

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

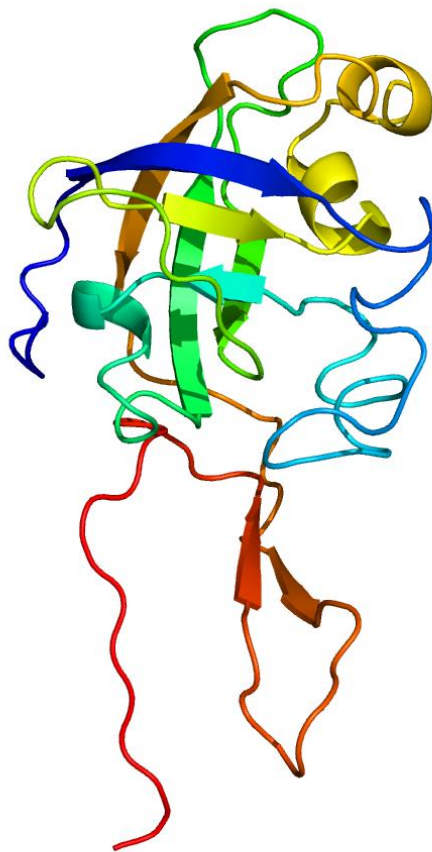
Locus: Medtr0122s0020

Gene Model: Medtr0122s0020.2

Description: MtrEXPB-06

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

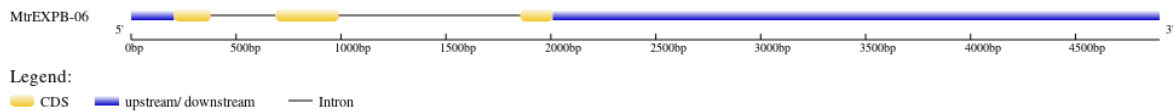
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

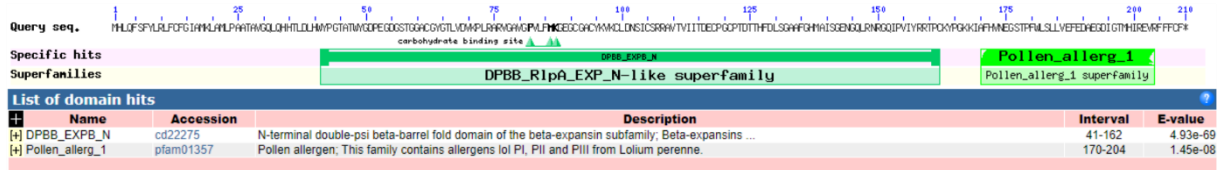
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPB-06

MHLQFSFYLRLLFCFGIAMKLAMLPAATAVGLQLQHHTLDLHWYPGTATWYGDPEGD
 GSTGGACGYGTLVDVKPLRARVGA VGPVLFMKGEGCGACYKVKCLDNSICSRRAV
 TVIITDECPGCPDTHHFDLSGAAFGHMAISGENGQLRNRGQIPVIYRRTPKYPGKKI
 AFHVNEGSTPFWLSLLVEFEDAEGDIGTMHIREVRFFFCF*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPB-06

ATGCACCTCCAATTTAGCTTCTATCTAAGGCTTTTCTGCTTCGGCATAGCCATGAA
 GCTCGCCATGCTTCCGGCTGCCACTGCCGTTGGGCAACTTCAGCATCATACTCTCG
 ACTTACATTGGTATCCCGGTACCGCCACTTGGTACGGTGACCCCGAAGGAGACGG
 CAGTACTGGGGGAGCTTGTGGGTATGGAACATTGGTGGACGTGAAGCCATTGAG
 AGCGAGGGTAGGGGCAGTGGGACCAGTGCTGTTTATGAAAGGGGAAGGATGTGG
 TGCTTGCTATAAAGTGAAGTGTTTAGACAATAGCATATGTTCAAGGAGAGCAGTT
 ACTGTGATAATCACTGATGAGTGCCCTGGCTGCCCAACTGACACCACCCATTTG
 ACCTCAGCGGTGCTGCTTTTGGACATATGGCTATCTCCGGTGAGAACGGTCAACT
 CAGAAACCGCGGTCAAATCCCTGTCATTTACCGAAGA AACTCCGTGTAAATATCCA
 GGAAAAAAAAATTGCATTTTCATGTTAATGAAGGTTCCACACCATTTTGGTTATCAC
 TTCTGGTTGAATTTGAAGATGCAGAGGGAGATATTGGCACTATGCATATACGAGA
 AGTACGTTTCTTCTTCTGTTTCTAG

Nucleotide

>MtrEXPB-06

TAAATAAACACAAAACCAACGGACAAAAGGTCAAAGCAATCACGCGTTGTTG
 TACTATAAGAAACCAACAACCCTCTCTTCTAACGGTCCAACCTAAACCCAAACGC
 CACAACAGACAGAATCTCCCTCTCTGCGCCACGAAACTGTCGGCAGAGCTCT
 AAAACGCCCCCTTTTCAGCTCCGAATAGCAGTAGTGTACAATGCACCTCCAATTT
 AGCTTCTATCTAAGGCTTTTCTGCTTCGGCATAGCCATGAAGCTCGCCATGCTTCC
 GGCTGCCACTGCCGTTGGGCAACTTCAGCATCATACTCTCGACTTACATTGGTATC
 CCGGTACCGCCACTTGGTACGGTGACCCCGAAGGAGACGGCAGTACTGGTAACA

