

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis duranensis*

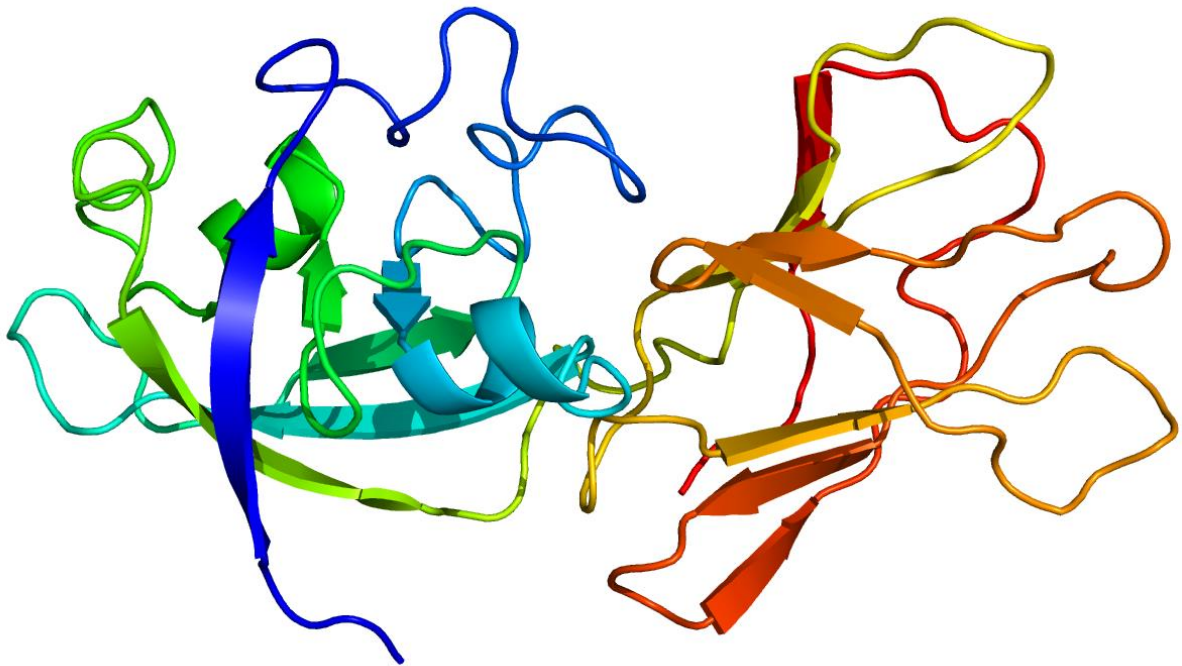
**Locus:** XP\_015960973

**Gene Model** XP\_015960973.1

**Description:** AdEXLB-05

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

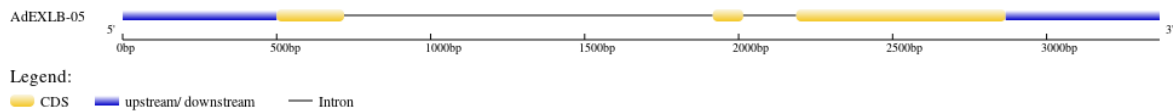
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

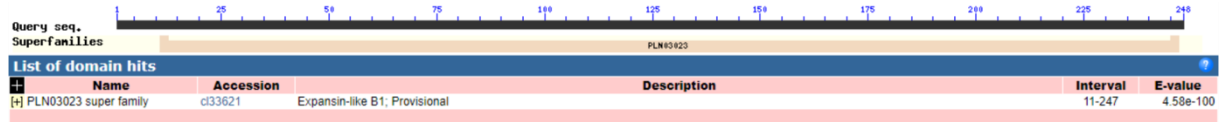
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AdEXLB-05

MELNLKRQIGIFCVLLILPALCSAAFTKSRATFYSTSDGLGTPTRCGYGDYGRTVHGG  
GSVAGVSNLWRDGVGCLCYQVRCTNPSLCNSNGAYLVVTDYAGDRDFIMSPA  
AFSSLGVNSTANDELRLKLTVDIEYQRISCSYPGQNIVIKIKESSTNPGYLSIVLFNVGG  
TCDVIAVQLSQSGSNTWVSLQRVDGAVFQISNPPSGTLRFRFQVNCGSGLEWRLPKN  
DIPANWRAGATYDTGIQF

