

## IDENTIFICATION

**Species:** *Amaranthus hypochondriacus*

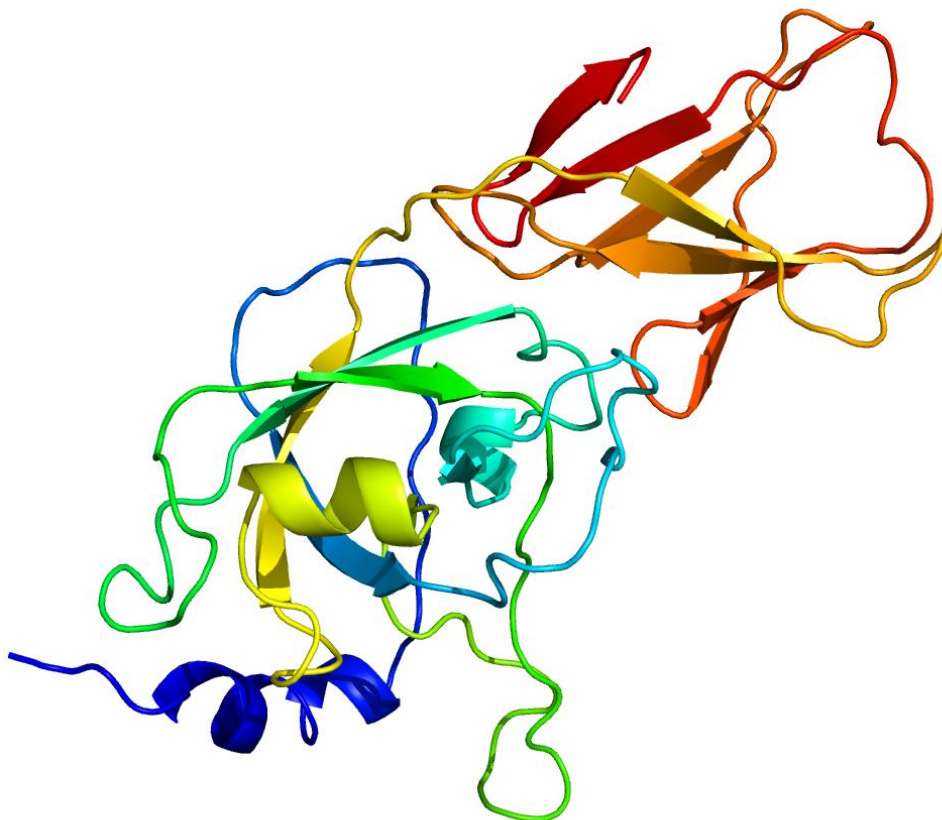
**Locus:** AH022964

**Gene Model:** AH022964-RA

**Description:** AhyEXPA-18

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



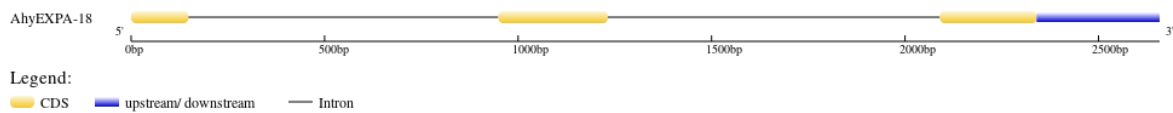
## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus\\_v2\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1)

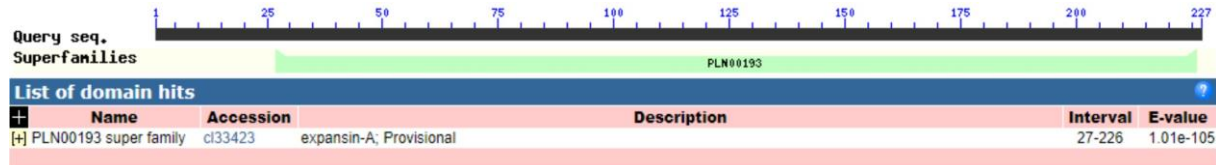
## EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AhyEXPA-18

