

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

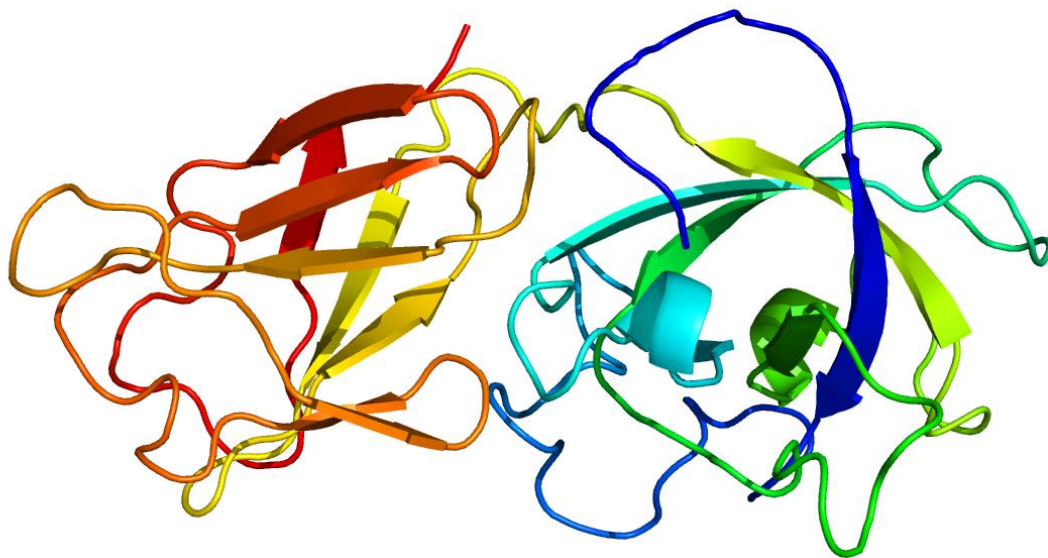
Locus: Ca_22377

Gene Model: Ca_22377

Description: CarEXPA-07

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

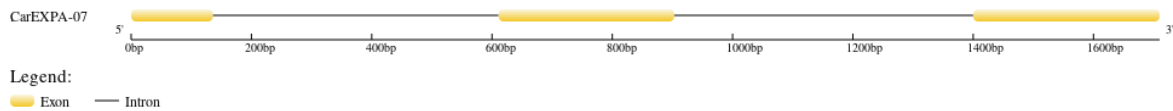
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

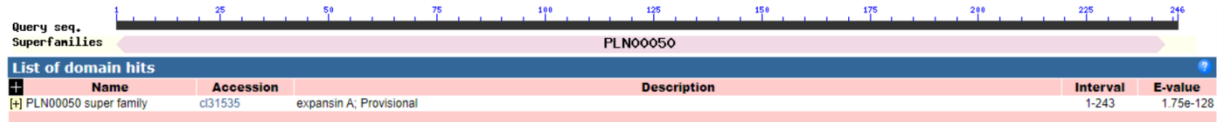
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-07

MSLLGFILLGIFLYK VSHVKGHGGHVSWINAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYS
QGYGTNTAALSTALFNGLSCGACYEIKCVNDPQWCIAGSSIVVTATNFCPPGGWCD
PPNHFFDLSQPIFQQAQYKAGIVPVAYRRVRCRRKGGIRFTINGHSYFNLVLVTVNG
GAGDVHSAIKGSRSRWQAMSRNWQNWQSN SYLNGQSLSFVVTTSNHGSVVSFN
AAPSSWSFGQTYTGRQFNY*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-07

ATGTCTCTTCTTGGATTTATTCTTCTTGGAAATTTTCTATACAAAGTTTCACATGTA
AAAGGACATGGTGGTCATGTGAGTTGGATTAATGCTCATGCTACTTTCTATGGTG
GAAGTGATGCTTCTGGTACAATGGGTGGAGCTTGTGGATATGGAAACCTATATAG
CCAAGGTTATGGAACAAATACAGCAGCATTGAGCACTGCACTTTTCAACAATGGA
TTAAGCTGTGGTGCATGTTATGAAATTAATGTGTGAATGATCCACAATGGTGTA
TTGCTGGTAGCTCCATTGTAGTTACTGCCACTAATTTTGTCCACCTGGTGGTTGG
TGTGACCCTCCAAATCACCATTTTGATCTTTCTCAACCTATTTTCAACAAATTGC
TCAATATAAGGCAGGGATTGTGCCTGTTGCTTATAGAAGGGTAAGATGCAGGAG
AAAAGGTGGAATAAGATTCACAATCAATGGTCATTCTTACTTCAATTTAGTACTT
GTTACTAATGTTGGAGGTGCTGGTGATGTACATTCTGTGGCCATCAAAGGTTCAA
GATCTAGATGGCAAGCCATGTCAAGGAATTGGGGGCAA AATTGGCAAAGTAACT
CTTACCTTAATGGACAAAGTCTTTCTTTGTAGTCACCACAAGTAATGGTCATAGT
GTGGTCTCATTCAATGCTGCCCATCTAGTTGGTCCTTTGGGCAAACATACACCGG
AAGACAGTTCAACTATTA

