

IDENTIFICATION

Species: *Phaseolus vulgaris*

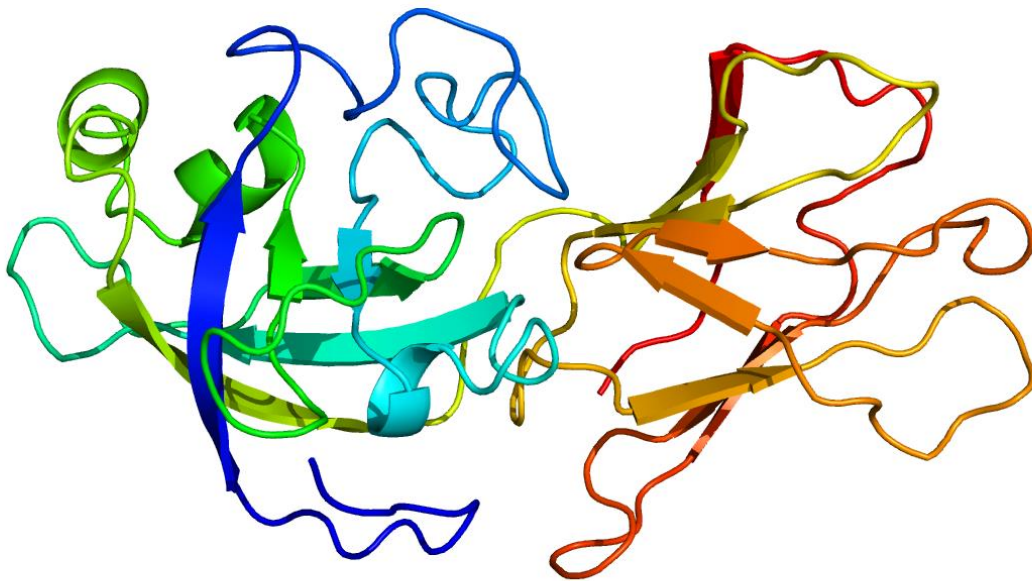
Locus: Phvul.010G070900

Gene Model: Phvul.010G070900.1.p

Description: PvEXPB-03

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris_v2_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03093>

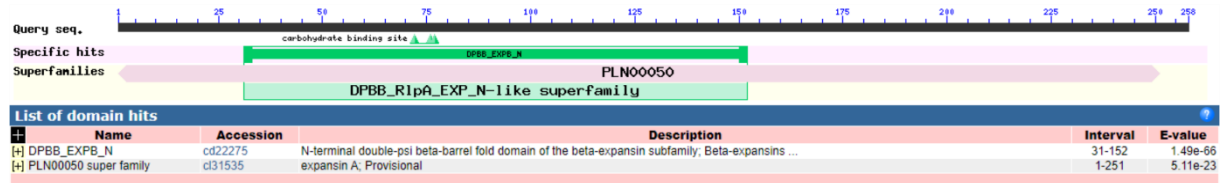
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.pulsedb.org/organism/636>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PvEXPB-03

MQGLSYISFVAILCSLFLIPSHGKNKTNNAAWQKGGATWYGDPEGAGSDGGACGFTD
TVSKPPLSKMIVAGGSTHFKNGIGCGACFEVKCEHKDCSGKVVKVMVTDLCPGGF
AGGIHLDSLGTAFGALAKPGKAQQLRNAGELKILYKRVACSFSGKSIHFTVDAGSNPY
YFATAIEYHNADGNLVQIELKQANTNKWIPMKHSWGAKWALDLGSKLQPPFSLKLT
QDGKIKKKSIVAHNVIPIQWKPGHVYRSVNNF*

CDS (coding sequence)

>PvEXPB-03

ATGCAAGGTCTTAGTTACATCTCGTTTGTGCAATACTTTGTTCCCTGTTCCCTAATC
CCTAGCCATGGTAACAAAATAATAATGCTGCATGGCAAAAAGGAGGAGCTACA
TGGTACGGAGACCCAGAGGGTGCTGGATCTGATGGGGGTGCTTGTGGATTTACTG
ACACTGTGAGCAAACCTCCACTCTCTAAAATGATCGTTGCTGGAGGTTCTACTCA
TTTTAAAATGGAATAGGATGTGGAGCTTGTTTTGAGGTGAAATGCTCAGAACAC
AAAGATTGTTTCAGGAAAAGTAGTGAAAGTGATGGTCACTGATTTATGCCCTGGCG
GTTTCGCAGGAGGAATCCATCTTGATCTGAGTGGCACTGCATTTGGTGCCTTGGC
AAAGCCAGGCAAAGCACAACAACCTTCGTAATGCTGGAGAACTTAAAATTCTCTAC
AAAAGGGTTGCATGCTCCTTTGGGAAATCTATTCACTTTACTGTCGACGCTGGATC
CAACCCATACTATTTTGAACCTGCAATAGAATATCATAATGCGGATGGTAACCTT
GTGCAGATTGAGCTGAAGCAAGCTAATACTAACAAATGGATTCCAATGAAACATT
CATGGGGTGCAAAGTGGGCTTTGGATTTAGGTTCAAAGTTGCAACCACCATTCTC
CCTTAAGCTCACTCAAGATGGCAAGATCAAAAAGAAAAGCATTGTGGCTCATAAT
GTAATTCCAATTCAGTGGAAACCTGGTCATGTTTATCGATCTGTTAATAACTTTTA
A

