

IDENTIFICATION

Species: *Eutrema salsugineum*

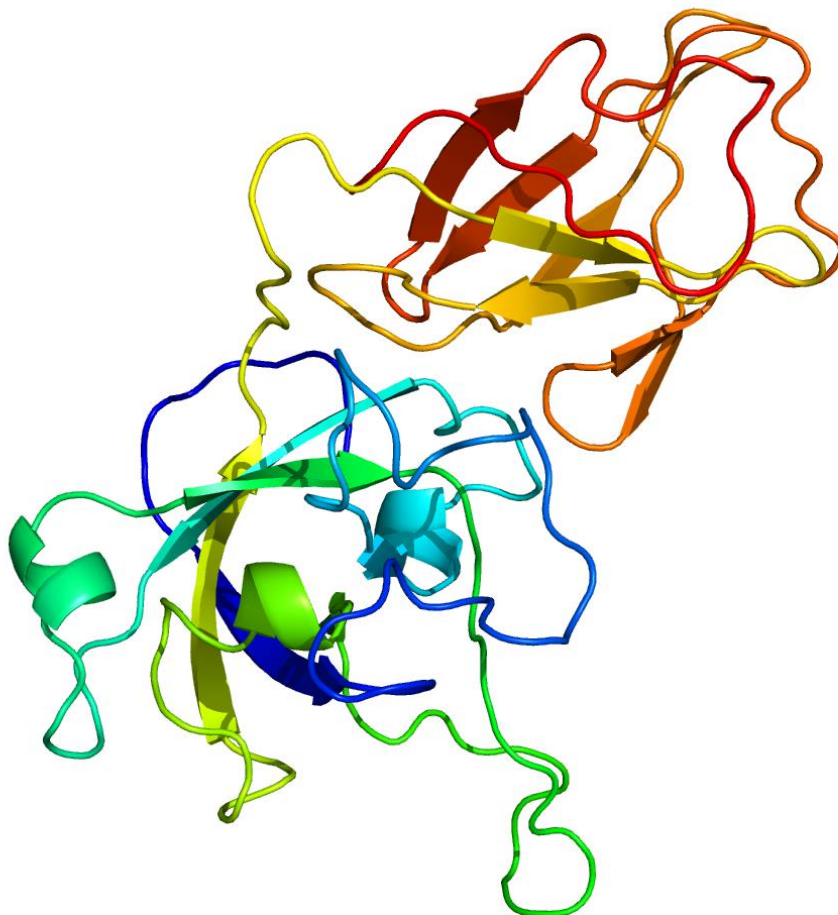
Locus: Thhalv10017116m

Gene Model: Thhalv10017116m

Description: EsEXPA-16

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Esalsugineum_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02985>