### CDS (coding sequence)

>AdEXLB-05

CTTTATGGTTGCCACCCATCGTCACAAACAAAGCCTTCACTCATAATTGCATTTAA  
CTTGTTTCATTTCTGAGCTATCTTAGCTTGAGACATGGAGCTTAATTTGAAGCGCCA  
GATCGGAATTTTTTGTGTTCTATTGATCTTACCAGCACTATGCAGTGCTGCGTTTA  
CAAAATCCAGAGCAACATTTTATAGTACCTCTGATGGTTTAGGGACTCCAAGTGG  
ACGCTGTGGGTACGGCGACTATGGAAGGACGGTCCACGGAGGAAGTGTGCGCCGG  
TGTGTCAAACCTCTGGAGGGATGGAGTTGGCTGTGGTCTTTGTTATCAGGTGAGG  
TGCACAAACCCATCGCTGTGCAACAGTAATGGAGCATACTTGGTGGTAACAGACT  
ACGGTGCAGGAGATAGAACAGATTTTATAATGAGCCCAGCGGCCTTCTCAAGTTT  
GGGAGTCAACTCAACAGCAAATGATGAACTCAGGAAACTAGGCACCGTTGATAT  
TGAATACCAGAGGATTTTCATGCAGTTACCCTGGCCAAAACATTGTCATCAAAATC  
AAAGAGAGTAGCACCAACCCTGGTACTTGTCTATTGTACTTTTCAATGTTGGTGG  
AACATGCGATGTCATTGCTGTTTCAGTTGTTCGAGTCGGGCAGCAACACATGGGTT  
TCTTTGCAGAGGGTGGACGGTGCAGTTTTTTCAGATTTCAAACCCGCCAAGTGGGA  
CCCTCAGATTCAGATTTCAAGTTAATTGCGGTTCTGGACTTGAATGGAGGCTCCC  
CAAGAATGACATCCCTGCTAACTGGAGGGCTGGTGCCACTTATGACACTGGCATT  
CAGTTTTAAATTTGTAAGAATAATAATGCATGATTTGTGTTTGTGTGCTGCTGCCT  
CATGTGATTTGTTTTGTTGTTTTTTTTTTTTTTTGTGATGTGAGACTGGAAAATAATG  
GGGCTACTTGTCCGTCAAATATATGTATATGAAGAAATAAATGTGGTGCAATTTTC  
TCCTTCTTAA

