

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

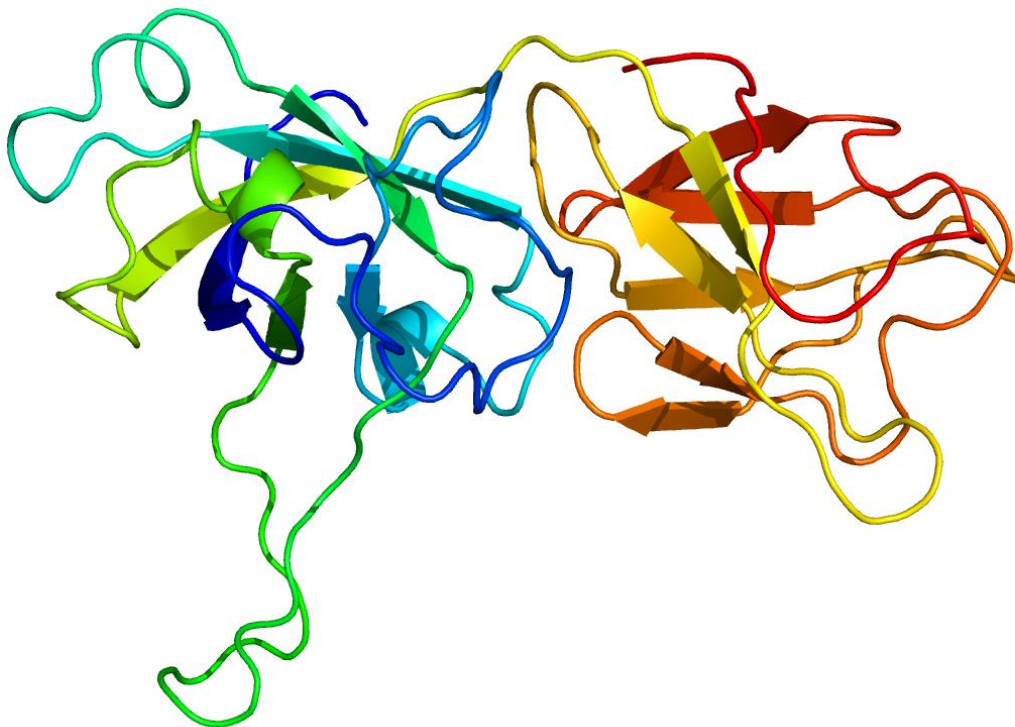
Locus: XP_011089478

Gene Model: XP_011089478.1

Description: SinEXPA-17

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

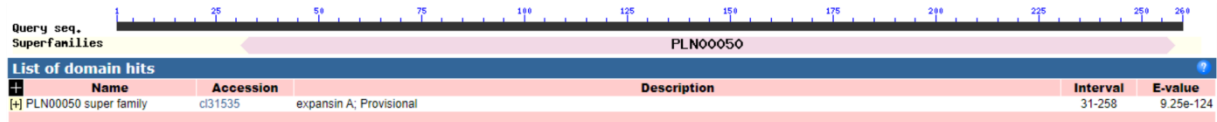
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXPA-17

MALLAVIVCIASLISVLQPPAEARIPGVYTG GGWQTAHATFYGGSDASGTMGGACGY
GNLYSQGYGVNTAALSTALFNNGFSCGACFEIKCAMEKQWCHAGSPSIFVTATNFCP
PNYALPNDNGGWCNPPRPHFDLAMPMLKIAEYRAGIVPVTYRRVPCRKKGIRFTI
NGFRYFNLVLITNVAGAGDIVRVSIGSRTGWMSMSRNWQNWQSNVAVLVGQSLSF
RVTGSDRRRTSTSWNIAPSNWQFGQTFVGKNFRV

CDS (coding sequence)

