

## IDENTIFICATION

**Species:** *Trifolium pratense*

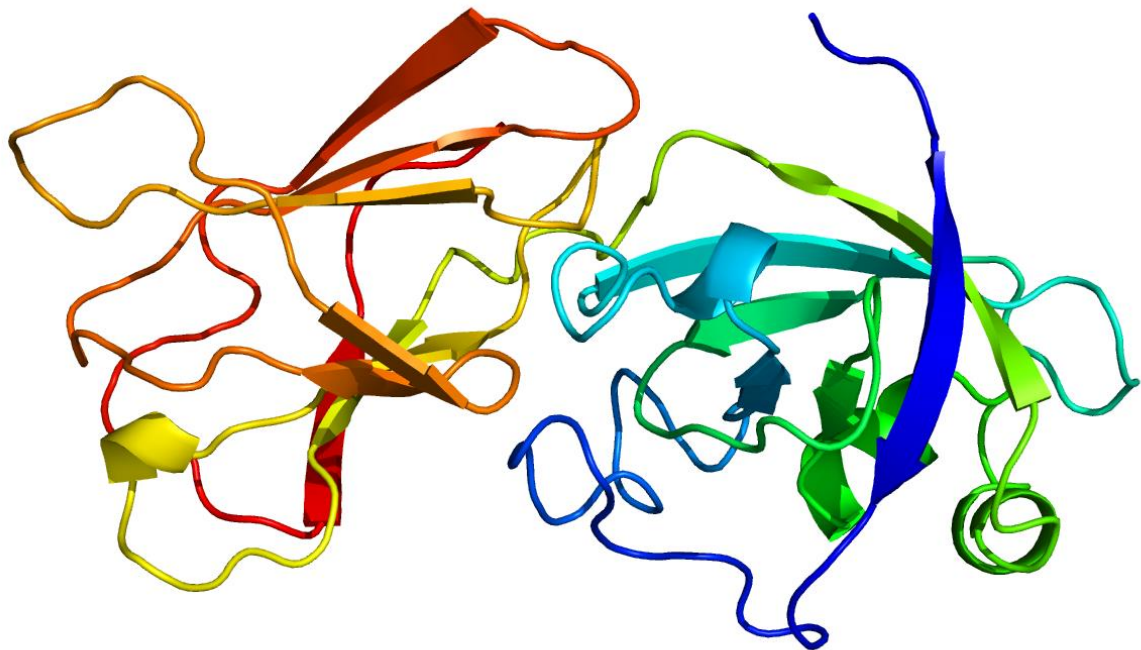
**Locus:** Tp57577\_TGAC\_v2\_mRNA21988

**Gene Model:** Tp57577\_TGAC\_v2\_mRNA21988

**Description:** TprEXLA-01

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

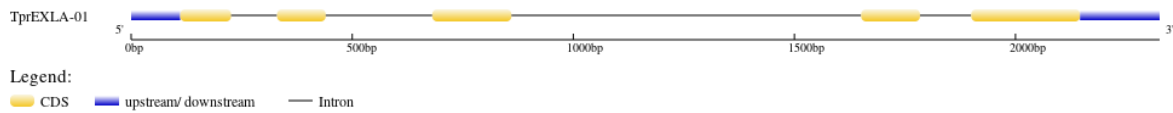
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense\\_v2](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2)

KEGG:-

## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE

Query seq. Superfamilies

List of domain hits

Name	Accession	Description	Interval	E-value
PLN03023 super family	c33621	Expansin-like B1; Provisional	26-244	3.79e-75

## SEQUENCES

### Peptide

>TprEXLA-01

MAFFLCFFFFFLASSATACDRCLHQSKASYFNKASSLSSGACGYGSLALDFSGGHIAA  
GVSSIFHDGAGCGACFQVRCKNQALCTKEGTRVVLTDLNHNNQDFVLSSRAFSAM  
AQKDMSQQILKLGIVDIEYKKVPCEYKKQNLAVRVEESSKKSNYLAIKFLYQGGQTEI  
VGVDVAQVGSSQWTYMSRNHGAVWDTSRVPQGALQLRLVVTAGYDGKWIWAKK  
VIPADWKNQVIYDSQITDIAQEGCSTCDDDTWS\*

### CDS (coding sequence)

>TprEXLA-01

ATGGCTTTTTTCTTTGCTTCTTCTTTTTCTTTCTTGCTTCATCTGCCACTGCTTGTG  
ATCGTTGCTTACACCAGTCCAAAGCTTCTTATTTCAACAAAGCTTCATCTCTTTCA  
TCTGGAGCATGTGGCTATGGTTCTTTAGCACTTGACTTTAGTGGTGGACACATAGC  
AGCTGGTGTTTCTTCAATTTTTCATGACGGAGCTGGTTGTGGTGTGTTTTCAGG  
TAAGATGCAAGAACCAAGCACTATGCACAAAAGAAGGTACAAGAGTGGTATTAA  
CTGATCTTAATCACAATAATCAAACCTGATTTTGTCTAAGTAGTAGAGCTTCTCT  
GCCATGGCTCAAAAAGATATGAGCCAACAAATTTGAAGCTTGGCATTGTTGACA  
TTGAATACAAAAAGTACCTTGTGAGTACAAAAACAAAATTTGGCAGTTCGTGT  
TGAAGAATCAAGCAAAAAATCAAATTATTTAGCAATTAATTTTTGTATCAAGGT  
GGTCAAACAGAGATAGTAGGTGTTGATGTAGCTCAGGTTGGATCGTCACAATGGA  
CATACATGAGTAGAAATCATGGGGCAGTGTGGGACACAAGTAGGGTTCCACAAG  
GAGCATTGCAACTTAGGTTAGTGGTTACAGCAGGATATGATGGAAAATGGATTTG  
GGCAAAAAAAGTGATTCCAGCTGATTGGAAAAATGGAGTGATATATGATTCTGAT  
GTTTCAGATTACAGATATTGCACAAGAGGGTTGTTCAACATGTGATGATGATACAT  
GGTCATGA

