

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cucumis sativus*

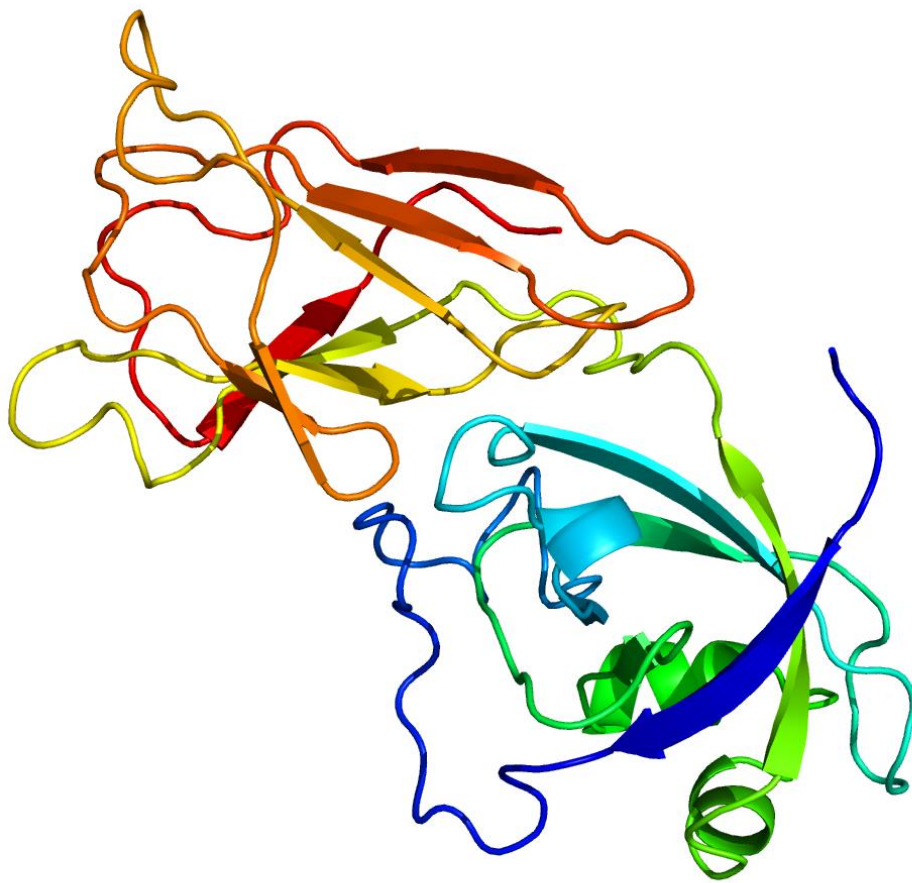
**Locus:** CsGy1G030680

**Gene Model:** CsGy1G030680.1

**Description:** CsEXLA-01

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

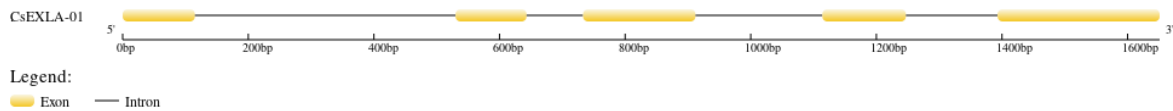
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

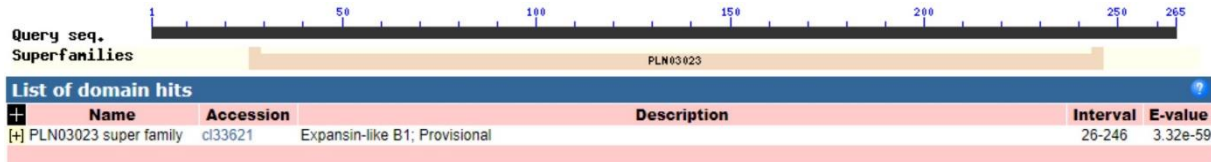
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CsEXLA-01

MGWFLTLFLFLLVSYSTACDRCVHQSNAHYHYDVPASYGSTCGYGKLEFELSKGY  
FAAVLPSLYKQGASCGACYKVRCKNKTLCNPMGSKVVVTDIHYNNGTDFVLSKKAF  
FSMALMGKTPQLLNIDTIQVEYKRIPEYKKNKLLVEIVEWSHKPEVLAIKFLYQGGQ  
TNILAVNITQVGLEKSWRGMIRNFGAIWYIPNVVEGALKLKMMVASGYNNNKWIST  
KYGIPADWKNNGNIYDTGIQIKDHILENCPPNKCGDKPWK