Nucleotide

>CarEXPA-07

ATGTCTCTTCTTGGATTTATTCTTCTTGGAAATTTTCTATACAAAGTTTCACATGTA
AAAGGACATGGTGGTCATGTGAGTTGGATTAATGCTCATGCTACTTTCTATGGTG
GAAGTGATGCTTCTGGTACAATGGGTATGTATTTATGCTGTGCATAAATAAATGT
AACTAAATTTTTTGTAGTAATTAGATTTATTATGTTCTGAATTGACTTATTTAAAT
TTATCTATTAATATAAATATATATAAGACTATTTGAAAGAGATTATAAAAATAGA
GCTTATAATATATCAATAAGGTGTTCTCATCTTATTTTCGTAAGTTCTAAAAGATG

GTTAATCGAGACAAATTTATAATTTATATGAAAACGCTTAATTAAACTGTTTATTT
AAATATTTTCGCTCTAAGGTTTTTCATTTGCTTAATAACTTTTCTATATATATAAAT
TGTGAAAATAACTTATCTCCTGTATAACTTATAGAAATAACATATAACTTATTTGA
AGATTGTTTCACTTTATTTTATGTTTTTTACAAAATAACTTATATATAAGTAGTTAT
ATGATAAGAAGTTGATTAATATAAGGTTTATAATTAGCTTGAATTGTAGGTGGA
GCTTGTGGATATGGAAACCTATATAGCCAAGGTTATGGAACAAATACAGCAGCAT
TGAGCACTGCACTTTTCAACAATGGATTAAGCTGTGGTGCATGTTATGAAATTAA
ATGTGTGAATGATCCACAATGGTGTATTGCTGGTAGCTCCATTGTAGTTACTGCCA
CTAATTTTTGTCCACCTGGTGGTTGGTGTGACCCTCCAAATCACCATTTTGATCTT
TCTCAACCTATTTTTCAACAAATTGCTCAATATAAGGCAGGGATTGTGCCTGTTGC
TTATAGAAGGTAACCTTCACTTTTTTCATTTTTATTTCTTTGCTCTATTATATTTGAAC
AAATTTGGTTTTGGAAATTTAATTTGGTTCAAATTTAGTTTGACCTAAAATGATT
GATGTTTTGATGTATTTTATCCAATAATAAATTTTCGCGTAAAATTGTGTAATTTTT
TTAATGTAATGCAAAAAGTTACTTTATAATAATTTTTAAAAATCGAACCAAATTG
GATGATTCGACCAATTGAACTGTGAACTAATAATGTCCTTTGATTTGGTTATTTGTG
TGGTTCGACCATGGATTTCGTCTTGATTCAAGTTTTTTAAAGCAGTTGAACTATGAC
CTAGAAGTTTTGTTGGTTCGATGTTTAATTTAGTTTTCAAGTATTTCTAGTCAAAT
CGAGGTTTGAAGACAATTAATTTTGAGCGACACTTACCAAATAAATTCTTAAAGT
ATTTGCTGCAAAACCAAACATGAAGTTGATAATTTTATTTTTGATTTTGGCTTTTG
TAGGGTAAGATGCAGGAGAAAAGGTGGAATAAGATTCACAATCAATGGTCATTC
TACTTCAATTTAGTACTTGTTACTAATGTTGGAGGTGCTGGTGATGTACATTCTG
TGGCCATCAAAGGTTCAAGATCTAGATGGCAAGCCATGTCAAGGAATTGGGGGC
AAAATTGGCAAAGTAACTCTTACCTTAATGGACAAAGTCTTTCCTTTGTAGTCACC
ACAAGTAATGGTCATAGTGTGGTCTCATTCAATGCTGCCCATCTAGTTGGTCCTT
TGGCAAACATACACCGGAAGACAGTTCAACTATTA