

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

Locus: AUR62019931

Gene Model: AUR62019931

Description: CqEXLB-01

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

TTCTTCTTCTTCTTCGACCTCTACTGTAGTTATGCTTATGTATATATGTGTTACGTA
GTGACTAACTATTTCAATGCATGTATGCTAAATTAAGGGCAATTATATGGGTAG
CTTTATTTGATGGTTACATTTAATAAGCATTATATGCATATTCTGAAACGATGTAT
ATTTGCAATTCCTCATAAAAACACGGAAGAACCGACGTAATTAATTTTTATTTTG
TACTTCGTATATTAGCTTCTTAATTTTTTTATTTAAGGCATGTTCACTTCAGCTTAAT
TTCAGTTCAATTCAGCTCTGAAATGTATAGTTCAGCTCCAATCAGTTCAGTTCATC
TCCTAATTTCTTCTCTTACAAAATATTCATTTTCAGCTCTATTCAGTTCACTTCAAC
TCTAATCAGTTTAGTTCACTTCAGATCCAATCAGTTCAGTTCAGTAAATATGAACA
GACCCTTAGTAAGTAGCCCTTACTGCTATACTATAAGTTTATTAATTCTTACGATA
TCCTATAGGCTAATCTAAAATCTTAATTATCACTCTTTGAAGTCCATATCAATTAC
TTAATAATCTTCAAATAATGCTTTTTGTAGGATTAATTAATAATTAATTTTTCTT
TTCTTTAGTAAATAAAGCATAAACTTTATGCTTATGTTTAACTGTTTCATTTGATAA
TTGTATACTTAATTATGACATGACTGGTATTGACTACGTGAGTGGCTGAAAACA
TAATTGATATTATGGACTTAATTGCATCTATCAGATGGAGCATGTGGATATGGAG
ATTATGGGAGAACTGCTAATAATGGTGATGTAGCTGGTGTGTACAGACCTTACCA
AAACGGCATTGGATGCGGTGCTTGCTACCAGGTAATCCTTCCAATTTATAATATAT
TAATAATGTTTCGTCATTTGACTTTTTTTTTTAGCGAATTTAATTTATATATTTGA
TCATTAATGATAGAGTATAAAACATAATCTTGTGCTCAACCATCCGCTTAGATAG
TTAAGAGTCTTGAGATCTAGGAGTATGTTTTGCATGCAAGAATATGTTTTATACTC
TATCAATAAATTAATATTTTTTAATAATTACTAGGTAAAGTGCAAGACAGGAGAA
TGCACACAAGATGGGGTGGTGGTGGTGGCAACAGATTTTGGGATGGGCGATAGG
ACAGATTTCTATTTCCGGCCAAGACCTACGCTAAGATGGCCCAACCCGGGTTAG
AAGCCGAGCTGCTCTCATAACGGCGTCGTTAACATCGATTACCACCGAGTCCCTTG
CACCTTCGGTGGTTCAAACCTTCATTGTTAACATACATGAAGCCTCCAGATACCCTA
ACTACTTTGCCATTATTATCACCTATAATCCTTCTCTCTATGACATTGTTAGAATTG
AAGTTTGGCAGGTTTGTATTTCCTTCCTTTTATCTATCACCTATAATGTAGTCTCT
ATGACGCATACACACCACATGTGTGGAATAACATATCATGATAAAGTTATGAGAA
AGAGAATATTAAGCTTTGAGAGTAAAAGAGAAAGCTTAATTATATTGATGCA
ATTCTTTAAGTATATATAGTACATTATTATTAATAATCAATAAAAATACGACTAAAT
ACATTTAACCAAGTATATTGTTAACTAAGAGTTAGCTTAGGAATATACTTTGATTA
TAAGCTTAAGGGAATAAATCAGGGGATTACACATATTATAAACCGTACTCCCTTT
ATTTTTTTTATTACTTGTTCATTTCTCTATGTGCGACTTGGTAGGTACACTTA
CCACACAATACACTCATACAAAGTTACAAATAATTTGTTTATTGGGCTAAATTGG
GCTTCATATTATTTGAAATGCAGGAGGAAACCCAAGAATGGAAACCCATGAGAA
AGCCATTTGGAGCAGTTTGGGACCTGGAAAATCCACCAACAGTAAATGGAGGTT
ATAGAGTAAGATACTTGCCTTCGAGCTAGCAACACTAATGCTGCCACGTGGGTGGA
ATCACCTACTCTTATTCCTGCTAATAATTCGCAGAAAGGAGCTGATTTTCAGCTTG
CCATTAACCTATAATTGTAATTAAGCCTTTTTTATTGGTTCATCACCCTCTCATT
TCTCTTACTTATCTCATAAATTAGTCATTAATAAGATTAACTCTCATTCTCTTT
ACTTATCTCATAAATTAGTGATTAAATAAGATTATGGACCGTACTTG