>SinEXPA-17

CATTCCCTCCCTTTCTCTCTCTCTCTCGCACCACCCACTCCCATTCCCCTGTTTC
TAGTGAGAAAAAATGGCTCTCTTAGCTGTAATAGTCTGCATTGCTTCCCTTATTTCC
AGTTTTGCAACCACCGGCTGAAGCCAGGATTCCCGGTGTCTACACGGGCGGAGGT
TGGCAGACCGCCCACGCCACCTTCTACGGTGGCAGCGACGCCTCCGGCACCATGG
GTGGGGCTTGTGGGTACGGGAACCTGTACAGCCAGGGCTACGGAGTCAACACGG
CGGCGCTGAGCACTGCTCTGTTCAACAATGGGTTTCAGCTGCGGGCGGTGCTTTGA
GATAAAATGTGCTATGGAGAAGCAATGGTGCCATGCCGGCAGCCCCTCCATCTTC
GTCACGGCCACCAACTTCTGCCCAGGAACTACGCTCTGCCCAACGACAATGGTG
GGTGGTGCAACCCTCCCAGGCCGCACTTCGACCTCGCCATGCCTATGTTCTCAA
GATCGCAGAGTACCGCGCTGGCATTGTGCCTGTTACTTACCGCAGGGTTCCATGC
AGGAAGAAGGGAGGCATAAGGTTACAATCAACGGATTCCGCTACTTCAACCTG
GTTCTGATACCAACGTCGCGGGCGCGGGGGACATCGTGAGGGTGAGCATCAAG
GGTTCGAGGACTGGATGGATGAGCATGAGCCGGAAGTGGGGCCAGAACTGGCAA
TCAAACGCCGTGTTGGTTGGTCAGTCACTCTCCTTCAGGGTGACAGGCAGTGACC
GCCGCACCTCCACCTCATGGAACATCGCCCCCTCCAAGTGGCAATTCCGGCCAAAC
ATTTGTGGGAAAGAACTTCAGGGTTTGAAACAAAATTTGCCGCGTCATTCAGCG
ATTTTACCGCACCTTAATTTTTGAGACTAGTTGTTGTGTTAGTGGGGGTATAATTG
TATGTTTGTGGGGATTTGCAGAGGAGAATGAAGGGGTGGTGGTTTCGCTTTTTTTG
ACTTATTGGAGCAAAGCGGTGGGGGTGGGGGGTACGTAGATGAGGAGAAAAAGC
TGAGGCGGCTGCACCAAATACTGTAGCCCGCAGCTTATTTTAAGTTTTTAAGTACT
CTTATAAAGTAGTATGTGATTTGTCTAAGGAGTGTGTAATTGTGTATCTCTAATTA
TATTATATATAGCTCTATAATTAATGGAGATGGATTGGTTTTCA

Nucleotide

>SinEXPA-17

TGATTGACTATGATCAAAATCTAAGTTGGTATTAATTTTGTGGTGGATCGAGATAAAA
AAATATTGATTTTTTTGTAATTTTTAAGGTATAATTATTTGTAATGTGGGGAACAAT
TTATTATTTTTCGTGTTGGGGTTTGGTGGGCTGAGTCTATAGATTTCTATAAATAT
GTTTGGAAATGTTTTATAAAAAGATAACATTTAATATATATTTAAAAAACTGAAAA
TATGTTTTGATTGTTGTTTAACTTTAGAAGAGTGGCATTGGGATTCCTTTTGATTCT
TGGTGCTGACAGCTTTAGACTTCTTCTACTCACTCTGTTTGTGGAACAGATGAAGA
TAAGTTGCAAAGTTACAGTGTTCAGATTTTATGCTGTGTAATTGGGTGATTGC
TACTTTTGTCTCTACCATTCTTTGTTGGTATTATTCTATTGTTTCATGTTGCTTCCA
AACCCCTTGAATGCAAAAAGTGATTGAGAGAGGAATTGATGGAATACAAATGAA
AACCAATCCATCTCCATTTAATTATAGAGCTATATATAATATAATTAGAGATACA
CAATTACACACTCCTTAGACAAATCACATACTACTTTATAAGAGTAGTTAAAAAC
TTAAAATAAGCTGCGGGCTACAGTATTTGGTGCAGCCGCCTCAGCTTTTTCTCCTC
ATCTACGTACCCCCACCCCCACCGCTTTGCTCCAATAAGTCAAAAAGCGAAAC
CACCACCCTTCACTCTCCTCTGCAAATCCCCACAAACATACAATTATACCCCCAC
TAACACAACAAGTCTCAAAAATTAAGGTGCGGTAAAATCGCTGAATGACGC
GGCAAATTTTTGTTTCAAACCCTGAAGTTCTTTCCACAAATGTTTGGCCGAATTG
CCAGTTGGAGGGGGCGATGTTCCATGAGGTGGAGGTGCGGCGGTCACTGCCTGTG
ACCCTGAAGGAGAGTACTGACCAACCAACACGGCGTTTGGATTGCCAGTTCTGGC
CCCAGTTCCGGCTCATGCTCATCCATCCAGTCCCTCGAACCCCTTGATGCTCACCCTC
ACGATGTCCCCCGCGCCCGCGACGTTGGTGATCAGAACCAGGTTGAAGTAGCGG
AATCCGTTGATTGTGAACCTTATGCCTCCCTTCTTCCCTGCATGGAACCCTGCACCA
AAAAGCAAAATCCCACCTCAATTGTCAAAAAGTCCATTTAGGCCTTGGGAATTCTC
ACATTCTCGAGTAACGCGGAGCGGGAATAAAGGATAAGGAGGCAGTACGGCGAG
GTCTTTTACATCTAACAATAACATACGTTGGAGACTGTGGTTACCAACACCTAC
GGTCTGATGTTTACTTGTGCCTGGATGAGCGGTGCAGATGTGGCGTAATCATAG
TGGCTGAAGTGAACAGGTGACTAAGTGGGCCCTGGTACTAACGAACTCTCACGTG
GTATGTTTTGGTCCAGACATCTTAAATACCCTTGGCACGACGTCGCTCTGCCCGGA
CTTAAATAGCGTTTTTGACCGTGCTGCGCTTAACCATGTGCAAGTCAACTATAAC
TAATGCGGGCAGTTTTTTGGAATCGCAGTTGCGAAATGTTACACCCCCAACTAC
ATCTTCCTTTAAAACCCTTGAGAGGTTGAGATGAACTACTTTGACTTGTATCATAT
TTGAATGCATTCATATATAATTAACGCAGTTTTTCTCTTTTATAATATAATAAAA
ATTAAATTATAATTTAAAAGTAAAGCTATGTACCATTTATAAATGATGGAAATTA
TCTATCAGACTTTAGTAACTAACTAATCTATAAATGACGTAATAATAATAATA
TAATATTACACATAATGTTGCACAAGTAGTTGGCTATTTTAAGGAAAAATTCATA
CTCCAACCAGATTTGGGCAAATGTGTTATACTTTCTATGTAATTTCTCATTTTTTCA
AATGGTATATTAATCACACAATAAGTGTATTACACTTGACATATAATTGATTCAA
ATTTGACCGAGTCGGATTTGGGCTAAAATTTTCGGAATTTGTATGCATTTTTCAA
GTAGAATGTGGGGGAGATATACACAAACATTTGTGTTTCTACCACCTCAAAGAT
AAGGTTTCTCAACCAAGAGGACCATGCTGCTTACCAAATGTCCAAATTGTTAAGT
AGTGACCACTAACTATTCTAATCAATTTTGTAAAGACAACCTTAAAATTCTGTAA
GTAGTACAAAAGAATAAACAGAGTAGTTAACTTCTTTACATCATCGCTTGTACTA
TTTGCAGACCTTAAATACTAGGTCCCATATTCTATACTACGAGGTTAATTTATTAA
TATAAGATGGGTATGGCTTCATGAATATTTTTACTACCAATTGGGTGTAATGAAA
TAACATAGTCTATAAGGGACAATCTAGTTTTTATAAATCAAGTTCTGTGTTTGAAA
GTTTTGAGTTCGAATTGTAGGTGTGCGAGATGAGTGCTTATGTGCAAAAAGAAAA

