

IDENTIFICATION

Species: *Cucumis sativus*

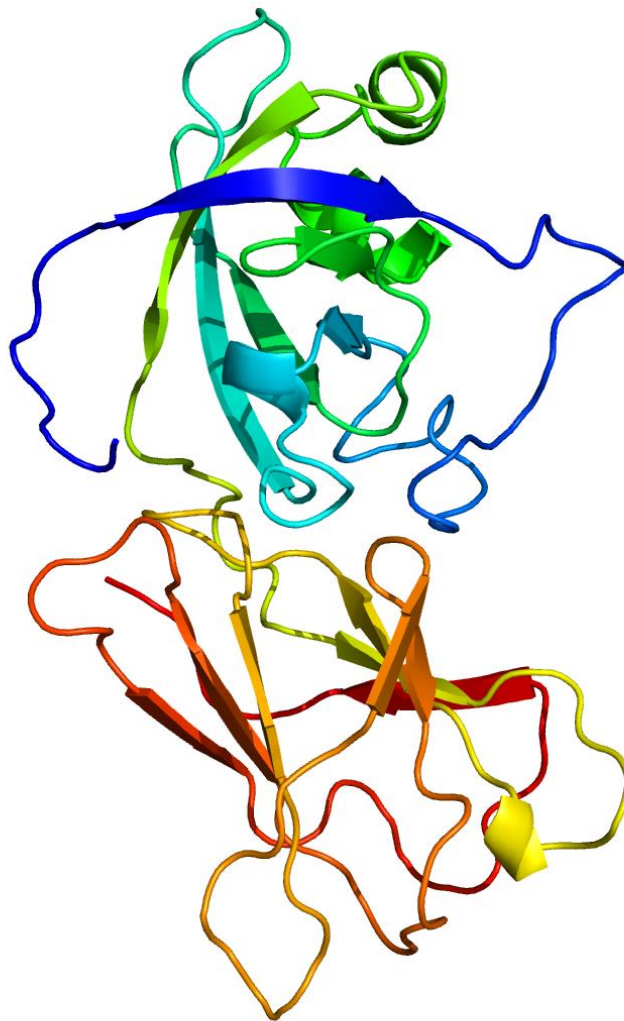
Locus: CsGy7G001350

Gene Model: CsGy7G001350.1

Description: CsEXLA-08

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

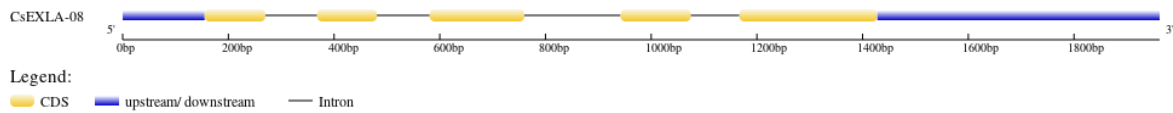
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

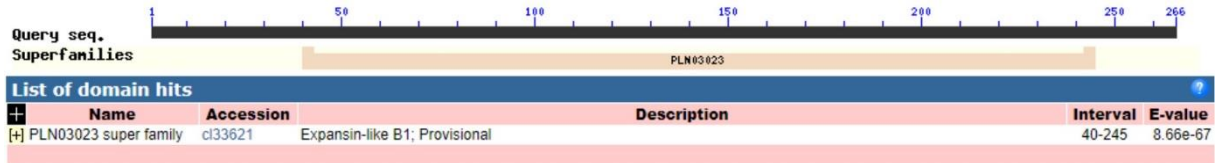
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CsEXLA-08

MPFFLLLLFSLFSSATACDRCIHQAKAAFYQDEAAGLYRGACGYGDLTLQLSNGYF
SAIMPLYKYGAGCGACFQVRCKNEKICSKEGTKIIVTDRNDNTYTGLVLSQKAFGE
MAMSGKDGLLLSYGVVDVEFKRIPCEYDNKNLMVRVEEWSQYPNYLAIKLLNQQG
QTEIVAIDIAQVGYSNWDYMGRNYGAVWETKKPAPKGPLQLRFVVTSGYDGKYIW
AKYVLPADWRPGLVYDTGVQIYDIAKEGCPTEQC GDGQWKRR

CDS (coding sequence)

>CsEXLA-08

ATGCCTTTCTTCCTCCTCCTTCTCTTCTCCTCTCCCTTTTCTCCTCAGCCACTGCTTGTG
ATCGTTGTATTCATCAAGCCAAAGCTGCCTTCTACCAAGACGAAGCCGCCGGTCT
ATATAGAGGCGCTTGTGGCTATGGCGATCTTACATTACAGCTCTCAAATGGCTAC
TTCTCCGCCATTATGCCTCCTCTTTACAAGTATGGCGCTGGCTGTGGCGCCTGTTT
TCAAGTAAGGTGCAAGAACGAGAAGATTTGTAGTAAAGAAGGGACGAAAATCAT
TGTAACAGATCGAAACGATAATACTTATACAGGATTGGTTCTTAGTCAGAAAGCT
TTTGGTGAAATGGCTATGAGTGGAAAAGATGGATTGCTTTTGAGTTATGGAGTTG
TGGATGTTGAATTCAAGAGGATTCCTTGTGAATACGATAACAAAACTTGATGGT
TAGAGTAGAAGAATGGAGTCAATATCCCAATTACTTAGCTATTAATTGCTTAAC
CAAGGTGGCCAAACCGAAATAGTAGCCATCGATATAGCTCAGGTTGGTTACTCGA
ATTGGGATTACATGGGTAGGA ACTACGGCGCTGTGTGGGAGACTAAAAACCAG
CCCCAAAAGGACCATTGCAACTACGGTTCGTGGTTACTTCTGGATATGATGGTAA
ATACATTTGGGCTAAATACGTACTCCCTGCTGACTGGAGACCTGGACTAGTTTAC
GATACTGGAGTTCAAATCTACGACATTGCTAAAGAAGGTTGTCCAACAGAACAAT
GTGGCGATGGGCAATGGAAAAGACGATAA

