

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

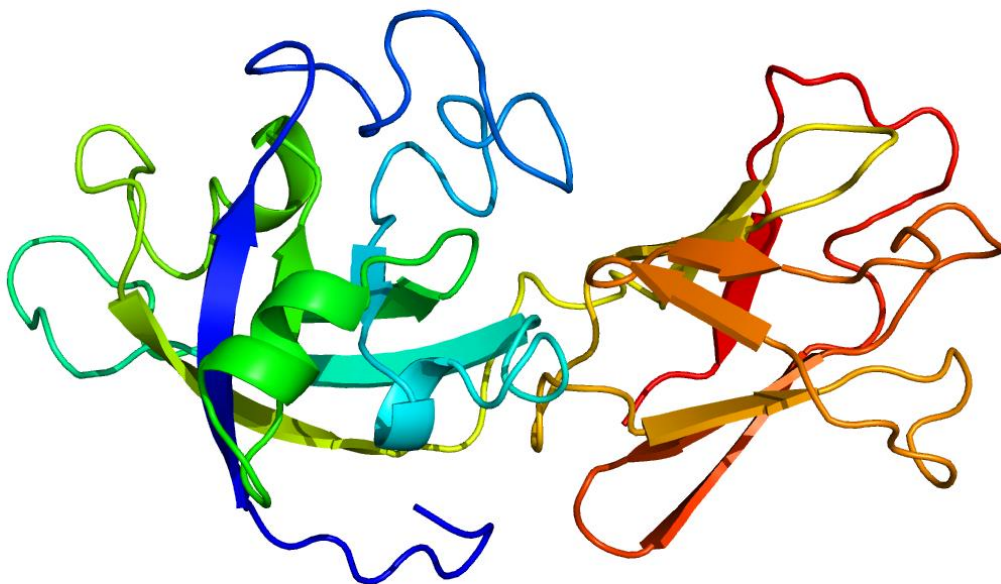
Locus: AUR62032807

Gene Model: AUR62032807

Description: CqEXPA-46

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

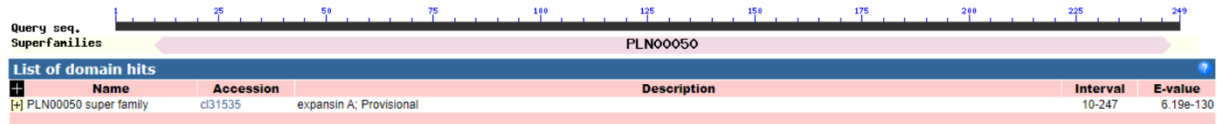
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXPA-46

MKMAFGTIFLVGFLTFFSIADAYRGRGGGGGGWINAHATFYGGGDASGTMGGACG
YGNLYSQGYGTNTAALSTALFNGLACGSCYQIMCVNDPKWCLRGSIIVTATNFCPP
GGWCDPPNHFDLSQPIFQHIAQYRAGIVPVA YRRVSCRRRGGIRFTINGHSYFNLVL
VTNVGGAGDVHAVEIKGSRTRWQPMSRNWGQNWQSNNYLNGQALSFKVTTSDGH
SVVSYNVAPPNWSFGQTYSGAQFR*

CDS (coding sequence)

>CqEXPA-46

ATGAAAATGGCATTGTTGGTACTATTTTCTTAGTGGGATTCCTCACATTTTCTCAAT
TGCTGATGCTTATCGCGGCCCGCGGTGGCGGTGGTGGTGGTTGGATTAACGCTCAT
GCCACCTTTTACGGTGGCGGAGATGCTTCCGGCACCATGGGTGGAGCGTGTGGGT
ATGGAAATTTATACAGTCAAGGGTATGGAACAAATACAGCAGCACTAAGCACAG
CATTATTCAACAATGGATTAGCGTGTGGTTCGTGTTACCAAATTATGTGTGTTAAT
GACCCTAAATGGTGTCTTAGAGGCTCAATTATCGTACTGCTACTAATTTCTGCC
TCCTGGAGGATGGTGTGACCCTCCTAATCACCCTTTGATCTCTCTCAGCCTATTT
TCCAACACATTGCTCAGTACCGAGCCGGTATCGTCCCCGTTGCGTATCGCAGGGT
GTCTTGCCGGAGAAGGGGAGGTATAAGGTTCAACAATCAACGGGCACTCGTACTTC
AACTTGGTGTAGTAACCAATGTCGGTGGTGCCGGGGATGTACATGCAGTTGAAA
TTAAAGGGTCAAGAACACGTTGGCAACCAATGTCAAGAAATTGGGGGCAAATT
GGCAAAGCAACAATTATCTCAATGGACAGGCTCTCTCATTCAAGGTCACCACTAG
TGATGGTCATAGTGTGTGCTATAACGTTGCCCTCCGAATTGGTCTTTCCGGC
AGACCTATTCGGGTGCCCAATTCCGCTGA

