

IDENTIFICATION

Species: *Citrus clementina*

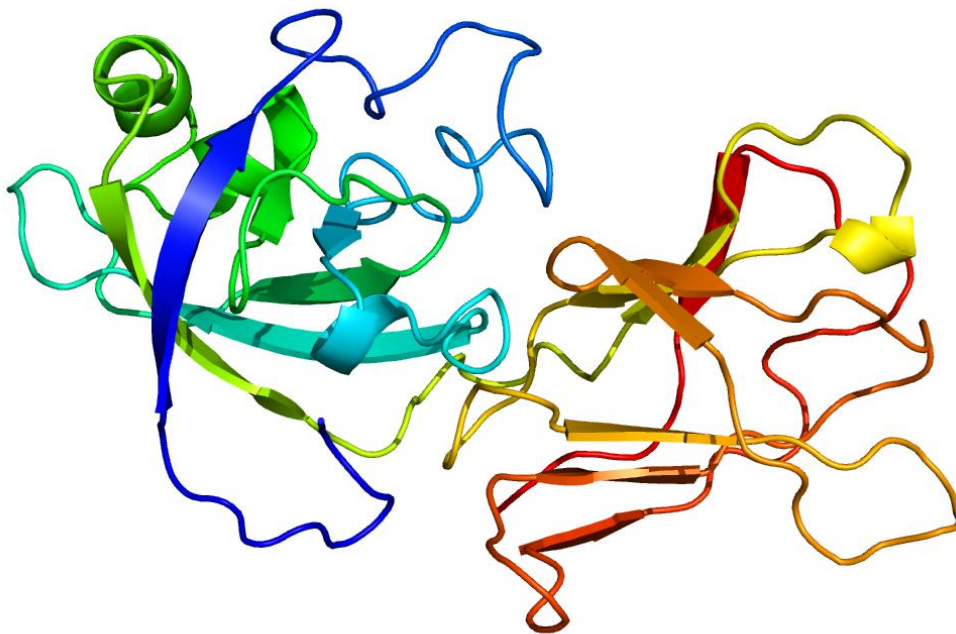
Locus: Ciclev10032508

Gene Model: Ciclev10032508m

Description: CclEXLB-04

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

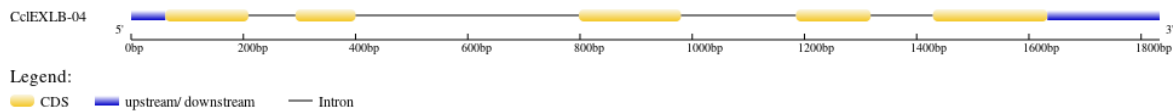
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cclementina_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02982>

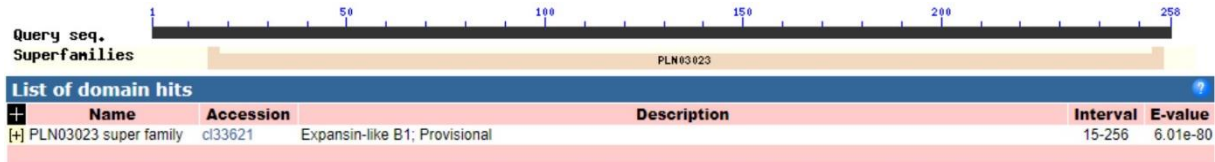
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.citrusgenomedb.org/organism/Citrus/clementina>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CclEXLB-04

MALSLKSLMLLLATLCIMQALAAEAETCPDCFIRSRAAHYPNSDEQGTDSGACGFGS
FGATINGGDVSAASGLYRNLGCGACYQVRCLNSYYCSDRGATVVITDSGWGPNTD
FILSRRAFGRMAQTDDAAAALLAHGVVDVEYRRVSCSYPHYKNITIKIDEKSDYPHYL
GFVIWYQQGKKDITAVQLCETKNFACKLLDRSHGAVWTTTSPPSGPLSLRMFFSDED
GDDESWVVPVNNIPQDWKAGETYDTGVQVN*

CDS (coding sequence)

