

## IDENTIFICATION

**Species:** *Sesamum indicum*

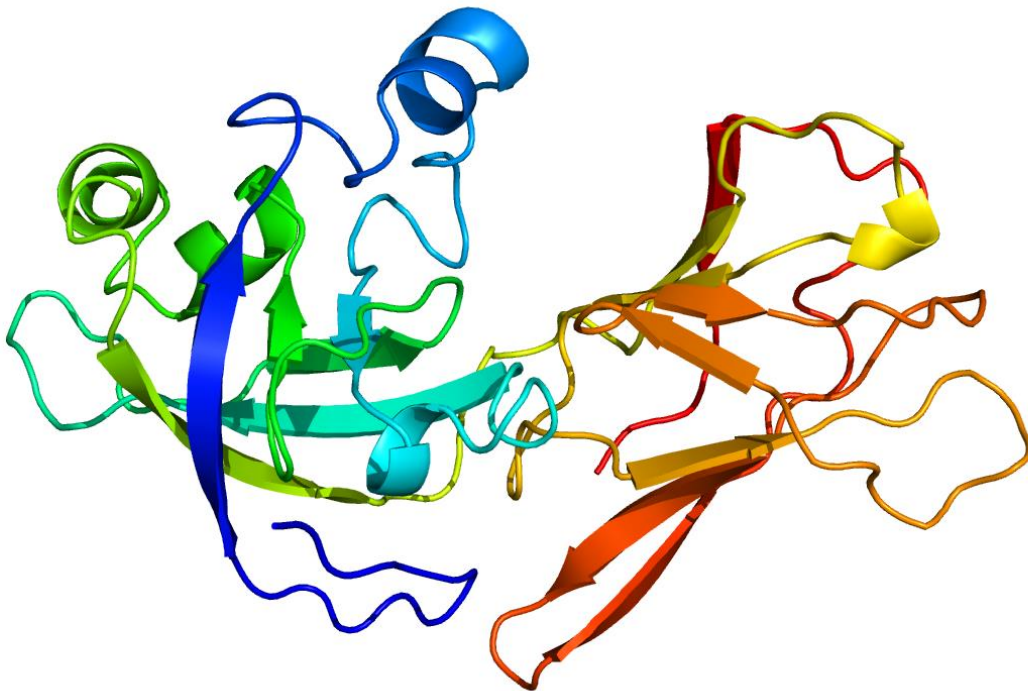
**Locus:** XP\_011081880

**Gene Model:** XP\_011081880.1

**Description:** SinEXLB-02

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

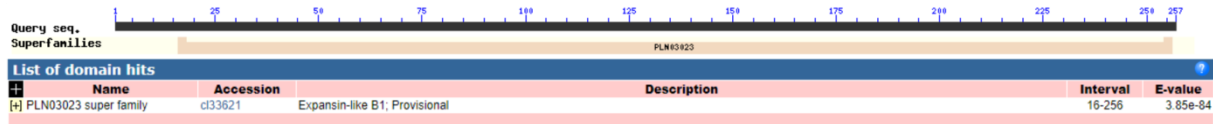
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>SinEXLB-02

MMAHLWLFNLFIA TFLSLEILGNAATCRDCFIHSRAAHYPNSDDNGTEIGRCGYGTF  
GATLNAGDVSAASDL YRDGVGCGACYQVRCTNSNYCSDKGVTA VITDHGSSDRDTDF  
ILSRRAFGRMAQNQDAAASLLALGIVDIEYRRVPCSYPNKNITIKIDENSNYPHYLA FV  
IWYQEGSKDITAVQLCETKNYICKLLDRSYGAVWTTTSPPIGPLSVRMLFSDENGEET  
WVVPVKDIPDNWKPGETYDSGVQVTD