Nucleotide

>PvEXPB-03

ATCCAATATCTGTTATTTAGAAATCGCATCATGCAAGGTCTTAGTTACATCTCGT
TTGTTGCAATACTTTGTTCCCTGTTCCCTAATCCCTAGCCATGGTAACAAAATAAT
AATGCTGCATGGCAAAAAGGAGGAGCTACATGGTACGGAGACCCAGAGGGTGCT

GGATCTGATGGTGAGTATTAATGAGCATGTTTCATATTAATACTCAAAGTGT
TAATATTCAACATTTTTTACGTATTGAACGTATTTAAATGTCATGCAAGAATAGAT
AATCTTTGTAAAACATTATTTTCCAATGTTACAATATCACACCTTTATGGAGTTA
AGTTTTTAACCATCATGAGTTGAAAAATCTGCATTTTATTTTCATTGTTAGGTGCTG
ATTTGAGTGGATGTATGATTTTAAATCTGTTTTTTTTAAGATTATACAGGAATTATA
ATTTTTTTTCCGTATAATATTAATAATACTTGAAATCTTTCATATTTATGGTTCAT
ATTGGCTCCATATGCATGATTGATTGATGTGCATATAAAAAAATAGAAAATGAGA
GAATGTTTTATCTTAATAAAAAATAGTGGAGTAATTTTTATTAAACATATTTTCAAT
TAATATTAAGATGTGCGTAATACGAATTTTTTAAAATTAACGTATTAATAATTATT
TATATTTAATCTGAATAGATATAACAAGAAAGTGAAATTAGGATAAAAAAATTCTC
CTAAAATCAAACCTTACTTATTTAAATAGATATTAATAAATAATGAATGCATAAT
CTTAAAAATGTTAAACTAAAATAAAATATTAATTAATGTATAATTAAAAAACATA
AGTTTAAACATTAAAAAATTAATAATTAATCTTTATAAAAAAATATAAATTTTAAA
TTACAGTATACTAATATTTTTTTTAAATATTTTGTAGATGTATAAAAAAATCTATAA
AAATATAAATTTAAAATTAAAATTCAATCGAGTCTAAAAAAATTTATAAAAAAA
TCCAAATTATTTTATAAAAAATATGGATATGTGATCCAAATAAATTTAGTTTGGATT
TGGATCATCACCACCCTTAATATAAATAGGTTAAGATTTGTATATGGGTTTATCAT
CCACAAGTGATCCATTTAATTTATTATTTATTATTGATAAAAAATAAAATCATGAGT
TCAAACATTCTTGTCTTTTCTTCTGATTTTGTGCAGGGGGTGCTTGTGGATTTACTG
ACACTGTGAGCAAACCTCCACTCTCTAAAATGATCGTTGCTGGAGGTTCTACTCA
TTTTAAAAATGGAATAGGATGTGGAGCTTGTTTTGAGGTACATGCAACTTGTTGG
TTTTTTTTAATCAGCAAGTGAAAAATAATAGATATGAATCACTCCATAACCCTTA
TACGTGAATATAACACAACAATTTAGGGAACTCCTTCCAATAATCTAATCCT
TTCAAATTATAAACAACAACAATTTAATCAAAGAAAAAACCTTACAAAAGC
TCACTTAATTGAAAACATACCAACCACATGAACAAAGCTCCACTCAGAATAAATA
AAGCAAACCTCCGAATGATCCATCAATGCACCTTTAAAAATATATTCAAACCTTTTT
TCAATTTCTTGTGTAGTTTATAAGTTTAAAGGTATATAAAAAGACTCTCTTAGATA
CAATATTTGTTTATTAGATTGTGTGCTTTTCTATTTTACTAGTTTAAAACCTGTGATT
CAAACATATATATACTTCAACTTTCAGGTGAAATGCTCAGAACACAAAGATTG
TTCAGGAAAAGTAGTGAAAGTGATGGTCACTGATTTATGCCCTGGCGGTTTCGCA
GGAGGAATCCATCTTGATCTGAGTGGCACTGCATTTGGTGCCTTGGCAAAGCCAG
GCAAAGCACAACAACCTTCGTAATGCTGGAGAACTTAAAATTCTCTACAAAAGGTG
TAACTCTTTTTATACATTTGGTTCCATCATATATAAACTTACTAGTTTAAATACTTG
GTAATTTTTGTGAGAGTATTTTGGTAACACTAATTTGAAATACCCTTTTGGGTTTG
TAGGGTTGCATGCTCCTTTGGGAAATCTATTCATTTACTGTGCGACGCTGGATCCA
ACCCATACTATTTTGCAACTGCAATAGAATATCATAATGCGGATGGTAACCTTGT
GCAGATTGAGCTGAAGCAAGCTAATACTAACAAATGGATTCCAATGAAACATTC
ATGGGGTGCAAAGTGGGCTTTGGATTTAGGTTCAAAGTTGCAACCACCATTCTCC
CTTAAGCTCACTCAAGATGGCAAGATCAAAAAGAAAAGCATTGTGGCTCATAAT
GTAATTCCAATTCAGTGGAAACCTGGTTCATGTTTATCGATCTGTTAATAACTTTTA
AACTCTACCTCTTTCAGAATCTCACATGAATAATCAAACCACAACCTGCCACCATA
TATAAATAAATTTAGTGTTTCATATAAGAAATTCATATACAGATAGAATAATACAA
AGTTGTACAGCA