### Nucleotide

>AdEXLB-05

CGAATGGGTCAAATTTGCTACAAGCTAAGATAATTATGCCATCGTCCACAATAT  
CCACATACCACATACGCTACGTCATTCTTCTAACTTCTAATCTTTCCCGATTCCCTC  
ATTAGCCGCCAACAAAGGGTCAAGAAAATAATTTCAAACATAAACTATTAAAA  
TAATACTCAAAAATTTTATGTTGCTACAAAATAATTTTTAAAAATATGAGCCAT  
AAATAAATTTTAAAATTACTTAAAAATATATTAATAAATAACAATAAATATTATAT  
ATTTTTTATAAGAGAATATAATATATTTAATATTAATTTATTTTTTTTTGTATTTTT  
AAATTTTTTATAAATTTATTTATTGTTTCGTATCTTTTCGTGTTATTTCTTTTTAAAG  
ATATAAATTTTTAAGTACTATTTTAGTAATTTACCCAATTAAGATATAGACTAA  
TTCAAATCGATGTTATATCTAACCCCAAGCTAAGGGGTACTATAAATATGGGT  
CTTTATGGTTGCCACCCATCGTCACAAACAAGCCTTCACTCATAATTGCATTTAA  
CTTGTTCAATTTCTGAGCTATCTTAGCTTGAGACATGGAGCTTAATTTGAAGCGCCA  
GATCGGAATTTTTGTGTTCTATTGATCTTACCAGCACTATGCAGTGTGCGTTTA  
CAAATCCAGAGCAACATTTTATAGTACCTCTGATGGTTTAGGGACTCCAAGTAC  
GTTAGTTCATCTCCACTCTTCCAACCAGCTAACTATTATATGCAGCTAAATGCAT  
GCACAAATAATTATCCCTTTTTCTTCTCTTCTTTTTTTTTGTCTTAGTTACTAGGC  
TAAAGTTACAAAGAGTATTTTATTTAACACGAATATATATTGTCATCTTTTTACTC  
TTTCATTTCTCTCTCACTCTTAACTTTTTTTTTTCAATATTTTTTTTTATAAAAA  
GGTAAAAGGAGACAAAAGAATAGATAAAAGACTATCTATACTGGATTTAGGAGG  
TTCTTTATTCGTTGTTTTATTTGTAGGTGTGTTTTCTCAAATTAGGTTGTGTTAT  
GTATACATGCAAAAATAAAAATTAGGGTATATACTCAAGAACTGGAATATATATA  
TAGTCCTTAATATATACATGCATCTTAATACTCTTTTTGTTTACATTATTATCTTAT  
AATTTTTTCTATAAAAATAAAAATACCCAAACATCAATTTTATTCATGTATGTATA  
AATTTATCCATATTTTAACTTTTATGATAATTTATTCATTTTTTATAAATATAAAA  
TTAATTTTTTGTAAGAGGAAAACAGTAATTTACTGTTTCAGTTAGGGACGAATAT  
AAGGGGGCGAGTGGAGGTCTCGACCCCACTTTTTAAAAAAAATAATAATAA  
TAAGTTATTAAGTATGATTTAATTTTTTAAAAAAATTATTTAGTATTTAGTCTACT  
ATAAATAAAAGTGAAGTCCAACCTTAAATATTAATAATTTTTAATAAAAAACAGT  
ATGTGATCGTTCTTCTTGATTCATTTGGTATTAATTTTCTCTAATTTCAACTGCTGC  
AACTAAGAGATTTTTTTTTTCAAATATAAATATTGTGAAGAATAACTCAGAAACAA  
AATGAAAGATGATAACTTTCTTGCTAATTATCTTTTAATTATATTGAAAAAATTG  
TTGAAAATTTTGACAAATTCTATTATCGATAAATTTTATGATACAAATGGACCACT  
TCATTAGTAAAACGTACACATATTTTTTGTACTTTAAAATATATTTTACACTATAT  
AATTTTTTGTATAATTTTAATATTACGTATATTATTAGTCCCATGTCCGTCTCT  
AGTTTCAGTACTTAATAATAAATAAATAAATAAATAAATATGATGATGATGGAATA  
TATGTA AAAATATTATAGCTGGACGCTGTGGGTACGGCGACTATGGAAGGACGGT  
CCACGGAGGAAGTGTGCGCCGGTGTGTCAAACCTCTGGAGGGATGGAGTTGGCTGT  
GGTCTTTGTTATCAGGCAATATTCTTATTCCTCTTCTTTTTATTAATAATAATAA  
ATTCTTAGTAAAATACAGTAAGATATATAGCTTCTTAAATTTAAAACCTAACAATT  
GATTATGTTAGTCTGAACATGCATGGATGATTCACTTGTTTCATCCTACTTTCAATT  
TTATATTTCAAGGTGAGGTGCACAAACCCATCGCTGTGCAACAGTAATGGAGCATA  
CTTGGTGGTAACAGACTACGGTGCAGGAGATAGAACAGATTTTATAATGAGCCC  
AGCGGCCTTCTCAAGTTTGGGAGTCAACTCAACAGCAAATGATGAACTCAGGAA  
ACTAGGCACCGTTGATATTGAATACCAGAGGATTTTATGCAGTTACCCTGGCCAA  
AACATTGTCATCAAATCAAAGAGAGTAGCACCACCTGGTTACTTGTCTATTG  
TACTTTTCAATGTTGGTGGAACATGCGATGTCATTGCTGTTTCAGTTGTGCGAGTCG  
GGCAGCAACACATGGGTTTCTTTGCAGAGGGTGGACGGTGCAGTTTTTTCAGATTT  
CAAACCCGCCAAGTGGGACCCTCAGATTCAGATTCCAAGTTAATTGCGGTTCTGG

ACTTGAATGGAGGCTCCCCAAGAATGACATCCCTGCTAACTGGAGGGCTGGTGCC  
ACTTATGACACTGGCATTTCAGTTTTAAATTTGTAAGAATAATAATGCATGATTTGT  
GTTTGTGTGCTGCTGCCTCATGTGATTTGTTTTGTTGTTTTTTTTTTTTTTTGTGATGT  
GAGACTGGAAAATAATGGGGCTACTTGTCCGTCAAATATATGTATATGAAGAAAT  
AAATGTGGTGCAATTTCTCCTTTCTTAATTCATGGTCATATGACTATAATTCATTC  
GTTATTGCTGTAACTTTTATCCTTAGCGTTACTCGCTCATATCTGAACATTCACA  
CATTTGACTTTGCATACAAGACCTCATCATTTGTGTAAGTGTCTGTTGAATCTCTG  
TTCTTGGTGGTAGAGAAAGCGGGTAAGAGAAGAGATATTATAAGAGCAGAGTCT  
GAGAAGTTTCTAATATAAATTCTGATTTAAGAATGATGAATATTATCTTGCTACA  
GATACATGTCATTAATTATATATTGGCTGCTGCTGTGCGAAAATGAAACTCGTAC  
AACTGAACCGGCAAGTGCATTTGGTCGTCCAAGTAATACCTCACGTGAGTGAGGG  
TCGATTTACGAGGATTGTCGGATCGAGCAATCTGTGGTTATCCTGCAGATCTTA  
GTCAGATGAATAGAAAGATAGTTGTTATTTGTTGTAGGCGCATAAACAGAGCAAT  
AACGAAAAGACGTAAAAACAATGATAGGAAA