### CDS (coding sequence)

>SinEXLB-02

TGCAGTTCATGCACATAAACCCGTCTTCTTCCCTTTCGTCTGCTTCAATTGCTATCT  
TGTATGATGGCTCATCTCTGGCTTTTCTTTAATCTTTTCATAGCAACTTTTCTCAGC  
TTGGAAATCCTTGGAAATGCAGCCACATGCAGGGATTGTTTCATCCATTCGAGGG  
CTGCTCATTACCCGAATTCTGATGATAATGGAACAGAAATTGGACGCTGTGGCTA  
TGGTACATTCGGTGCAACACTTAACGCTGGAGATGTATCTGCTGCATCAGATCTG  
TATCGAGATGGAGTAGGGTGTGGTGCTTGCTACCAGGTCAGGTGCACCAACAGTA  
ACTACTGTTCTGACAAAGGAGTTACTGCAGTCATAACTGACCATGGTTCCAGTGA  
TCGCACTGACTTCATTCTGAGCAGGCGTGCTTTTGGTCGAATGGCTCAGAACCAA  
GATGCAGCTGCATCTCTATTAGCGCTTGGCATAAGTAGATATTGAATACAGACGGG  
TTCCATGCAGCTATCCAAACAAAACATTACCATAAAGATAGATGAAAACAGCA  
ATTACCCCATATTCTGGCTTTCGTGATTTGGTATCAAGAAGGCAGCAAGGATAT  
AACTGCCGTGCAACTTTGTGAGACAAAAAATTATATATGCAAACTACTAGATCGG  
AGTTATGGAGCAGTATGGACAACCACCTCACCGCCATTGGACCTCTGTCAGTAA  
GAATGCTATTTAGTGATGAAAATGGAGAGGAGACTTGGGTAGTCCCAGTTAAGG  
ACATACCTGACA ACTGGAAACCTGGAGAGACATATGATTCTGGAGTACAAGTGA  
CTGACTGATGCAAGA ACTCCTCATTATCATCTCATTATTTTGTATTACTTAGCTTG  
TTGGTTGTATTCCTTTCCATCCTTTCAATTGGTTTATCGTTTTTCAGTGGTAGGATCC  
AATAAATAGTCAACAAATCCAGGGGTTTAATTATTTTATAGATGAGTAATAGAAG  
CAAAGGAGATGTCTTGTA AAAATTATGTGAAGATGCTTAAAGGTTCTACACTAAT  
TAAATTCATCCCTTCTCGAGA