MASIHLHLFLLVSSLLSVSQARIPGIYSGGGWQTAHATFYGGSDASGTMGYGVNTAAL  
STALFNNQSCGSCYELKCANDPRWCHPGSPSIFITATNFCPPNYALPSDNGGWCNPP  
RPHFDLAMPFMLKIAEYRAGIVPVAFRRVPCRKRGGIRYTINGFRYFNLVLITNVAGA  
GDIVSASVKGSRTGWMSMSRNWQNWQSNVAVLVGQSLSFRTASDRRTRHFL\*

### CDS (coding sequence)

>AhyEXPA-18

ATGGCTTCCATAATCCTCCATTTATTCTTGTTAGTTTCTTCTCTTCTTTCTGTTAGTC  
AGGCTAGAATCCCCGGAATATACTCGGGTGGCGGTTGGCAAACCGCCCATGCTAC  
CTTCTATGGTGGCTCGGACGCCTCCGGAACCATGGGCTATGGAGTAAATACAGCC  
GCACTTAGTACAGCTCTATTCAACAATGGCCAAAGTTGTGGGTCATGTTATGAGC  
TCAAATGTGCTAATGACCCAAGATGGTGCCACCCAGGAAGCCCATCCATATTCAT  
CACAGCCACTAACTTTTGCCACCAAATTATGCATTGCCCAGTGATAATGGCGGA  
TGGTGCAATCCGCCCCGCCCTCATTTCGATCTCGCCATGCCTATGTTTCTTAAGAT  
TGCTGAGTACCGGGCTGGCATTGTTCTGTGCTTTCCGCAGAGTGCCATGCAGA  
AAGCGTGGAGGAATCAGGTACACAATCAACGGTTTCCGTTACTTTAATTTGGTGT  
TGATCACC AACGTCGCGGGTGCAGGTGATATCGTGAGTGCTAGTGTTAAAGGATC  
AAGAACAGGTTGGATGAGTATGAGTCGTAATTGGGGCCAAAATTGGCAATCAA  
TGCTGTTTTGGTTGGACAATCTCTATCATTTTCGTGTCACTGCTAGTGATCGTAGAA  
CCCGCCACTTCCTTAA

### Nucleotide

>AhyEXPA-18

ATGGCTTCCATAATCCTCCATTTATTCTTGTTAGTTTCTTCTCTTCTTTCTGTTAGTC  
AGGCTAGAATCCCCGGAATATACTCGGGTGGCGGTTGGCAAACCGCCCATGCTAC  
CTTCTATGGTGGCTCGGACGCCTCCGGAACCATGGGTTAGTTCCTTTTTATATTAC  
ATTATTCTCCATTTTGCCTTACATTGGTAGAATATCTCATGTGCTCATTGTTTAT  
ACTAGAGAATTCATTGGCATTTCAGAGTAAAACATGGAACATAAAGGGACACCC  
GGTGCAACATAATTTGCTAGTTAATTTGCTTTTTGAATTCACAATTCGCTTAAATT

