

## IDENTIFICATION

**Species:** *Phaseolus vulgaris*

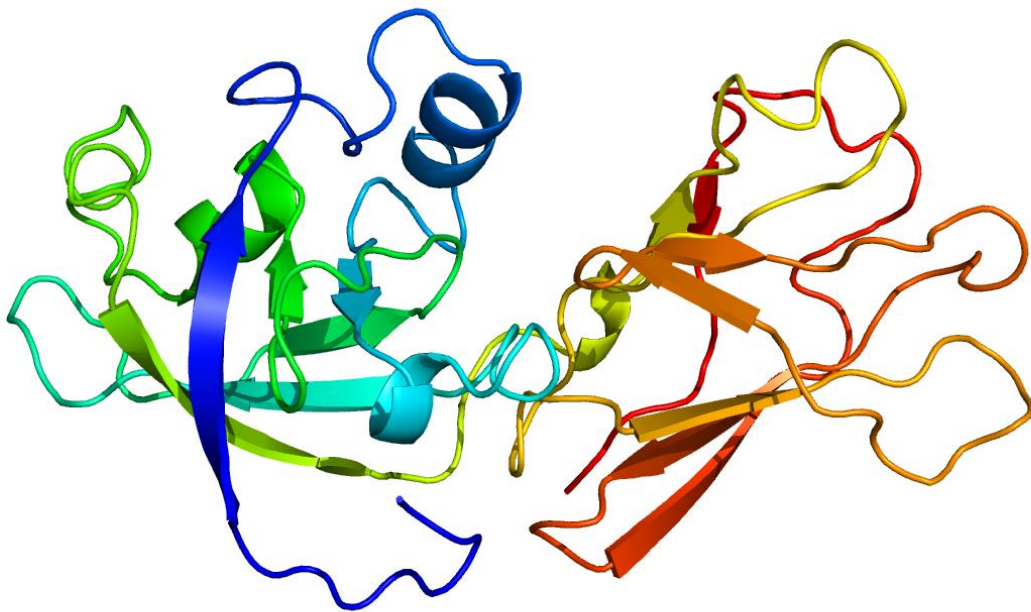
**Locus:** Phvul.003G224800

**Gene Model:** Phvul.003G224800.1.p

**Description:** PvEXLB-04

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

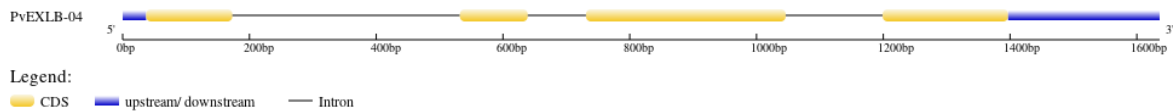
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris\\_v2\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris_v2_1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03093>

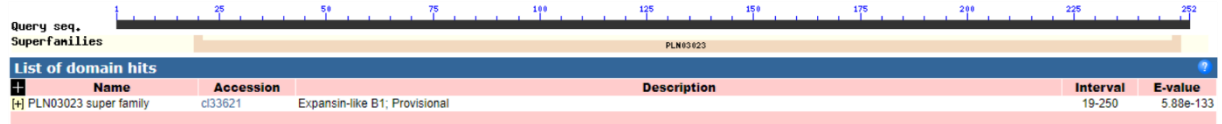
## EXTERNAL RESOURCES

<https://www.pulsedb.org/organism/636>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>PvEXLB-04

MELSFKHQLPLLSLILFLPALCTSQDTFTCSRATYYGSPDCYGNPKGACGFGEYGRTV  
NDGSVAGVSRLLWRNGSGCGACYQARCKIPQYCDENGAFFVVTDYGEGRDRTDFIMSP  
RAFSRLGRNADASAELFKYGVVDIEYRRVPCSYSGYNVVFKVHEHSRNPDYFAVVV  
LYVGGTYDVTAVELFQQEQEWKALRRASGAMFDYSNPPSGKIYLRVQVSDSAGIY  
WVQSRNAVSSDWTAGATYDTMVQLN\*

