

## IDENTIFICATION

**Species:** *Medicago truncatula*

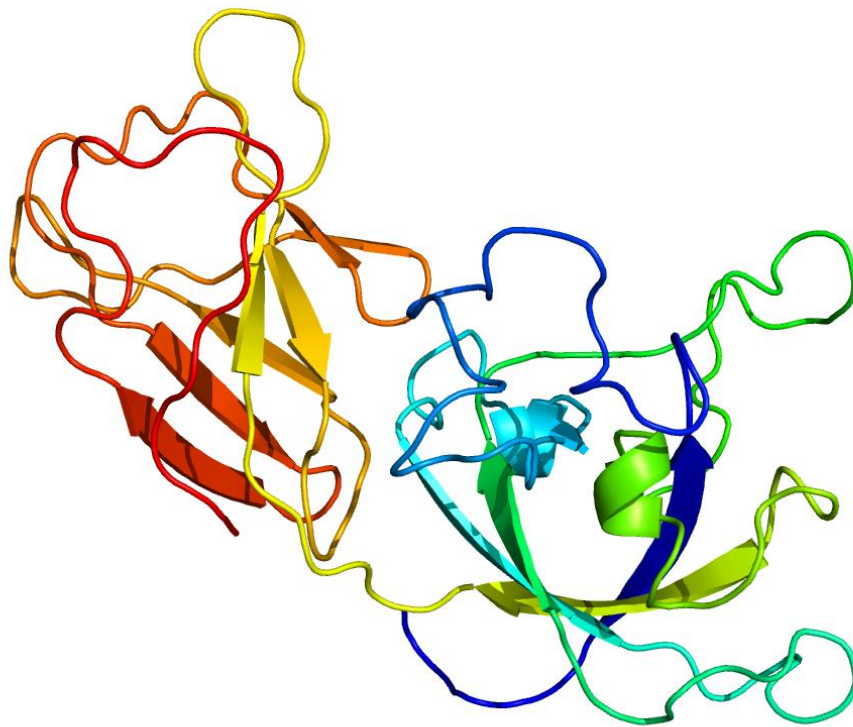
**Locus:** Medtr7g061720

**Gene Model:** Medtr7g061720.1

**Description:** MtrEXPA-25

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula\\_Mt4\\_0v1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

