

## IDENTIFICATION

**Species:** *Mimulus guttatus*

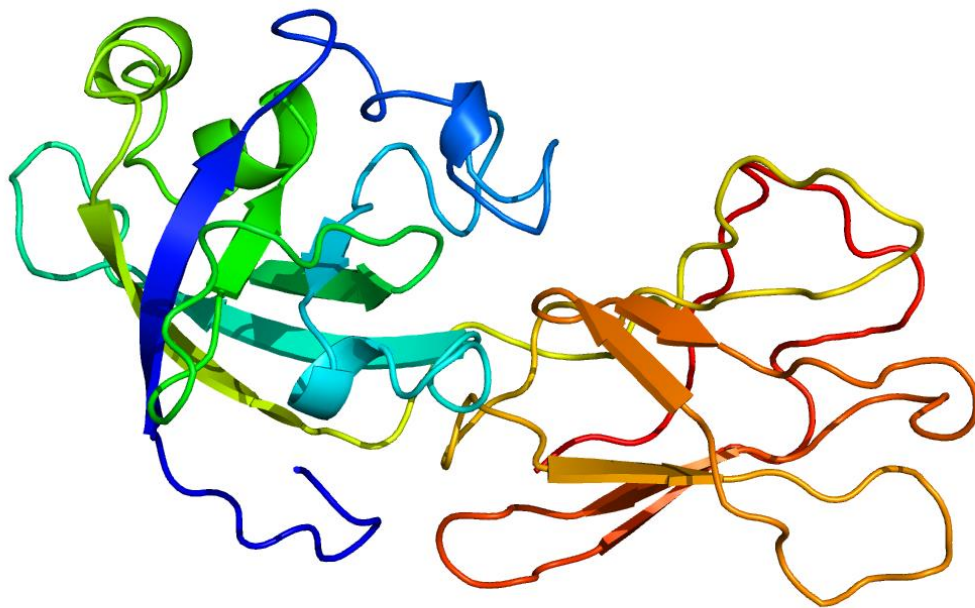
**Locus:** Migut.F01489

**Gene Model:** Migut.F01489.1.p

**Description:** MgEXPB-05

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

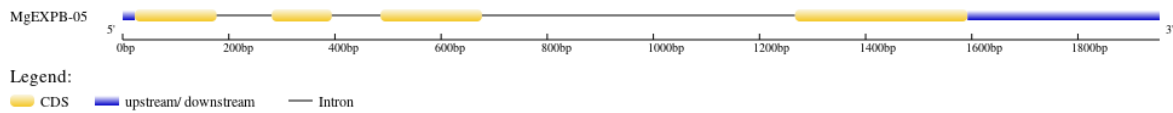
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus\\_v2\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0)

KEGG:-

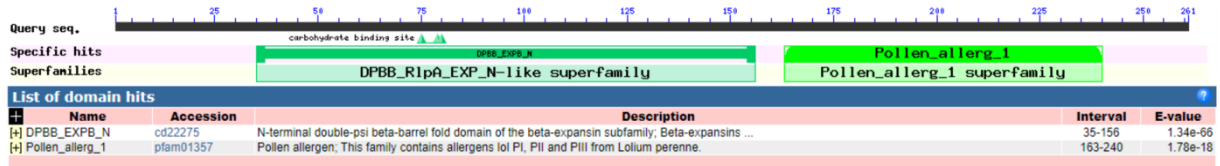
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MgEXPB-05

MFNYLITLAILFVVSTKYCFCMDSQSLNNSFVSGFSPA V ATWYGSPNGAGSGGACGF  
ANDVANPPYNG LISAGNQNIFKHGQGCGNCYQVKCTENPACSGFPIVVTVTDECPGT  
CNNEAFHF DLSGKA FGYLAKLGQADKLRNAGRINI QYQ RVPCKYNTGITFKIDTGSN  
ANYLAFSIEFVGGDGDIGSV ELLPSKPKGSLYMQKSWGCTWKVGIPVGTNGPYSVKL  
TTIESRSTIIATNAIPGNWSPGKYYHSAANFS\*

### CDS (coding sequence)

>MgEXPB-05

ATGTTTAATTATTTAATTACATTAGCTATTTTATTTGTCGTAAGTACAAAATATTG  
TTTTTGTATGGATTCACAATCATTGAACAATTCTTTTGTAGTGGTTTTTCACCCGC  
AGTAGCAACATGGTACGGAAGTCCCAATGGAGCTGGAAGTGGTGGAGCTTGTGG  
ATTTGCAAATGATGTGGCAAATCCTCCATACAATGGTCTTATTTCTGCTGGAAACC  
AAAATATATTCAAACATGGACAGGGTTGTGGGAATTGTTATCAGGTA AAAATGCAC  
CGAAAATCCAGCATGCTCGGGTTTCCCAATCGTTGTA ACTGTCACAGATGAATGT  
CCTGGTACATGCAACAATGAAGCATTTCATTTTGACTTGAGTGGAAAAGCTTTTCG  
GATATTTGGCGAAGCTCGGCCAAGCTGATAAATTACGGAATGCTGGAAGAATTA  
ATATCCAATATCAAAGGGTACCATGTA AATACAACACGGGTATAACATTCAAGAT  
CGATACAGGCTCCAACGCTAACTATCTTGCGTTTTTCGATTGAGTTTGTGGGTGGA  
GATGGTGATATCGGTTTCGGTTGAACTATTGCCTTCAAAGCCAAAAGGTTCAATTGT  
ACATGCAAAAATCTTGGGGCTGCACTTGGAAGTTGGAATACCCGTTGGAACAA  
ACGGCCCTTATTCTGTAAAGCTAACTACTATTGAATCGAGAAGTACAATTATCGC  
AACAAATGCGATTCCCGGGAATTGGTCCCCCGGCAAATACTATCACTCGGCAGCC  
AATTTCTCTTAA