Nucleotide

>CqEXPA-46

CCTTTCTTTCTCTCTCCTCTAAACCCCATTTCTCTCTATTCAACATGTAATTTTCT
CCTCTCTTTCTCTTTCTAAACTAATAAAATTTAGTGTTATAAACAACAACTTTG
CTTACATTTTGGGTGGATTTTGCAGGAAAATGGCATTGTTGGTACTATTTTCTTAGT
GGGATTCCTCACATTTTCTCAATTGCTGATGCTTATCGCGGCCCGCGGTGGCGGTG
GTGGTGGTTGGATTAACGCTCATGCCACCTTTTACGGTGGCGGAGATGCTTCCGG
CACCATGGGTATATTTCTTTCCACCCATATATTCATACAAGCTAAGAAACGCACA

CAATGCATACATTAATTAATTTATAAAAACGTGTTGCTACAACCTATATTTAATGTGA
CTACTTTTAATGTACGATTAATTAATTTATTTATAGGTGGAGCGTGTGGGTATGGA
AATTTATACAGTCAAGGGTATGGAACAAATACAGCAGCACTAAGCACAGCATT
TTCAACAATGGATTAGCGTGTGGTTCGTGTTACCAAATTATGTGTGTTAATGACCC
TAAATGGTGTCTTAGAGGCTCAATTATCGTACTGCTACTAATTTCTGCCCTCCTG
GAGGATGGTGTGACCCTCCTAATCACCCTTTGATCTCTCTCAGCCTATTTTCCAA
CACATTGCTCAGTACCGAGCCGGTATCGTCCCCGTTGCGTATCGCAGGTATATAT
ATTGTCACGTTGATAGTGTAATTTGAGTTGGTAACACTATAAGTCAAGTTGAGTT
ATGATGTGTGTTTCATGTATTGTGAACTAAAAATCTTAAAGGAGGTTACCTATTTT
AGAAAACCTGAACAAATTGGGGTTGAGATTTTTTTGTGTACGTATTTGTTTATAATAT
AAAATTTAATAAAAGTGGTGAGAAAGTTTAGTTAGTTAGGAAGTTGTTTGAAAAG
TTGTATGTTGCGATTTACTGTTTTGGTCTATTCAAATAAAAAAAGAAAAGAAA
GTATATTCGTGAAAGAAAATTGTAAAGTAATAAATGGTCCTACATTTTTTTAAGA
GTCACATGGAAGTGGAACTACAATACTTTTCCTTTGTTACCTATGTCTAAAGGTAT
AATTTCAACCGTAGATAAAGACATAAAATTTATGGATTTATATTTTAAAAATTGTT
TTATGTTAAATCACTTTTTTTTTTATTTTTTTTTTAAAAAATCTTCTTAAAGGGATAA
TAAAGAGATGACGTTAGAAAAAAGTACCCTTAAATTTATTGCCCTTATTTGACA
AACTGCACATTTTAAACATCAACTAAGAAAAACATTTAAGGCTAGCGCAATTGTT
GCAACATGTCACGTCTATTATCTAGTAGACTAGTATGCACTCAAGAGTCAAGAGT
TGAGACTCAAGAGTCTAGAATATTAATAATGTATACTCGGGTGTATATAAGAATTA
AACCGCGTGTAAATTATGCATGTACTGTTTTGTGTAGGGTGTCTTGCCGGAGAAG
GGGAGGTATAAGGTTCAACAATCAACGGGCACTCGTACTTCAACTTGGTGTTAGTA
ACCAATGTCGGTGGTGCCGGGGATGTACATGCAGTTGAAATTAAGGGTCAAGA
ACACGTTGGCAACCAATGTCAAGAAATTGGGGGCAAATTTGGCAAAGCAACAAT
TATCTCAATGGACAGGCTCTCTCATTCAAGGTCACCCTAGTGATGGTCATAGTG
TTGTGTCCTATAACGTTGCCCTCCGAATTGGTCTTTTCGGGCAGACCTATTCGGGT
GCCCAATTCCGCTGAAAGCCGAAAATTTTACCTAAAATGACATTTATGTCCTATC
GCGTGTGATCTTAATTAAGCCTTTAAGTATATATACAGACTACGGAGTACTTTTTTA
TATAGTTTAACTAGGATTAAGGTCAGTATTTTAAATTTTAACTGACCAAATATTTA
CTACAGTACTTTTTTTTAAATGGGGTTAAAATGGGAAATTGAAAGCTTATTTTATGA
GGCTTTTTTTCCTAAACTACCCCTGTTTTTTTTAGGGTACCCCTTTATTTTGAGAGTGA
CCTTTGTAAGTGTAAAGATTTATGGAATATTTCTCTTTGTGGAGGAAATGGCAT
AGCTAGGCTGCGGTGGATTTTTACCCCCGCTTCTAGTATTTTGTCTTTTTTTTTT
TTCTAAGTAAGAAGAAGTAAAGAAGTAGGGTTTATTGTCATTTTAAATTGAGGTG
TGTATGAAGTGTGATTATTGGAGTTCTAAATGTTATTTATGCAATTATTGGACTCT
ATAAGTGTAATTTTAGCTATTTTCAGTTCTAATGAGAATTGTGT