### CDS (coding sequence)

>CsEXLA-01

ATGGGTTGGTTTCTCACTTTGTTTCTCTTTCTTCTTGTATCTTATTCCACTGCTTGTG  
ATCGCTGTGTTTCATCAATCCAATGCTACTCACTATCATTACGATGTACCTGCTTCA  
TATGGATCAACATGTGGATACGGAAAATTAGAGTTTGAACCTTCCAAAGGATACT  
TTGCAGCTGTTTTGCCTTCCCTTTATAACAAGGAGCTTCTTGTGGTGCTTGCTAT  
AAAGTAAGATGTAAGAACAAGACATTATGCAATCCAATGGGGAGTAAAGTAGTT  
GTGACAGACATACATTACAATAATGGAAGTATTTTGTCTAAGTAAAAAAGCTT  
TCTTTCCATGGCTTTGATGGGAAAACCTCCGCAACTTTTGAATATTGATACCATC  
CAAGTCGAATACAAGAGGATACCATGTGAATACAAAACAAAATTTATTGGTG  
GAAATTGTAGAATGGAGCCACAAACCAGAGGTATTGGCTATAAAATTCCTATACC  
AAGGTGGCAAACCAACATACTAGCAGTTAATATAACTCAGGTTGGGTTAGAGA  
AATCATGGAGAGGGATGATAAGGAACCTTGGTGCAATTTGGTATATACCAATGT  
AGTTGAGGGAGCACTAAAGTTAAAAATGATGGTAGCTTCTGGATATAACAACAA  
CAAATGGATTTCAACAAAGTATGGAATTCCTGCTGATTGGAAAATGGAAACATC  
TATGATACTGGAATTCAAATCAAGGATCACATTCTCGAAAATTGCCACCTAACA  
AATGTGGTGACAAGCCATGGAAGTGA

### Nucleotide

>CsEXLA-01

ATGGGTTGGTTTCTCACTTTGTTTCTCTTTCTTCTTGTATCTTATTCCACTGCTTGTG  
ATCGCTGTGTTTCATCAATCCAATGCTACTCACTATCATTACGATGTACCTGCTTCA  
TGTGAGAATTCAATCTCCATTAATTAATTTAGTCACGATTTCTTTCTTTTCTTTTGA  
AATGTATACTTTTATTCTTTAGAAATTTTCATTTTCTTAAAAATTCGAATTTTCAAT

TATGTTTTTTACAATTGTGAAACTAAATACTCAAATTCTTAAAATTAATTTTTTTA  
ATAGAAAATGCAAGTTTTTTAAAACACTACTATTTTTTTTTTCGTCTTTCCATTTCTAAAC  
TTCGGTTTTATTTTGGAAAACGTTATTGTCAGAGTATGGATAAGAAAATTGAGAA  
ATTTAATTATACACTGAAGTAGTGTTTATACATAAGCTCAACTTTCTAAAATCGAA  
TGATTATTTGATAGCTTAAATTTTGAATTTTCCATTA AAAATGGCAGACTCTAAGA  
CAATTTTCATGATGATATGCAGATGGATCAACATGTGGATACGGAAAATTAGAGT  
TTGAACTTTCCAAAGGATACTTTGCAGCTGTTTTGCCTTCCCTTTATAACAAGGA  
GCTTCTTGTGGTGCTTGCTATAAAGTAATTAATTAAGATATACTTTAAGAGTGTAG  
TTTCTTTTTTTCACTCTCTTTAAAAGTTAGTGATAATTAATGCATTTGGTTTTGTA  
GGTAAGATGTAAGAACAAGACATTATGCAATCCAATGGGGAGTAAAGTAGTTGT  
GACAGACATACATTACAATAATGGAAGTACTGTTTTGTTCTAAGTAAAAAAGCTTTC  
TTTTCCATGGCTTTGATGGGAAAAACTCCGCAACTTTTGAATATTGATACCATCCA  
AGTCGAATACAAGAGGTAAATCATATACTTGTCCTAATTTGAAGAACGGTGATCT  
CAATATTTTTAAACCACACTTCCATCATTTTTCCCCTTCGCTGATCAGTTTAAGA  
ATATAGAAAACAATTGAATGTAACAGACGCTATGACTACTGAGGCTACGGTGTTTC  
ATAACTTGAAATTACAGTAAACTGACCTTTTATGGGTTTTGTATATTACAGGATAC  
CATGTGAATACAAAAACA AAAATTTATTGGTGGAAATTGTAGAATGGAGCCACA  
AACCAGAGGTATTGGCTATAAAATTCCTATACCAAGGTGGCCAAACCAACTACT  
AGCAGTTAATATAACTCAGGTAATAAATTAACACTCGTGTGTGTATAGTATAGTT  
GATGTAATAATGAATTCACATGAAGTAACAACATATATATAACAATAAAGAACC  
CAATATTA ACTATATTGTTTTTATTGAATGGATCAATATTTATTATATTTACAGG  
TTGGGTTAGAGAAATCATGGAGAGGGATGATAAGGAACTTTGGTGCAATTTGGTA  
TATACCAAATGTAGTTGAGGGAGCACTAAAGTTAAAATGATGGTAGCTTCTGGA  
TATAACAACAACAATGGATTTCAACAAAGTATGGAATTCCTGCTGATTGGAAAA  
ATGGAAACATCTATGATACTGGAATTC AAATCAAGGATCACATTCTCGAAAATTG  
CCCACCTAACAAATGTGGTGACAAGCCATGGAAGTGA