EXTERNAL RESOURCES

-

TTACTCCAAAGGTTCCAACCTTTAGTACTAACCACAACATAAAGTTTCCATTTTGTGC
TCATCACTGCTAACTAACCTACCACATTGTCAAATTATCGGTTACATAAATTTCAA
AATCTTGTGATATTGTTATTACTGTTTTATTTACCACAAAGGTTTCAACTTTATGC
GAACACATTCTAAACTCAATTTTGCTCTGTTTTGTTTGAACCAGGAGGTGCTTGT
GGTTACGGCAACTTGTACAGCCAAGGCTACGGTGTAAACACGGCGGCTCTAAGC
ACGGCTCTGTTCAACAACGGATTTCAGTTGCGGGCCTTGTTCGAGCTTAAATGCG
CGAGTGATCCCAAGTGGTGCCACTCAGGAAGCCCTTCCATCTTCATCACTGCCAC
CAATTTCTGTCTCCGAACCTTCGCTCAGCCCAGTGACAATGGCGGATGGTGCAAC
CCTCCTAGGCCTCACTTCGATCTCGCTATGCCTATGTTCCCTCAAGATCGCCGAGTA
TCGCGCCGGAATTGTCCCCGTCTCTTTCCGCCGGTAAGAACTCACTATCATCACTG
AAAATAAATTTAGATAAAGACTTTGTTGATTTGCTTTTTAGATTGGTTGCTTGAAT
TTGGACAAATTAGGGTAAATTTTGGTAGAGTTAAACTTTTCGGGTGTTAATGTT
ACATTTTAAAAGAATCCGGGTGCGGATGAGAAGTCTTACCCTGGATTCTGAACGG
CTGGGGTTAATGCTGCTCAAGTTAAAAGCTTAGGTTCTTAGACCTAAAGTTGTAG
AAACACTGGGGTTCGGTTGAAAAGTCTTGAGTCTGGATTCTAAACGGGTGGGTGC
TATGTCTACAATATTCAAAACTTTGGGATTTTTAACTTAACAATTTAGAAATATAG
TCTTTTATGTCTTGAAATCTGAAGGACTGCGGTAATGATGTTAGAACTAAAAAG
CTTAGGGTATTAGAGTTAACATTTTAAAAGCTTTGCCACTTTGGGATTCGGTTGAA
AAGGCTTTACGTCTAAATTCGAATAGCTGAGGTTAATTCGGCATCATCAAAAGTT
GTGGTATTAACTTAATAATCTAGAAATATAGGGCTGCGGTTAAAAGTCTTATG
TTTTGATTCTTGGCGGAGTCGTCGGTGCAGTATTTATGTCGGGTTTCGTATGCGG
CTATTTACCAAATCTTAAAGATCTTATTTTCCTGCAAAAAGACGAAACTGTCCTTG
CAACAATCCCTTTTTTACTTTTTCAGTACAAATAATAAAAAGTCGTGGGTAAACAAT
AATGAATGTGGGTTCTTATAGTCAACACGCGTTTTCTCCTACTTTTTGTTTGCTTTG
TTGGGATGTAACAATGACGAACTACCCTTGCTTGTCTTATTAATTACTAGAGT
GCCATGCCGAAAAGAGGAGGAATGAGGTTACGATCAACGGTTTCCGTTACTTT
AACTTGGTCTGGTCAACAACGTCGCCGGAGCTGGAAACATCGTGCGGCTGAGCG
TGAAAGGAACAAGAACTTCGTGGATGAGCATGAGCCGAAACTGGGGGCAAACT
GGCAATCAAACCTCTGTTTTGGTTGGTCAGTCACTTTCGTTTAGAGTCACAGGCAGT
GATCGTAGAACTTCCACGTCGTGGAACATTGCTCCGGCTCATTGGCAGTTTGGTC
AGACTTTCATGGGAAAGAACTTCAGAGTTTGAAATGGGCAATTTCCGAAAATCAG
CTATTGAAAAAACCATTTGATTAGTATTGTCTACGTATTACTAGTTTACTACT
CCAAGCCGAAGGCAATTAGTAATTGAGAATATATATTATTTTTCATGTTTCCA
AGACCACTAAAATTCCAGTTTTCTACCTCTGATGGTTTTTTTTGTAACGTGTTCTG
TGGGGAGTGTGAAAGTGGACAGTGGCTAAAATGGTTCATGGTGTTTTTTTTTTAGC
GTGTTGGGTATTAAATGTTTAATGAGTTTCCTTTTGGGGTAAAATTAGAAGTTTGT
TGAAAGTAGAAGGAGCTAAAGTAGATGGAAAGAGTTCTGCTATTAGCTATTTCTT
GTTTGTAATGGTCTTGTAGACCTCTATATTGTAATATATGAAAGTTTGGGTATGT
TATGGTTAAGATATTTACTTTTTGTATAGTAAGACTGTAAGAGCATTTGCAACAT
GCCAAATTTGGATACTAAATGGAATAATGAGAATATGCACTTGATTGAT