### CDS (coding sequence)

>PvEXLB-04

ATGGAACTTAGTTTTAAGCACCAACTTCCCCTTCTTTCTCTCATACTATTTCTACCT  
GCACTCTGTACGTCACAGGACACTTTTACCTGCTCCAGAGCAACATATTATGGTA  
GCCCTGATTGCTATGGGAATCCAAAGGGAGCTTGTGGCTTTGGCGAATATGGAAG  
AACGGTGAATGATGGAAGTGTGGCAGGAGTGTCTAGGCTGTGGAGGAATGGAAG  
CGGCTGTGGAGCATGCTATCAGGCAAGGTGCAAGATACCCCAATATTGCGATGA  
AAATGGAGCATTTCGTGGTGGTAACAGATTATGGCGAGGGAGACAGAACAGACTT  
CATCATGAGCCCACGCGCCTTCTCGAGATTGGGACGCAACGCAGATGCATCTGCA  
GAGTTGTTCAAATATGGTGTAGTGGATATTGAATACAGAAGGGTCCCGTGTAGTT  
ATTCTGGCTACAATGTCGTGTTTAAGGTCCATGAACACAGCAGAAACCCTGACTA  
CTTTGCTGTCGTGGTTCTCTATGTTGGTGGAAACATACGATGTCCTGCTGTTGAGT  
TGTTTCAGCAAGAGTGCCAGGAATGGAAGGCATTGCGCAGGGCCTCTGGGGCAA  
TGTTTGACTATAGCAACCCACCAAGTGGTAAAATCTACTTGAGGTTCCAAGTTAG  
TGACAGTGCAGGAATTTATTGGGTTTCAGTCCAGGAATGCTGTCTCTAGTGATTGG  
ACGGCCGGAGCAACATATGACACCATGGTGCAGCTTAATTAG

### Nucleotide

>PvEXLB-04

TTTCTTTTCTCTTATCCTCTTCATTTCTCATTTCGATATGGAACTTAGTTTTAAGCA  
CCAACCTCCCCTTCTTTCTCTCATACTATTTCTACCTGCACTCTGTACGTCACAGGA  
CACTTTTACCTGCTCCAGAGCAACATATTATGGTAGCCCTGATTGCTATGGGAATC  
CAAGTATGACCTTCTTCCAGTTACCTACCTACTACATAACCACATTTCTTTGCATC  
TTTCAATTATCATCTTCAAACCTTTTCAAACCAATTTCAATGCTCCCTTGCCTTGG  
GATGCTCTTTAGAAGTAAAATATTGTGCACTGTGGTAGTGTACATTACACTATA

GCTCTCGTTATTTCAACATTATATTTTTTCATCTAATATTTAATTAGTTTATATGCAT  
ACATATATATACAAATGTTTAATTTCTTGATTTCTCCAAACCAACACCACGACATT  
TAAAGATGAACACATGACTCTGTGTTTCAAGAACAACCTTCTATGGAAGTTGGAAGA  
AAATCATTAATTGATCATTGTTTACAGAGGGAGCTTGTGGCTTTGGCGAATATGG  
AAGAACGGTGAATGATGGAAGTGTGGCAGGAGTGTCTAGGCTGTGGAGGAATGG  
AAGCGGCTGTGGAGCATGCTATCAGGTAATTTTCTTTCCCTTTTCAACAATCTTAA  
TAGTCTTTTAGTAATAAAAAAAGCTTCTTTATTTGTGCTAATGTAAACAATGATGA  
TTCAGGCAAGGTGCAAGATACCCCAATATTGCGATGAAAATGGAGCATTTCGTGGT  
GGTAACAGATTATGGCGAGGGAGACAGAACAGACTTCATCATGAGCCCACGCGC  
CTTCTCGAGATTGGGACGCAACGCAGATGCATCTGCAGAGTTGTTCAAATATGGT  
GTAGTGGATATTGAATACAGAAGGGTCCCGTGTAGTTATTCTGGCTACAATGTCG  
TGTTTAAGGTCCATGAACACAGCAGAAACCCTGACTACTTTGCTGTCTGGTTCTC  
TATGTTGGTGGAACATACGATGTCACTGCTGTTGAGTTGTTTCAGGTATATGCCTA  
TATTTTGATCAGTTCCACTTACATGCACACACTTAATTCTAAGTACAACAATTTCT  
AAATATATAAATTATTATTTTCATTGTGTTCTTAATGAACATTGGTGTCAAAGATAT  
ATTTTAAATGAGATGATGTTAATTTTGCAGCAAGAGTGCCAGGAATGGAAGGCAT  
TGCGCAGGGCCTCTGGGGCAATGTTTACTATAGCAACCCACCAAGTGGTAAAAT  
CTACTTGAGGTTCCAAGTTAGTGACAGTGCAGGAATTTATTGGGTTTCAGTCCAGG  
AATGCTGTCTCTAGTGATTGGACGGCCGGAGCAACATATGACACCATGGTGCAGC  
TTAATTAGGAAGAAAAAATACTTGTTGATCCCAGGAACAGATTAATAATTAGATA  
GGCTCTAGTATTCAATTTGTTTCTGTTTAGTTTGTGAGTACTGTTGCATGTGT  
CTGTTCTCGGGACTAAAATAATGGGAATTCATGTACTTTCCCTCATATATCACAT  
GAATTTGGATAAATAAATGTAGCACCTTTCTCCTTTATTCGTATCTAGCTGCCGT  
TACTAAAAGAATTGTGTTGGTGT