AAACCTCTCTCTTATTTGTTTTCTTTTTTCACAGCTATGTATGAAACACGAAAACG
GACACATTGACACAGATAAAAATTTTGACAAAATGACATTATTC AATATGTTGGTG
TCGGACGCGATGCGTGTCCGACAGCAGGACACACCTTCAATCAGAAGTGTCTGTG
CAAGAGAGTGTAGCTCTAACACTTCTGATTA AAAATCGTGTTTGGTATTAGACACA
ATTACAATTACATTCAATTATGCCATTTTTTAATAATAGTGAGTATGTTGGTGATT
AATTATGATGAGAATGTGTGAATTAGGGGGAGCTTGTGGGTATGGAACATTGGTG
GACGTGAAGCCATTGAGAGCGAGGGTAGGGGCAGTGGGACCAGTGCTGTTTATG
AAAGGGGAAGGATGTGGTGCTTGCTATAAAGTGAAGTGTTTAGACAATAGCATA
TGTTCAAGGAGAGCAGTTACTGTGATAATCACTGATGAGTGCCCTGGCTGCCCAA
CTGACACCACCCATTTTGACCTCAGCGGTGCTGCTTTTGGACATATGGCTATCTCC
GGTGAGAACGGTCAACTCAGAAACCGCGGTCAAATCCCTGTCATTTACCGAAGGT
AAAATTACTTTTATGAATATTGGTTTATCCTTTTTTGGTTACAAAATTACTTTTATTC
TCTGTAAAACGAGGATAGGGTAGTTCATCTGATTGCTGTAGACAATGTATAATAG
ATTTGGTTAGTATACGTTTATCCTATGTGATATTAGCTGTTTTTGGTCTATTTGTGT
AAAAAAAATTGTTTAGATTTCAACTATATAATTTGAAGAGTTTTAGTTTTAGACCT
TCAAAAATTTTGATTGTACAAAATCAAAAATCAATAATATTGCGAGAGATAAACC
AAAATTGGTAGGGACAAACGTACATTAAATTTAAAATTTGATGATATGAATCCT
CTTAATAAAAATCTTCAAATCAGAGGGTTAGGAATTTATTTTTTTTGGACAAA
CGTAGCATTTTGTTTTTTGTTTACTAAAATTGATCATTTTATTTTTTATTTAGACAA
ATTTTTTGTGGCCCAATGAATACTTTGGCACACTAATACTGTACTGTAAAACA
TTTTTTAATAAATGCATTTATTTGTTGGGCATAACATTGATATGCTGAAGGAAGA
AGCATGATTGGTTAATTTTTTGGTGGGGTTGCTTTCTGAACCTTACCTTTGTTTTAT
ATTGACTCTTTGACGAGTTCGTTCCTTTCTCCTTTCATATGGTGCAAACATTTGAC
TTTTCACATCTTAATTTTTGTTCTTTGGTTTATTTATATAATAAATATTATAATAA
ACGTAGCTCAGTATCCTTTTAAGGAAAAATGATTTATCTCCGTTTCCACTACTCTG
TTTGTCTCTATAGATTGATGCAATGTACCTTTTTGTTTTGTGAATAATAAATGAAT
TTTTGACCTATGTGAAATGCAGA ACTCCGTGTAATATCCAGGAAAAAAAATTGC
ATTCATGTTAATGAAGGTTCCACACCATTTTGGTTATCACTTCTGGTTGAATTTG
AAGATGCAGAGGGAGATATTGGCACTATGCATATACGAGAAGTACGTTTCTTCTT
CTGTTTCTAGTTATGAAGCATGGCACTTCTCGGATAAGGCGTGTCTTAGTATCGG
ACACGTATCACGTCTGACATAGACACGACACCCGCACTTATAATTATACTGAACT
ATGTGATTTTCCTAAATTATTAGAAGTGTGACGTGTCAGTGTCCATGTCGTGTCC
GGTGTCCGTGTCCGGTGTCCGTATCCGTGCTTCAATTGGTTTCTAATGTTTATTTGCTT
CCATGATGTTTTTCCATAGTTTATTTTTTTGGCGTTATTTCTTATCCCAAAGATATA
GCTAAATGAATAAAGAACAATTTGATAGAGGCAGATGGAGAAAGAGTATAACTG
GATAATTAATATAACTGAAACAGAGAAATAAAAAAATGCACAAGAGAAGAACCC
TGAACCTCTGATCTCTCAGAGAATCAGATGCAATTACAGCTAACAGTCTCTAATA
TTAAGAAATTTTAAGAAAGTGGTGGTATTTTCATTATATTTTTTAACGGTTCTGTTA
CTTAAATTAATTTTATATCATATGTGACACCATGGAATATTTTTATTTAATATCTC
TTACTTTTTATCTTTTACAAGTTTATAAGTTATTGGTTATCCTCTAAGAAGACACC
ATGTATCTTTTACAGATTTATATCATATGTATCAATTACTCCAAATAACATCATAT
TTATAAGATCTATTAAGCACGAACACCCTTCGGATTAGGTGTGTTCTGATATCGA
ACATATGTCGTGTCCGACACCCGCACTTTAATTACACTGTATTATATGATTTTTTC
AAATTATTAGTTGTGTCGGCGTGTCTGTATCGTGTCCGATGTTCCGTGTTCCGTATCC
ATACTTCATAATATCTCTAAAAAACATCATATTTATAAGTTATCTAAATTTTTGT
CAAAATAGTAATTTTTTTTACTTTTATTGCTAATGTACACTTTTTTCCGGCTAATTGA
TTATGCACACTTGATTTATTTAACGAATAAAGTGCAAAAGATAGTAGTACTACTA

