

## IDENTIFICATION

**Species:** *Anacardium occidentale*

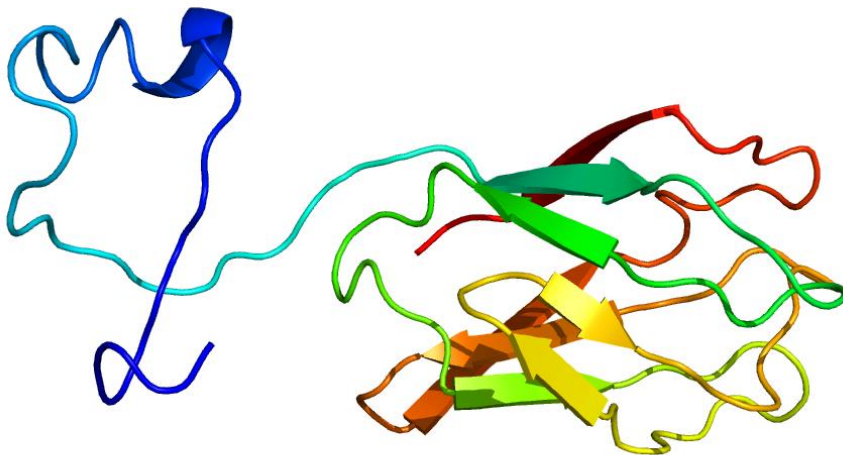
**Locus:** Anaoc.1091s0001

**Gene Model:** Anaoc.1091s0001.1.p

**Description:** AocEXPA-33

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

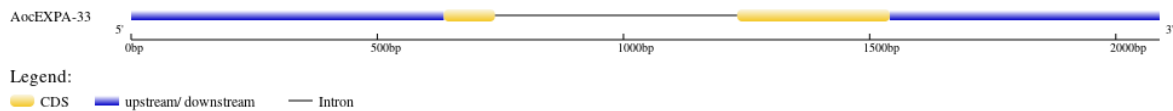
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aoccidentale\\_v0\\_9](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aoccidentale_v0_9)

KEGG:-

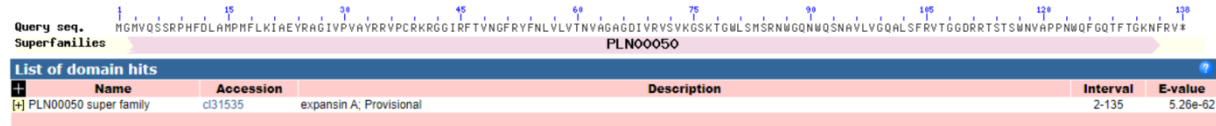
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AocEXPA-33

MGMVQSSRPHFDLAMPFLKIAEYRAGIVPVAYRRVPCRKRGGIRFTVNGFRYFNLV  
LVTNVAGAGDIVRVSVKGSKTGWLSMSRNWQNWQSNVAVLVGQALSFRVTGGDR  
RTSTSWNVAPPNWQFGQTFTGKNFRV\*

### CDS (coding sequence)

>AocEXPA-33

ATGGGGATGGTGCAATCCTCCCGTCCTCACTTCGACCTCGCCATGCCCATGTTCTCT  
CAAGATCGCCGAGTACCGTGCTGGAATTGTTCCCGTTGCTTATCGCAGGGTGCCA  
TGCAGAAAGCGTGGTGGGAATCAGATTCACCGTTAACGGTTTCCGTTACTTTAACT  
TGGTGTTGGTGACCAACGTGGCTGGCGCAGGAGATATTGTGCGCGTGAGCGTGAA  
GGGAAGCAAACACTGGGTGGTTGAGCATGAGCCGTAACACTGGGGGCAAATGGCA  
ATCAAATGCTGTACTCGTGGGCCAGGCTCTTTCATTTAGGGTCACGGGCGGTGAT  
CGCCGCACTTCAACTTCATGGAACGTGGCACCTCCTAATTGGCAGTTCGGTCAA  
CCTTCACGGGAAAGAATTTCCGTGTCTAA

