

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cucumis sativus*

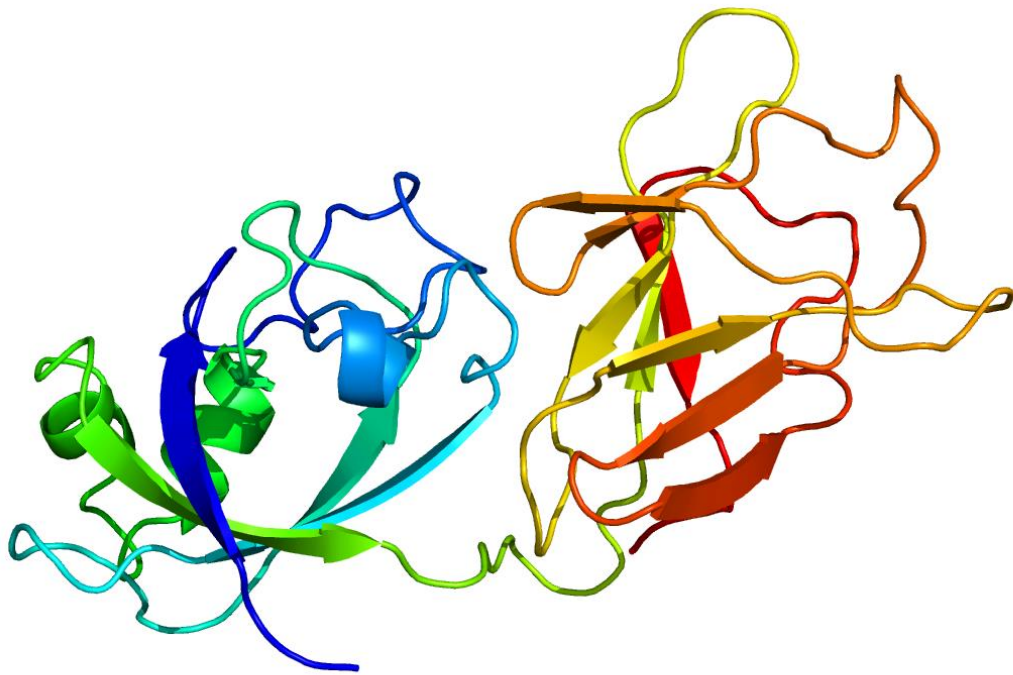
**Locus:** CsGy7G001310

**Gene Model:** CsGy7G001310.1

**Description:** CsEXLA-04

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

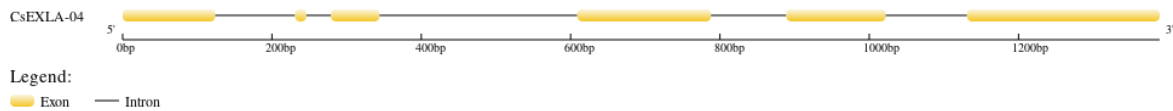
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

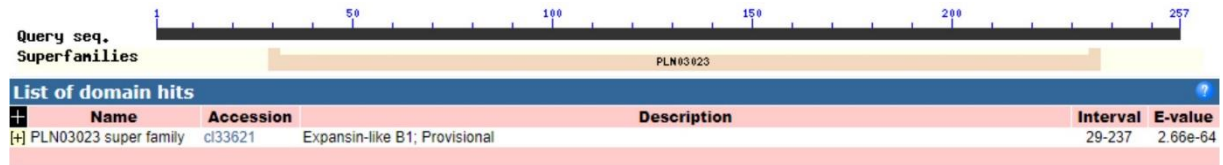
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CsEXLA-04

MYWFLIFLFLVSSTTASFPPCNRLHQSKAAYYEDSPTS YGGACGYFAAAVPSLY  
KGGAGCGACYQVRCKDTYLCNTAGTKIVLTDQNNDRNRTDIVLSKKAFSAMALKGK  
AQQLLNTGLVDIEYKRIPCEYKKNKLLVQVVEWSHKPYLAIKFLYQGGQTDIQAVN  
IAQVGLPKWRPMKRNYGGIWDINGVPKGGLQLRMVVTSRYDNGKWIWAGSVLPSD  
WKNGEIYDTGVQINDIAYEYCPPWQCGGDGQWK