>CclEXLB-04

ATGGCTCTTTCTCTCAAATCCTTAATGCTCCTTTTAGCAACTCTATGTATTATGCA
AGCTCTGGCAGCCGAGGCTGAAACATGTCCCGACTGTTTCATTCGATCTCGAGCA
GCTCACTACCCAAATCCGATGAACAAGGAAGTATTCTGGTGCTTGTGGGTTTG
GTTCGTTTGGAGCAACAATCAACGGTGGAGATGTATCGGCCGCATCTGGTCTCTA
TCGTAATGGTCTTGGCTGTGGCGCTTGCTACCAGGTTAGGTGTTTGAACAGCTACT
ATTGCTCAGACAGAGGAGCAACGGTAGTGATTACGGATTCAGGCTGGGGTCCCA
ATACCGACTTTATTTTGGAGCAGGCGAGCCTTCGGCCGAATGGCTCAAACCACCGA
CGCGGCAGCAGCTCTGTTAGCACATGGTGTGTTGGATGTTGAATATAGACGTGTT
TCGTGCAGCTACCCGTACAAAAATATCACATAAAGATCGATGAGAAAAGCGAC
TATCCTCATTATTTGGGATTTGTCATATGGTATCAACAAGGCAAAAAGGATATCA
CTGCTGTGCAGCTCTGTGAGACTAAGAAGTTTGCCTGCAAGCTTCTGGATAGGAG
TCATGGAGCGGTATGGACAACCACGTCGCCGCCGAGCGGTCCGTTGTCTTTGAGG
ATGTTTTTTAGCGATGAAGATGGAGACGATGAGTCGTGGGTTGTTTCTGTTAATA
ACATAACCACAAGACTGGAAAGCCGGAGAAACATATGACACCGGAGTTCAAGTCA
ACTGA

Nucleotide

>CclEXLB-04

ATTCAATTCCTCTAAGCTTTCCACTGAATTAGTTATCGTCTCCTTTTTCCCCTAAAA
GTTAATGGCTCTTTCTCTCAAATCCTTAATGCTCCTTTTAGCAACTCTATGTATTAT
GCAAGCTCTGGCAGCCGAGGCTGAAACATGTCCCGACTGTTTCATTCGATCTCGA
GCAGCTCACTACCCAAATCCGATGAACAAGGAAGTATTGTAAGTTAATTAAT

AATGATAAAATAATTAATAAGATTATTTTGTGGTTAATTACGCAATTAATTCTCAC
GAGGTGCATGCAGCTGGTGGCTTGTGGGTTTGGTTCGTTTGGAGCAACAATCAACG
GTGGAGATGTATCGGCCGCATCTGGTCTCTATCGTAATGGTCTTGGCTGTGGCGCT
TGCTACCAGGTACATATATCCAACCAAAATGCCTGAGAGACAAAGTGCTAATTGA
GCACCGACGGAAACAGGGTAAAGCCAATGCTGGTTTAGCTTGTTTTCAATTAAT
GAGTAAACCGGCACCGGTTTTAACCTTGCTTTTGTCAATTCTTTTCTGTCTAAATA
TTATTTTTCAAATGCAACCAAAACAAAATTTCAAACAGTCATTGTTTCTTTTTTTC
AGTTTTCCGTCTTGTATGCTTAGCTGGGGCAAATGCTCTTTTAATCCTTACCGTTT
GAGTTAAATGCGTAACTATTTTATGTAATTTCAAACCTTACCAGCATATTGGATATA
TGTGATTATTATTTTAATCATATTGTCATAATTTCTGTTTATAATATATTTGTGTT
TCAATGATCACAACAGGTTAGGTGTTTGAACAGCTACTATTGCTCAGACAGAGGA
GCAACGGTAGTGATTACGGATTCAGGCTGGGGTCCCAATACCGACTTTATTTTGA
GCAGGCGAGCCTTCGGCCGAATGGCTCAAACCACCGACGCGGCAGCAGCTCTGTT
AGCACATGGTGTGTTGGATGTTGAATATAGACGGTATGTAAGGCTAGTCCATGTG
AGAAATGATGCTCAGGTCCGGTTGTCTAAATATAAGCTACTATAATTTTACAGAG
TAGTACAATTTTAATTACAGTTCAAATCTGAATTTTATAACATCCGACGTCCGTAC
TTATATTATAGATGAGCTGTATAACTAATTAATGGGAACTTATTAATTTCTATG
TGCATGCGTGCAACAGTGTTTCGTGCAGCTACCCGTACAAAAATATCACAATAAA
GATCGATGAGAAAAGCGACTATCCTCATTATTTGGGATTTGTCATATGGTATCAA
CAAGGCAAAAAGGATATCACTGCTGTGCAGCTCTGTGAGGTAATTAATTGAAAAC
AAAATGTCCTTCAATTAATTAATTAATGCTTTATTATTGACGAAATTAATAATTAA
TTGCTTATAAATTTGGATTTGTTGCGTAAATATTTGCAGACTAAGAACTTTGCGTG
CAAGCTTCTGGATAGGAGTCATGGAGCGGTATGGACAACCACGTCCGCCCGAG
CGGTCCGTGTCTTTGAGGATGTTTTTTAGCGATGAAGATGGAGACGATGAGTCG
TGGGTTGTTCTGTTAATAACATAACCACAAGACTGGAAAGCCGGAGAAACATATG
ACACCGGAGTTCAAGTCAACTGATCTCATTAAATATATATATATATATAGTGAGTTT
CCAATCAGAAATTAAGTACCATGTTAAAATCAAAGATAAATAAAAAAAAAAAACAA
AGATTTTCAATACCAAAATATATTATATTAATAATTTATGTTAATTTTAATATAGTC
AAAGATCCTGATTGAAACATATATATAGAGCTAATATTGACAGAATTAATATTTG
TTT