## EXTERNAL RESOURCES

-



TATAACAAACTTCAAACCTCTGTTTTTCCTCTGTTTTCCCTGTTTTGTTCTGTTTTCT  
ACTACCCTTTTCCTCAAATCACCTCCAACCTTCTTATTCATCACTCCACTAACCATTT  
TGCATTATCAATTTACACAAAAAATACTCACATGCAACAATTCTTGAAGCATAT  
TTAGCTAAATTCCTATTTTTATTTACATTTTCCTGTTAAAATGTTCTGTTTCATAAT  
TTCATATCCATTCTCCAAGCCCATTTCTAGTATTAACCAAGTTTTAATTTTTATGCT  
ACCCTTATACTCAAACCCATTTCCATAACATAAAGTTGCAATCTTTTCATCAAAT  
TTTTCCATTTTCATGATAACACAAAAAACTCAACTGTACCTTTTTATCAATTTTTTTA  
ATTACTTCTACAACACTTTTGATTGAAGACGTGTTTCGCTGATATCTTACACGACCT  
TGACACACATAAACATTCTGTTAATTTATTAATTTTTTTAAACTTTTACTAATGTC  
AAGTGTGATCAATGTCATGTCTGGTGTCTGGTGTCTGCAACAGAAGCAATGACCTT  
TAAGTTAATTATTATTATATTTTTTTGGGTATTTTCAGGCGGTGCTTGTGGATATGG  
GAACCTATACAGCCAAGGCTATGGAGTAAACACAGCAGCACTAAGCACAGCACT  
ATCAACAATGGCTTAAGTTGTGGAGCATGTTTTGAACTCAAGTGTGATCAAGAT  
CCACGTTGGTGTAAACCCTGGAAACCCATCAATCTTGATCACTGCAACAAACTTTT  
GCCCTCCAAATTTTGCTCAACCTAGTGACAATGGTGGCTGGTGCACCCACCTAG  
ACCTCACTTTGATCTTGCTATGCCTATGTTCCCTAAGATCGCTCAATATCGTGCCG  
GAATCGTCCCCGTCGCTTACCGCCGGTGAGTTTGATCACAAACCCTTCTTTTGTCT  
TTGGTTTTGCTTTGTTGGGTTGCTTTCAAGTTCAAACCTTTTTCATTGTTTTGTAGT  
GCAGAAAATAAGGGAACAAAATTAAGCTTGAAAGAGAATTTTGTTCTTCTTTTC  
TTTTCTTTCATTTCTTCCCTTAAATGATTCCTTTAAAATAACTGTCGTATCCGTAGA  
TAAAGTGGTAAACATCACATGAATTCATGCACATAAAGTTAGTCTAGGGTTTGAG  
TGAGAACCCAAAACGTTCCATATATCTGATTTAACAATTTTCGACATTTATAAATTA  
AACGAGTCATTTTAAAATGACGAAATATATTTATTTTTTCTTATAAATACATGATG  
AAAAATTAACCTTTGACATATTTATACATTAAGATTATTAATAGAGTATTA  
TACACTACTAGTTTTTTGATTTATTAATAAATGACTTGTAATAAATAAGTAATTTT  
CTTTTTGGAAATTTCTGAAATTATGAGCTTGCATAGTTAAGGAACCGCCCCACA  
GATAGTACAAAACACAGAAAATGTGAAAAAAAGTTTGCTTTTTTTTGCCAAAGTT  
TTCTTTCCAATATTGTTTGTCTTTCTTAGGAAACAAACAAGAAATTGTGTTAGAATC  
TCCTCAGCTGTTTTATCATAGTCCCATTCAACTGTTTTGTGCGATTTACACACATTA  
ATAGGAACCAAGAGACAATTTTTCTTCTAGCCATGTTGAGTAATAAATATTTGT  
GTAAACTTTTCATAAGGACCATTAAGGTTACTAATATTGCAATTAGATGTATATT  
TCGTGTATAGTTAAAAAAACTAATTTGGTGAAAGTTTATTTAATTTGATTCTTA  
TTTGTGAAATTA  
AAAATGTTACCAAATTCATTTAAATTCATTGTGTTCTTTATCACTT  
TTGTGTTCTTTCCGGTGTCTTTGGTACATATGCTTTACTGTTTCGGTGGTCAGTGCCAA  
ATGACTAAAATAACCTTTCTTTTGGGGTATTATAGTCATTCTAGCACTTTTTTCAC  
TTTAGTACTTTGAGGGTATGTTAGTAATTATCTATCTTATAGAAAATACATAATT  
CCGGAAAATCTGGATTTATAGTCAGAAGAAACATCTTTAACAGTTCCATACCTAT  
GTTAGGTCACACATCCTTAGAAAAGGTTCAATTTTTTTGGGGCTTTGTAACATCA  
AATAAAAATTACAAGTACCTCACTCACTTAGTTCAAATTCCTAGAATAATAATA  
TTCAGTTCAACCACATGAATCATTCCCTAATTTGTTTAATTTAAAATTTGATAGTTA  
CATTTAACTATTTTAGTAAAATATTTTTATTGCATATTATACATTAGTTGGACAGT  
ATGGCACATGTCATATCATTATTTATGCTTTGATATACATTGCATTGGAACAAAAT  
AATTTCCATTTTTTTATTAATACAATGTTTTGATATAGTTTTATTTGATTGAATTGCA  
GGGTACCATGTAGAAAAGCAGGAGGCATAAGATTACAATCAACGGTTTCCGTT  
ACTTCAACTTGGTTCTAGTCACCAACGTCGCGGGTGCAGGGGATATCATCCGCGT  
GAGTGTTAAAGGAACCAACACCCGCATGGATGCCAATGAGTCGTAACCTGGGGGCA  
AAACTGGCAATCCAACGCAGTTTTTTGTTGGTCAGGCTCTTCTTTTAGGGTTACCG

GCAGTGACCGTCGTACATCAACATCGATGAACATTGCACCACCTCATTGGCAATT  
TGGACAAACCTTCACCGGAAAAAATTTCCGAGTCTAAAAAGAAGGAAAATAAAA  
TTTAAACAAAAACCATTACTTTCTATTGTCCTATTTTTGACTTGTTTGTTTAAGTTT  
CCCTCCTTCAAATTTTCCTTTATTTTCCCGGGAAAAAATTTGAAGTGGGTATATAGT  
AGTAGTAGGGTTTCAAAAAGAAAGTTAAAGTTGGGTAGTTTTAGGAAAAGTAAA  
GGTGAAAGTGAAATGAAAGTAAGTTTATTTTATATTATTAGTTTAATATATGAAT  
GGGAGGGGGGTGTTTGTATTAAATGTTATAAAGTGTAATGTGATGGGTGATGCTG  
GTATATTTATTACCCAGCATTGAAACCCATTTCTTTATGTTTTTTTTTTTTTTACTT  
AAAAGTGTGTATAGGGTTGAAGAGGTTGCAAGGATAATGAACATGTAACCCGCA  
GCTCTAGTTTTATTATTATCAACTAAAGTTTGCTACCTTATAAATAATGATATAAT  
ATATTTAAGTTGTTATAATT