AATATATTGCATTTGCATCTTTGGAAAACCTGCATCTTGAAAACCTGTTGCAGATTTT
GACTGGAAGTAGTTGTCTAAACGTGAAATAAAGCATTATGGTCATTCACGGTGCA
CATTGATTTTCCATGATAGTAAAAGGATACTACTCGCATAGTTCATACTAACTCTA
TCTATAAACACGAACACTCTTCAGATTAGGTGTATCCTGGTGTCTGGACACGCGAC
ACAACATCGACATTTATAATTATACTAAATTATGTGATTTTTTTTCGAATTATTAAC
TATATTGGTGTGTCTGGTATCTATGTTGTATCCGTGTCTGTATTTCGTGCAATATTTC
AAATTTTGGGGACGTGTCCTCTTAAATCGCGTGCCTCTGTCTCACTCTTAGGCAAT
TGGGAGTGACCCTCTTCACACCATTTAAATATATAAGTGTGTGTTCTTCCACATAT
TATATTGCCAACTTCCCCTTAGTGCTTTTGATGTATTTACTATTGCTACTATTTTCT
GCACTCAAAGCATGTGATATGGGACCTACATCTTTAAATAACATTCCTCACTTCTT
TCTCCCCCAATCTATGAAAGGACTTCACTTGGCAATTATTTTGCCAAATCAGATCA
AATAATTCATTAAATAGACATTTGATCTCTTGTTTACAATAATAGTTAACTGTAA
ACACAAATGCATATAACCAATATCTTAAAAGATGCATTTAGCTCCTCTAAATCTA
ATGAGTATATAGTAAAATTAGAAAATCAATGATGTATATTGTAACCATTTATAAT
TTGTTATTAATTTGCATGTAATATCAATCTATTTGGGTTGGCCTAGTGGTATTGGC
TTGGGACTGGGGAGTGTGCTCCTCCTCAAAGTCTCAGGTTTCGATCTCTGGTGTCA
ATTTGAGTGGGCTAATTTAGCTTCTTCAAAAAAATGTGCATGTAATATCAAGCAT
TAGTCTATTTACCAATGATTGGATAAATTACTCACAATATTCTTGATAAAAAATTA
TCACTCATTTCAATTATTCTCTTTAGTGATTTGTTTACTTTGAACAGACTATATTACA
ATTTGAACAATGAGACTAACTATGTTATGTTTTATTTTATTTTATTTTACTATTGTA
TTTTTATTGCAGAATGGTTCTAGTGAGTGGCTACAAATGAATCATCTGTGGGGTG
CAAATTGGTGCATTATTGGGGGACCTTTAAGGGGACCATTCTCTGTCAAACCTCAG
CTCTTCCACCGGTAGAACCCTATCAGCTAGAGATGTTGTTCCCTAGCAATTGGGTTT
CAAAGGCCACTTACACTTCTCGCCTAAATTTCTACCACTAAAACACAACCTTTGC
AATAACCACATTTTACCTAGTTAATTAATTAAGTTTGGTTAGGTCCCATAACGCA
AAAATAGTTCACATGGGTTCCCAACTCTTTCCCTTAGTTTGCTATATATATACT
TTTAATTTTCTTTTTTCTTTTTACCCATCTAAGTCCACTTTTTCTCTTTGTAAGCAA
GTAGTCAAGCCATTGAATTGCACAAGGGCATTCAATGGTCCTTCCCTTTTCTTGTT
TCTCCTTTTGTTTTTGTATACCTAATTTTATTATGGTGTGTTATTGTTGGTAGTAAA
TGTCATGTAGCCCTCTCCAAAACCTGGAGAGAGAGCGTGTAGGGTTGTATCCTTAA
TTCCTTGCAGAGCTGAACGTGTGTAGTGAACCGGTTGGACTTTAAAGAATACTGA
TTTTCCAGCCTTTGAATGTCTTTAAATTTTATTTTATTTGATGTTGCTGATCTTGTG
ACCTACCTCAAGTCATGTATCCTCATATGGTTCTATTTCTCTCTTTTTTTCTTTGA
AAAATGTTATGTAGTGCTCTGAGGCACTAGTTAGACTAATATAAAAAATTTG