CAAAGACAGAAATATAATAACATTTGTCCTATAATGAATTGTATATGATTTCAAT
GTGGTATGTAAGAGAAGTTTCCTACTGCATGAAGCTACGCTTAATCCTCAAAAAA
GAGACGAAAATCGAGAGAAAAGCGCAATAAAGAGAGTAACAAAGCGCCTGACT
CGGAGCACAGTGAGGAGAGAAGCACAAAAAAACAGAGCAAGCGAAGGAAAAA
CAGAGCACATAGAATGAGGAGAGAAGCTTCACCTGCGGTAAGTAACAGGCACAA
TGCCAGCGCGGTACTCTGCGATCTTGAGGAACATAGGCATGGCGAGGTCGAAGT
GCGGCCTGGGAGGGTTGCACCACCCACCATTGTCGTTGGGCAGAGCGTAGTTCGG
CGGGCAGAAGTTGGTGGCCGTGACGAAGATGGAGGGGGCTGCCGGCATGGCACCA
TTGCTTCTCCATAGCACATTTTATCTCAAAGCACGCGCCGCAGCTGAACCCATTGT
TGAACAGAGCAGTGCTCAGCGCCGCCGTGTTGACTCCGTAGCCCTGGCTGTACAG
GTTCCCGTACCCACAAGCCCCACCTGTAACCACAATGCACTTAAGATTTTCATCAT
TTATGTTGATTTTGTCTAGTTAATCTGAAGCTAGAGCTTTAACTGGCTACGTACCC
ATGGTGCCGGAGGCGTCGCTGCCACCGTAGAAGGTGGCGTGGGCGGTCTGCCAA
CCTCCGCCCGTGTAGACACCGGGAATCCTGGCTTCAGCCGGTGGTTGCAAAACTG
AAATAAGGGAAGCAATGCAGACTATTACAGCTAAGAGAGCCATTTTTTCTCACTA
GAAACAGGGGAATGGGAGTGGGTGGTGCAGAGAGAGAGAGAGAAAGGGAGGG
AATGAGGAAGAATGGAGGGAAGAGGCGTACTTAAGGAGGGGGGAGTCTCAGTG
GCAGCTTCCGTAATTTGAGCAGAACTCCTGTCCTCTTTTCGAAATACGCAAAAGC
TTTTGGGTACATGAAGCTCTTTTTGGGAGCGTGGAGTTTACGCTCCAATGCTAGG
GCAGTTTTGCAAGCGGGATACTCTGGGTTCCACATGTTGAGTAAAACCTAAATTT
TCTATTGCCAGTTGGGTTGACAAAGAATTCCTATTATCTAATTTTATTTTTTCTTTT
GGCAAATTTATCATCAATTTCTCCTCTTTTCCAATTTTTTTTATTAAAAAAAAAAAC
CCTCAACAGCATACTTCAACTAAATGATTTGCATGCATAATTGCATATTAGTTTTT
CAAACATCAACAAATAATTGAAGCCTCTAAGACCTCTGTTGTTTCAGCAGAGAATC
AGAATGACATATACTTTTTTCAGCAGGGAATCAGAATGACATATACTTTTGAAT
TTAATTA