

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA31966

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA31966

Description: TprEXPA-28

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

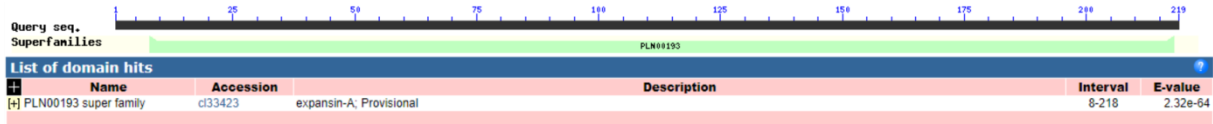
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXPA-28

MAISHSFIPLTFFILLKQVIADIDTNWYDAHATFYGGPSGAGTMQGACGYGDXXXX
XXXXXXXXXXXXTATNFCPPDYSKTTDIWCNPPQKHFDLSYKMFTSIAYEKGGIILVK
YRRVSCFKRGGVRFEINGNPNFLLVLFNVANAGDVSRSVVKGSKTGWIPMKRNWG
QKWDSGVNLVGQALS FQVTTSDGKTLEFYSVSPYNWQFGQTYEGQGNF*

CDS (coding sequence)

>TprEXPA-28

ATGGCTATTTCTCACTCTTTCATTCCTTTGACCTTTTTCATATTGCTCCTCAAACAG
GTCATAGCAGACATTGATACAAATTGGTATGATGCTCACGCAACCTTCTATGGTG
GTCCGTCAGGAGCTGGAACCATGCAGGGGGCTTGTGGTTATGGTGATNNNNNNN
NNNAACCGCAACAAATTT
TGTCCTCCAGATTACTCCAAAACCACTGATATTTGGTGTAAATCCACCACAAAAC
ACTTTGACTTGAGTTATAAAATGTTCACTTCTATTGCCTACGAAAAGGCGGTATC
ATACTAGTTAAATATCGACGTGTTTCATGTTTCAAAGAGGGGGGTGTAAGGTTTG
AGATCAACGGAAACCCTAATTTCTTGTTAGTTTTGGTGTCAATGTTGCCAATGCT
GGCGATGTTTCTCGTGTTAGTGTCAAAGGGTCTAAGACTGGCTGGATTCCCATGA
AACGCAATTGGGGACAAAAGTGGGATTCTGGAGTTAATTTGGTAGGACAAGCTTT
GTCATTTCAAGTTACTACAAGTGATGGAAAACCTTTGGAATTTTATTCAGTTTCTC
CTTACAACCTGGCAATTTGGACAGACTTATGAGGGTCAGGGTAATTTTTAG

Nucleotide

>TprEXPA-28

GGCTCTTTTCAGTGTTTTTTACGTACCTTAGTGATGGCTATTTCTCACTCTTTCATT
CCTTTGACCTTTTTCATATTGCTCCTCAAACAGGTCATAGCAGACATTGATACAAA
TTGGTATGATGCTCACGCAACCTTCTATGGTGGTCCGTCAGGAGCTGGAACCATG
CGTAAGTTCTAAAATCAAACCTTTCATTTTTATTCTATATGAGTTTTTAAATGATAT
AAATTGTTTATACGTTATTTAGAATCTAAAAAATAAAGA ACTATGAATCTCCATT
ATTTTGTTTGCCTAATATTTCAAGTTTTTTATATCATAACGTTATGTGTTACATGAAG
TTCAAATGACTATTCGTTGTTAGTTATTTATATGAATGAAGAACATACGGGAAA
CAAGTTGTGTACCTAATCCTTTCTTGTATTTGTGCAGAGGGGGCTTGTGGTTATGG
TGATNNNAACC

GCAACAAATTTTTGTCCTCCAGATTACTCCAAAACCACTGATATTTGGTGTAATCC
ACCACAAAACACTTTGACTTGAGTTATAAAATGTTCACTTCTATTGCCTACGAA
AAAGGCGGTATCATACTAGTTAAATATCGACGTGTTTCATGTTTCAAAGAGGGG
GTGTAAGGTTTGAGATCAACGGAAACCCTAATTTCTTGTTAGTTTTGGTGTTCAAT
GTTGCCAATGCTGGCGATGTTTCTCGTGTTAGTGTCAAAGGGTCTAAGACTGGCT
GGATTCCCATGAAACGCAATTGGGGACAAAAGTGGGATTCTGGAGTTAATTTGGT
AGGACAAGCTTTGTCATTTCAAGTTACTACAAGTGATGGAAAACTTTGGAATTT
TATTCAGTTTCTCCTTACAACCTGGCAATTTGGACAGACTTATGAGGGTCAGGGTA
ATTTTLAGATAAAAATTTAATACGTTAATATATCTAGTCACAAAATTATTAGGAGA
ATGTGTTAAAAAATAATAATTATTCGGAGTATCATGTAATTTTAATTCTAGTATTT
TGATGGAATAAAAAGTACGTGATTTAT