Nucleotide

>CsEXLA-08

AGAAAATGTCTTAATATCTTCCCTTTCCCTTTTCCCTTTCAACAAAATGCCAC
CTGTTTTCCACCATGGCCCATCAGAACACCTCTATATAAACCTCTCTGTCTCTTA
CTTCCCTCTCACTCCAAATCCTCAAGAAGGAGAAAAAACAAAATGCCTTTCTTC

CTCCTCCTTCTCTTCCTCTCCCTTTTCTCCTCAGCCACTGCTTGTGATCGTTGTATT
CATCAAGCCAAAGCTGCCTTCTACCAAGACGAAGCCGCCGGTCTATGTACGATTC
CAATCCCTACACTTGAAAAGGCTGATCCAAACCCAACCCACATAAAAATTTTAC
AATTAATGAATTGGGTATGTTTCATTTCTTGCAGATAGAGGCGCTTGTGGCTATGG
CGATCTTACATTACAGCTCTCAAATGGCTACTTCTCCGCCATTATGCCTCCTCTTT
ACAAGTATGGCGCTGGCTGTGGCGCCTGTTTTCAAGTAATTAACATTCTTAAAA
CAAAACAATCCTCTGTTTTTTTTTTTTCTTTTCATTTTCCCTGTTTTCTGTGATTGG
GTTAATGCCCTGTTTTTGCAGGTAAGGTGCAAGAACGAGAAGATTTGTAGTAAA
GAAGGGACGAAAATCATTGTAACAGATCGAAACGATAATACTTATACAGGATTG
GTTCTTAGTCAGAAAGCTTTTGGTGAAATGGCTATGAGTGGAAAAGATGGATTGC
TTTTGAGTTATGGAGTTGTGGATGTTGAATTCAAGAGGTTTGTAGTTTTTTCAA
TGATGGGGTTTTGTTTTGTTAGACCTACCATATTTTGATTGATATAATTAATCAC
CCACTTTGATGTTGACAAATTTCTTACTTTTTTTTTTCAAAAAGAAAAGTGAGAT
CTTATCCAAATTTTATGATTTGGGTGTTGATTTTCCATCCTATTCTTGCAGGATTCC
TTGTGAATACGATAACAAAACTTGATGGTTAGAGTAGAAGAATGGAGTCAATA
TCCAATTACTTAGCTATTAATTGCTTAACCAAGGTGGCCAAACCGAAATAGTA
GCCATCGATATAGCTCAGGTTTGATTCATTAATAACAATAATACTTAATTGCATCTA
AGTAGTTTTCTTTTGTAGAACTATTTGAATTGGTACTCGAATTGTATGAACAGGT
TGGTACTCGAATTGGGATTACATGGGTAGGAACTACGGCGCTGTGTGGGAGACT
AAAAAACCAGCCCCAAAAGGACCATTGCAACTACGGTTCGTGGTACTTCTGGAT
ATGATGGTAAATACATTTGGGCTAAATACGTACTCCCTGCTGACTGGAGACCTGG
ACTAGTTTACGATACTGGAGTTCAAATCTACGACATTGCTAAAGAAGGTTGTCCA
ACAGAACAATGTGGCGATGGGCAATGGAAAAGACGATAAGATATATCATCGACT
CAACTCGGCCATCAAATTATACATGTTATATGTATAAAGTTATATGCTGCTATTTG
TCATATAAACAGTGTAAGAAAAAAGGGAAAATAGAATAAGGAGATGGATGGATG
GATGGCATGGAGTTGTATGGGTGATGATTGTATCATAATCATTAAAGTAAATAAT
AAAAAAAGTATATGAATTAATAATGATATGATATTTAGTTTAGAGTTGTCATGGG
TGGCTACGGGGCTTCAATTGGATGGTCTTTTTCTGTTTTAAAGTCTAGTCCTGTTTT
CACACCAACTGGATCTGATGAACATTGACAGTGAAGTAAAGTAATAAATGTGGA
ATAAAGTAACTGAACGCACCGTTTTTGGTATTGACTATTGATTGTTTGTGTTTCTT
TTCCAACGGCTATGTATGAATTATAGATGCTTGCCCAATAATGTGTGCAAAAAAT
TAGTTGCCTAAGTATTCCTCTTTAATTTTCAGTAATATTAATTAATGTAAATTAC
TATAGTGAACATTAGTACAAG