### Nucleotide

>MgEXPB-05

TAACTCATTTTTCAATATAAATTATGTTTAATTATTTAATTACATTAGCTATTTTAT  
TTGTCGTAAGTACAAAATATTGTTTTTGTATGGATTCACAATCATTGAACAATTCT  
TTTGTAGTGGTTTTTCACCCGCAGTAGCAACATGGTACGGAAGTCCCAATGGAG  
CTGGAAGTGGTAATAATAATATTAATATTTATCTTTTTTTCATGTGCAAATATTGT  
TATATATTTATAATTA AATATAAAAAGATATATTTATTTATTTTATTGTAATTTGCA  
GGTGGAGCTTGTGGATTTGCAAATGATGTGGCAAATCCTCCATACAATGGTCTTA

TTTCTGCTGGAAACCAAATATATTCAAACATGGACAGGGTTGTGGGAATTGTTA  
TCAGGTTTTAATTAATATTATTTTCATTTTCAAGATATAAAGATGAAATATCTTTCA  
TAATTAATATATAATTCTAATTTATTTAAATATATTTTCAGGTAAAATGCACCGAAA  
ATCCAGCATGCTCGGGTTTCCCAATCGTTGTAAGTGTACACAGATGAATGTCCTGGT  
ACATGCAACAATGAAGCATTTCATTTTGACTTGAGTGGAAAAGCTTTTCGGATATT  
TGGCGAAGCTCGGCCAAGCTGATAAATTACGGAATGCTGGAAGAATTAATATCC  
AATATCAAAGGTAATCTTGATCGATCAACCCATTAGGGAAATTCGTAATTCGGT  
ATGGTTAGAAATATAGTCCTCCCGGTTTGTTCGGGTACAAATTTACACGCAACAA  
CTTTTTAAATATAGCATTTCACCATAGAGTACTCTATTAAGAGTCTTAGACCATA  
CTAGAGAATGAATTTATAATTCCTTAAACTTTTTATATAACTAAATAACCAACGAA  
AAAACCTGAATTTTTTTTTGCAAAATATGTCGAAAAATGTTAATTTAATTTAGTTCA  
AACTTATGTAATGCAAGTAAATTAATGGGACAAATTAAGCCCAATGGAGGAA  
ACTTACATGACTACTAATATTATAATTTGCAATTTTCTTAAATATGTTGGTACTCC  
ACTTTTTACAGGTCAGTGGAAATCTTTATGCTCAAATCCTGATTCAAGTAGTCATT  
TATTTGGGACCTCCCAAGGAGCAGGAAGTCCATCCTAACCTTCTTGGGGGATT  
CCATCCACAAACACAAAGTTTATGGCTGACTGATATGGCTCATCACCATTTAGCT  
ATTGCATTTATTTATTAGGCGAGTTTTAATGTGTTCAAATTTTGCAGGGTACCATG  
TAAATACAACACGGGTATAACATTCAAGATCGATACAGGCTCCAACGCTAACTAT  
CTTGCGTTTTTCGATTGAGTTTGTGGGTGGAGATGGTGATATCGGTTTCGGTTGAACT  
ATTGCCTTCAAAGCCAAAAGGTTTCATTGTACATGCAAAAATCTTGGGGCTGCACT  
TGGAAGTTGGAATACCCGTTGGAACAAACGGCCCTTATTCTGTAAAGCTAACTA  
CTATTGAATCGAGAAGTACAATTATCGCAACAAATGCGATTCCCGGGAATTGGTC  
CCCCGGCAAATACTATCACTCGGCAGCCAATTTCTCTTAATCATGGATATATGATC  
AATTATTCGATCAAACATCAAGCTAGCTTTTAGATATATGTATCAATTCAAGTTGA  
TAGATCATATATTTTCTGTCACTTGATTAGGTCATTAATCATGTTTTGACATGGAA  
TTGTAGGTGTTTAAAGTGTGGTTATTCTTATTTATTTTTGTCCTCAAAGAAAA  
ATGTTGGTTTAAATTTGAACACTTTAAAATGATTTACAATGGTTGTAAAAAATAA  
ACTCTTGGGTCGTTTTTTGCAACACAATGAATGATCATGATATTGTAAACATCGA  
AATTTTGAGATAAATCAACAATTAATAACTTAATAAATTGATTATTAAACTGGGT  
TTCACTCAAAGT