### CDS (coding sequence)

>CsEXLA-04

ATGTATTGGTTTCTCATTTCCTCTTTTTGCTTGTCTCCTCGACCACGGCTTCTTTTC  
CGCCCTGTAATCGTTGTCTTCATCAATCCAAAGCTGCTTATTACTACGAAGATTCC  
CCTACTTCATATGGAGGTGCTTGTGGTTATTTTGCAGCTGCAGTCCCTTCCCTTTA  
TAAGGGAGGAGCAGGTTGTGGTGCTTGTCTATCAGGTACGATGCAAGGACACGTA  
TCTATGTAATACAGCAGGCACTAAAATAGTTTTGACAGATCAAATAATGATAAT  
AGAACGGATATTGTTCTTAGTAAGAAAGCTTTCTCTGCCATGGCTTTAAAAGGAA  
AAGCTCAACAACCTTGAATACGGGACTCGTCGATATAGAATACAAGAGAATAC  
CTTGTGAATACAAAATAAAAATCTATTGGTACAAGTGGTTGAATGGAGCCACAA  
ACCATATTATTTGGCGATCAAATTCCTTATATCAAGGTGGTCAAACCGACATTCAA  
GCGGTCAACATAGCTCAGGTGGGTTTACCGAAATGGCGCCCTATGAAAAGAAAC  
TATGGAGGTATTTGGGATATCAATGGTGTGCCAAAAGGAGGATTACAATTGAGA  
ATGGTAGTAACTTCAAGATATGATAATGGAAAATGGATTTGGGCAGGTTCTGTGC  
TCCCATCTGATTGGAAAATGGAGAAATTTATGATACAGGAGTTCAAATTAATGA  
TATTGCTTATGAATATTGCCCTCCTTGGCAATGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGT  
TAA

### Nucleotide

>CsEXLA-04

ATGTATTGGTTTCTCATTTCCTCTTTTTGCTTGTCTCCTCGACCACGGCTTCTTTTC  
CGCCCTGTAATCGTTGTCTTCATCAATCCAAAGCTGCTTATTACTACGAAGATTCC  
CCTACTTCATGTAAAAGCTTTAGTTTCCATCTCATTTTAATTTTCTTTTTGGAAGTT  
GAATAACTAAGTTCACTATTGCAACTAATGAATTTATTGGATTTGCATGATTTGAT

GTAGATGGAGGTGCTTGTGGTTATGGAAATTTAGCATTGGAAATCTCTCAAGGTT  
ATTTTGCAGCTGCAGTCCCTTCCCTTTATAAGGGAGGAGCAGGTTGTGGTGCTTGC  
TATCAGGTATGAACTTGAGGTATACTCATTTTTTCCACCAACTATAATGCAGAAAA  
AACTCAAAAATATTTATATAACCAAAAAAAAAAGTTCAGTAAACTGTGGTTGGAC  
AATTTAGTGAGCTTAAAAAATATGGGTGCAACTTAGGAAGGATGCACTTCAGTAT  
CTCTTTTTTTTTTTTTTCTATGGTTTTCTCTCGTTTTGATGGGTTTTCTTTTCCCTCCCT  
TTTAAAACGCTATTGATTGTGTAAGAGAATTGTTTAATTCTTTGTAGGTACGATGC  
AAGGACACGTATCTATGTAATACAGCAGGCACTAAAATAGTTTTGACAGATCAAA  
ATAATGATAATAGAACGGATATTGTTCTTAGTAAGAAAGCTTCTCTGCCATGGC  
TTTAAAAGGAAAAGCTCAACAACCTTTGAATACGGGACTCGTCGATATAGAATAC  
AAGAGGTGTGGGTTAATTACTGGTTATAAATTATGAAACTAATTACAAAAAGTCA  
ACTGATCATTATTTGGGTTGTATAATTACAATTCGTGTAATAATTTGCAGAATAC  
CTTGTGAATACAAAAATAAAAATCTATTGGTACAAGTGGTTGAATGGAGCCACAA  
ACCATATTATTTGGCGATCAAATTCCTTATATCAAGGTGGTCAAACCGACATTCAA  
GCGGTCAACATAGCTCAGGTTGACTAAAATTACATTTTAAACCCACAGAAAGT  
CAATTCAGATAAACTCTTGATATATGTAACCTGATTTAGATACTCTATACGTGCATG  
ACTTCGATTTTCGTAGGTGGGTTTACCGAAATGGCGCCCTATGAAAAGAACTAT  
GGAGGTATTTGGGATATCAATGGTGTGCCAAAAGGAGGATTACAATTGAGAATG  
GTAGTAACTTCAAGATATGATAATGGAAAATGGATTTGGGCAGGTTCTGTGCTCC  
CATCTGATTGGAAAAATGGAGAAATTTATGATACAGGAGTTCAAATTAATGATAT  
TGCTTATGAATATTGCCCTCCTTGGCAATGTGGTGGTGTGGACAATGGAAATAA