TGCCTAAGAATAGCCCAAACCGACCAAATTCCTTTTTTTGATTTCGCAGATCAT  
GAGGAAATTAGAGAATCGTGTGTTACTGTAGTCACCATTTTTCTTTTTAGTACAG  
AGTGGGATGAGAGAAAGGAAGGCTAGGAAAGACAGCAAAAACAAACCCAAAAT  
CTTGAAAAAAGTAGTACATTACTACATTCCTCACCCAAAAAACTCAATTCTC  
AAGGAACACTAAAATTGTTAATATATAAATAAGGTGATTATAAGCATGTGTAAGA  
TGTCGATCTATAGAGATATCTTAATATAAGGACTATTGATTTATTTATTATGTATT  
GGTTGGAAATATAGGCATGAAGCCAGATTTTTGATTA AAAACCCTCTAAAATATTA  
AATTGTATAATATATTACGCATAAGAATGACATCCAAATTGATACAAAACAAATG  
CAGAGACGAGTGTTTCAGCTAATCCATATTGATACAAAACACATGTAGATACGAGT  
GCTCAACCAATCCTATGCTAACATCATAGGCTCACCCCTATTCTTAGGCCTAAAAC  
ATTTTTGTTATGATTGTTTTGTAGGGGGAGCTTGTGGGTATGGAACTTGTATA  
GTCAAGGCTATGGAGTAAATACAGCCGCACTTAGTACAGCTCTATTCAACAATGG  
CCAAAGTTGTGGGTCATGTTATGAGCTCAAATGTGCTAATGACCCAAGATGGTGC  
CACCCAGGAAGCCCATCCATATTCATCACAGCCACTAACTTTTGCCACCAAATT  
ATGCATTGCCAGTGATAATGGCGGATGGTGCAATCCGCCCCGCCCTCATTTTGA  
TCTCGCCATGCCTATGTTTCTTAAGATTGCTGAGTACCGGGCTGGCATTGTTCTG  
TTGCTTCCGCAGGTAAAATCTATTTTCTCCCTGTTTTGCTCTGTTTTAACACT  
TTTTTTATAAGTATGTTTCTCTGTTTTGCCTAGTGTCTTTTTGTGTATTGAAATCAT  
TAACCAATTAACATTTAACTGTTGGGAAAGTTGCGTACTTTATATACAATGGCAC  
ACTGCCAAAGAATTAGCCGCTTTGTTTTTAGTTTGCCATTAAATTTGTCTTTTTT  
ATACTTCTCCGTTCCGAAATACTTGCTAAATTTTCGATTTTGTGCATTATTTATCGT  
TCAAGCTTATTTTACATATTGCGACTAATGTGTAAGTAAAAATATAGTCAAGTGG  
GATCTTGTTTGAATCGTCTAATCACATACTTTCATAATATAAATTTTTATAATTT  
TTGATAAGTGTAGTTTAAGATATTAATGATCAAAATTGTGCATTGGATTGCGTAA  
AAAAGTGAAATGTAGCAAGTATTATGGAACGGAGGAAGTATATTTTTCTTTAAT  
TCTCGTCTAAATAGGTAGATATTTCTTTCTATTTTCTCATAAAATTTATTTTTACT  
TCCTCCAATTCATTTCTTTGGACACGCATATTAAGAGTATTGTAGATACCATCTA  
AAAGTGAATAGTTGGGTATTTAAGTGATTATATTAATTGTTAAGGTGATAATTA  
GAGTATTTAAGTAGTGTAAGTGAGAGTATTTATGATTTTTAAAGGTATTTAGGTA  
AAAAAATTCATGGCAAAAATGAAAGTGGGCAATAAGGTGAATAGTACCATTT  
GTAATACTTTTCTTGATTTAACTATAATTTTATAGTTGATGTCAAATGACACAA  
TCAACTAATACAATTTTTTATTATTATTACAGAGTGCCATGCAGAAAGCGTGGAG  
GAATCAGGTACACAATCAACGGTTTCCGTTACTTTAATTTGGTGTGATCACCAAC  
GTCGCGGGTGCAGGTGATATCGTGAGTGCTAGTGTTAAAGGATCAAGAACAGGTT  
GGATGAGTATGAGTCGTAATTGGGGCCAAAATTGGCAATCAAATGCTGTTTTGGT  
TGGACAATCTCTATCATTTTCGTGTCCTGCTAGTGATCGTAGAACCCGCCACTTCC  
TTTAAACATTGCTCCTTCTAATTGGCAATTTGGTCAAATTTTATCGGCAAAAATTT  
TAGAGCTTAACCCCAAATCTTATAATCATCGCAAATTTCTCATTGAAGACCATC  
TCATTGTGAAACTGTTAAACTTTTCTTATAATGAGACGGTTTCATACCAAATCTGC  
TTTTCGATCATTTTTCCCTCGTTTCTTGTGAAGATAATACTTTTTCTTTTGAATGAT  
TTAAACCCATCTTGCTATACGTCTAAATTTCATAACGACTTACTTTCTACTTTTTAA  
CTTCATCAACGTCGTCTTATTTCTCTCATCTCATTCAAAGC