### Nucleotide

>AocEXPA-33

AATGAAAATGACTCGCAGTAGTAAATGCTATTCATTACATTTCACTGTTCTTTCTC  
TTTAACCTAACCCTCTCTCTTTAAGTACCCTCACCTCTTCCCGCTTTGTGTC  
ATTCGCCCTAAACCCACACACGCTCTCTCTCTCTCTCTCTGTCGAAAGCTTTT  
TTTTTTCTTTTCACTCACAATGGCTGTTGCGAATGTGCTCTGTTATGCTTTGCTCAC  
ATTTTCCTTATTCGCGGCGGTGAGTGCTAAAATTCCTGGTGCTTTCGCTGGTGGGC  
CATGGCAAACACTGCCCATGCTACTTTCTATGGTGGTAGTGACGCCTCCGGAACAT  
GGGTATAGACTTTTTGCCCTTACATTTTTCCGTGTTTTACTGCTTGTACGTGAGTA  
GCTGACTGATGGTGTTTTTTTGTCTAAGGTGGTGCTTGTGGGTACGGAAATCTTT  
ACAGCCAGGGCTACGGCGTCAAACCGCCGCTTAAGTACGGCTCTATTCAACAAC  
GGTCTGAGCTGCGGCGGTGCTTTGAGATAAAGTGCGATAACGATCCCAAATGGT  
GCCACTCTGGCAGCCCCTCCATCTTCGTTACTGCAACCAACTTCTGTCCTCAAAC  
TTCGCTCAGCCGTCGACAATGGGGATGGTGCAATCCTCCCGTCCTCACTTCGAC  
CTCGCCATGCCATGTTCTCAAGATCGCCGAGTACCGTGCTGGAATTGTTCCCGT

TGCTTATCGCAGGTGAGTTTACTTAAATGCCCATCATTTTAAACGTTTTTCGTCATTTT  
ACATGGTTAACAGGGATGCCAGAGAATGGAAAACCTTAAGGTTGGGGCAAACCTT  
TTTCTTTTTTATTTTCGAATAATTAATATTTTCTTTTCTTTTCTTGGAATAAACT  
GAGACTGAAAAGAGTTGCCTTTATTATGTCAGCTTTTATGTCTTTATTTGCCTATT  
CGCTCGGGTGCGGTGGGTGGCCACTTTACATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA  
CAATTTTCACTTTTACAAGGGCATTATCGTAAATAGGTCAAAAAATTTAACCGGA  
AAAGAAGGATGGGGCAGTGCCGCAGTCAGAAAATCTGGGACACATTTCTTAATTT  
ACATTAACATGCTTCTTTTTTACCAGAATCTTCGGGTCTTTAGCCGTTTTTAAA  
AGGGCCCTTAACTGTCACGGTGACGATTCTGTCAACTGTTTATATTGTTTCGTTTGC  
AGGGTGCCATGCAGAAAGCGTGGTGGAATCAGATTCACCGTTAACGGTTTCCGTT  
ACTTTAACTTGGTGTTGGTGACCAACGTGGCTGGCGCAGGAGATATTGTGCGCGT  
GAGCGTGAAGGGAAGCAAACTGGGTGGTTGAGCATGAGCCGTAACCTGGGGGCA  
AAATTGGCAATCAAATGCTGTACTCGTGGGCCAGGCTCTTTCATTTAGGGTACG  
GGCGGTGATCGCCGCACTTCAACTTCATGGAACGTGGCACCTCCTAATTGGCAGT  
TCGGTCAAACCTTACGGGAAAGAATTTCCGTGTCTAAGGATCTTATTTATTAATC  
ACTGTTTGAGAAAAGAGAAAACATTTTGATCTCCCGCCTTCAAATTTGTTTCCCTT  
TATTTCCCGGAAAATTTGAAGCGATGGGTGAAATGGGATTTGAAATTAGGATT  
CAAGTTAAAGTGATTGTGATAGGTAAGGTAGAAAAAGAGAATAAAGTAAGAGTG  
TGGCACTTGCTTTTCTTTCTTTTGCTTTGACATGTAATATTGGCTCGGTGATGATAG  
TAAAAACCAGCCATTACTGTAAGAGGCTGAAGGTGGCTGCAAGAAGAACTAT  
GTAGCCCGCAGCTCTGGTAATATATATTTTTTCTTATGAATAATAATATAATATATT  
TTAATTGACTTGTATGTGTGTATGAGTTTCAATTTCTACCATGTCCCAGTTGTTG  
GTGCTTGTTATTGTGAAGCATGTGTGGATGGCTCCACTGGTTTATCTTTATTAGGT  
ACGTAAGAGGAAATCCTGACAACGTATATTTAATTTAAGAAGAAATACTAGTCC  
TGAAGATAACTTGAATTCTTGTGAAATGTGC