGGGTACATATGAGTAGAAATTGGGGACAAAATTGGCAA ACTTGGG
CAAGGTTACAAGGTCAAAGTCTTTCATTTCAAGTTGTTACAAGTGATGGTAAGAT
GTCTTTGTTTAGTAATGTGGTTCCTAGTGATTGGGAATTTGGGCAA ACTTATGAGA
GTAAGACTAATGTTAATTAA