### Nucleotide

>SinEXLB-02

AATTTTATTGAAAAAATATAGAAAATATTACATAGATATTATTTCTCGGTTGAAG  
AAGACAACCTGTTAAACCTCTTATATTATAGAGGACTTGACTCGTTGGATAAACCC  
CTACAACTAAAAGGTTAAAATACTAGAAAAGATTGAAAAGGAAATCACTTGG  
TACTTTATGGTGTGATACTGTTTGCTGTTCCAGTGCTAATAAATGCAGGCTAACAT  
TAAACGTCATGCATTGTGGCCTTCCCATCTCTCAGTAATACCCTAACCTGCTTTG  
ATAAATTAATTCAGAATAATATTCAGTGAGGGTAATTGAAAAAAGGTCTTGATTG  
ACGTTGATCTGCTTGTTCGAAGCCCCATTTGCACATAAGTTATGCTATCCCTTGTA  
TGAACTAGTGTATCAATGAGAATATTATTAGTTTCTTTTTGCTATTGTGGTTTGC  
AAGAAGTGGATTGATCTTGAAGCTGTGGAATATTACTTAGGAATGGGGCAGTAAA  
AATCTCGAGAAGGGATGAATTTAATTAGTGTAGAACCCTTTAAGCATCTTCACATA  
ATTTTACAAGACATCTCCTTTTGCTTCTATTACTCATCTATAAAAATAATTAACCC  
CTGGATTTGTTGACTATTTATTGGATCCTACCACTGAAAACGATAAACCAATTGA  
AAGGATGGAAAGGAATACAACCAACAAGCTAAGTAATACAAAATAATGAGATGA  
TAATGAGGAGTTCTTGCATCAGTCAGTCACTTGTACTCCAGAATCATATGTCTCTC  
CAGGTTTCCAGTTGTCAGGTATGTCCTTAACTGGGACTACCCAAGTCTCCTCTCCA  
TTTTCATCACTAAATAGCATTCTTACTGACAGAGGTCCAATGGGCGGTGAGGTGG  
TTGTCCATACTGCTCCATAACTCCGATCTAGTAGTTTGCATATATAATTTTTTGTCT  
GCATATTGAAATGTGGAGTTAGTTTTTCGTATAGAAAATTCAGAATTCTATGAATTT  
TCTGACATGTGCAACTTTTTTCTCATCAAAAAGCCCAGGTATCGGACATACACAG  
AAATGTGGAATGCATAATAAAAAGATTCTGAAAGATACCTCACAAAGTTGCACG  
GCAGTTATATCCTTGCTGCCTTCTTGATACCAATCACGAAAGCCAGATAATGGG  
GGTAATTGCTGTTTTTCATCTATCTTTATGGTAATGTTTTTGTGGATAGCTGCATG  
GAACCCTGTACATATACATGAGCTTCTGATCAAGCAGATTCAGAGTAAGGTACAG  
AAAGCGTTGGTGTGATTGATAATTTGTAGGATTATGCAGGGCTATAACATAAGCA  
TGTGATGAGATAGCAAAAGTTTGAATGTATTTACAAATAAAAATAGACCGAGAGG  
TGGAAGTTTAAGTTGATATAGGATGCTTAAAGAAACCAGTGAATTATGTGATTTA  
GTAAACCACTAGAAATGATTCATACAAAACAATTTCTTGGATACTAGATGTGAT  
TTCTTATAAATTCTTAATTAACAGAGCCGTAATATGTTTGAAATATATCCAACCT  
TCATGAAGCTTTGGGGATGTACCGTCTGTATTCAATATCTACTATGCCAAGCGCTA  
ATAGAGATGCAGCTGCATCTTGGTTCTGAGCCATTCGACCAAAGCACGCCTGCT  
CAGAATGAAGTCAGTGCATCACTGGAACCATGGTCAGTTATGACTGCAGTAACT  
CCTTTGTCAGAACAGTAGTTACTGTTGGTGCACCTGACCTGGTAGAGCAAGGAAT  
AGTAAACAATAAGATCACATCACTATTGCATTACATGATAAAACAATGCAATCTT  
TACTATCATTAAATGGTTTTACCTGGTAGCAAGCACACCCTACTCCATCTCG  
ATACAGATCTGATGCAGCAGATACATCTCCAGCGTTAAGTGTGACCCGAATGTA  
CCATAGCCACAGCGTCCAACCTGCATTTTTTTATGTTAAATTTGATCAAACTTAGT  
ACAACATGTTAATCAAATCATCGACAAGCATTTAGATGGTTTTTCAGTATAGCATA  
TACTTCATTGTCTATATTCATTCCACATGGATAATCTATTTACTGACAGAAGAAGA  
TGCATATAGTAAAAGTTCTTTGCATGCCATTTTTTCAGCTATATTGCTGATATCTCA  
CTTTCTGTTCCATTATCATCAGAATTCGGGTAATGAGCAGCCCTCGAATGGATGA  
AACAATCCCTGCATGTGGCTGCATTTCCAAGGATTTCCAAGCTGAGAAAAGTTGC  
TATGAAAAGATTAAAGAAAAGCCAGAGATGAGCCATCATACAAGATAGCAATTG  
AAGCAGACGAAAGGGAAGAAGACGGGTTTATGTGCATGAACTGCATATTCATTC  
TAGTATTTATAGTGAATGAGATCTACGTACCAAGCTTATCAGGCTGGTAAGACT  
TCAGACTTTGACAAATACGTTCGTGAAGGAAAAGAATCCCACTACAGTTTCTTTCT  
CTAAGTTTTAAGACTTGTTACAAAAGTAAATATTTCAAACCTCCTGCCTGTGGAAT  
GTCAAAACCATGGACCATTGTTCAAGTGTGAATTAATTCAAAAATATTTCTGATTA

AGATAGCCAAGTTAGACCGTCTCCAACCTGCTTTCTACGTTTGAACATTAGGGTTG  
CAAGAATTCTGCTGTAATCATTACAAATTACGTCAAGGCCATTACCTTGAGAAAC  
ATAATTTGATTTAAACATTGGACATCGATATTTTTTTGAATCTATCATATGAGGAT  
GTAATTCTTGCAGCAATACTAACATATGCAGCAAGGAAAGATCAAGAAAAATGA  
AAATTGCTTAACAAGGTTAGAGTTAATTAAGAAAAAAAATTGTCTTAATAT