### Nucleotide

>TprEXLA-01

TACTTTATTTTTCTTCTCTATATATAAATCACCTCTTCTCCTTTTCCTTTGTCAACT  
ATGTTTTGTACTTACCCTTCTTCTCATTAAATCTTCAAATCATAAAACCATATATG  
GCTTTTTTCTTTGCTTCTTCTTTTTCTTTCTTGCTTCATCTGCCACTGCTTGTGATC  
GTTGCTTACACCAGTCCAAAGCTTCTTATTTCAACAAAGCTTCATCTCTTTCATGT  
AACAAATCATTCAATTAATAATATGTTTCATTTTTTCATCTCTCATTTCATAAATAAATTT

ATAAAATTATTTTGTACTAATTGTTTTTTTTTTTTATATGTAGCTGGAGCATGTG  
GCTATGGTTCTTTAGCACTTGACTTTAGTGGTGGACACATAGCAGCTGGTGTCTT  
TCAATTTTTCATGACGGAGCTGGTTGTGGTGCTTGTTTTCAGGTTTGTACACAAAT  
CATCACATTAAATTTTTTATTTAGTTTTAAATTGCAGTTGCAGTCGTCATGTATT  
ATTCTGAGGCCATAATTGTGGATTCAATGTAATAAGTCACCAGGATCTGTGGCCG  
CAATTTAAACTATGATGAAAATATGACATTTGAACAAATTAATTATATTTTTAA  
AAAATTTTGTGATGTCATGAACATTTTATTTTCCTGAAATTAATGAGCAATTTGA  
TGCAGGTAAGATGCAAGAACCAAGCACTATGCACAAAAGAAGGTACAAGAGTGG  
TATTAAGTATCTTAATCACAATAATCAAAGTATTTTGTCTAAGTAGTAGAGCT  
TTCTCTGCCATGGCTCAAAAAGATATGAGCCAACAAATTTTGAAGCTTGGCATTG  
TTGACATTGAATACAAAAGTAAGATACTTAAACCACTTTTTTTGCTTTACTTTAG  
TTATAAGTTGTTTCTAGATAGATTTTAGCTTTTTTTTTCTTTTGTTAATGTAGGAG  
AGCTTTTGTTTTTTTCTATATCTTGATATATGATATGCCACATTTTGTAGTAGGCT  
CCACTACCCACCTATCTAGTGGACATTTCCACCGGCCACTTTGAAAACATAACA  
CCAATGTGTACCAAATATATGAACCATTTTTTTGAAAGTAACCAAATATATATTTT  
TTGGTACAAAAGTAACCAAATATATGAATCTATAAGACAATATATGTAACACAA  
TAATAATAGTAACGGTCTAATCTGCACAATGTAGTGCATAATAATGTAATGTACT  
AATGTTATAATGTCAGATATTTATTTATGTCTGTGCAACTGTGCAAGCATCAGATG  
TGAAGCCATGATTAATTTATAATGGCTTCAATTTAGACAAGGAGCACTAAATTC  
AATTTTTTTAAAAAAAATAGTCTATTGATTAGAAATTTTACCTTCAAGGCAAAT  
AAGTGATGTGTCTAAATTCAGATCATAGTCTCTGCATATATAATATGATGTCCTAC  
CAACTAAGCTAACTTTGTGGACTCAAATTCGTATATTTATTTATCTTTTATCTTTTT  
TTGGTTAGATAGTTGGTTAGATAATCAAATGGAGTGTTCATGATTCGAACTTTAG  
CCTCTACATATAAAATGTGATGTATAAATTATATATTTTTGCCGAACACTGATTTA  
TTCATCCCACGTGGGTTTTAATGTTGCAGAGTACCTTGTGAGTACAAAAACAAA  
ATTTGGCAGTTCGTGTTGAAGAATCAAGCAAAAATCAAATTATTTAGCAATTA  
ATTTTTGTATCAAGGTGGTCAAACAGAGATAGTAGGTGTTGATGTAGCTCAGGTA  
TATATTATATGTTACACATTAATATATAAGCTAAAAGTAATTCAACATCAAGTGTT  
TTTATTTGATTTAAAAATTTATAACTAATTTTTTCCGACTTATTAATTACTACTAG  
GTTGGATCGTCACAATGGACATACATGAGTAGAAATCATGGGGCAGTGTGGGAC  
ACAAGTAGGGTTCCACAAGGAGCATTGCAACTTAGGTTAGTGGTTACAGCAGGAT  
ATGATGGAAAATGGATTTGGGCAAAAAGTGATTCCAGCTGATTGGAAAATG  
GAGTGATATATGATTCTGATGTTTACAGATTACAGATATTGCACAAGAGGGTTGTT  
AACATGTGATGATGATACATGGTCATGATGATTTAGGAGAACTCATATATGCTG  
AATTGAATTACTCACATAACATATATATACACATTATAGATTTTAGGTGGCTTT  
AATTTTTATCATACTGTGTATTATAGGGCTTACAAACCAACTCATGTAATACCCAG  
GAATTATTATATCTTAATAAAATTAAGAGTTCTCTGTTGT