

## IDENTIFICATION

**Species:** *Populus deltoides*

**Locus:** Podel.04G184900

**Gene Model:** Podel.04G184900.1.p

**Description:** PdEXLA-01

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

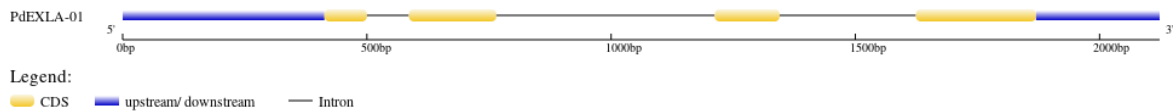
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/PdeltoidesWV94\\_v2\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/PdeltoidesWV94_v2_1)

KEGG:-

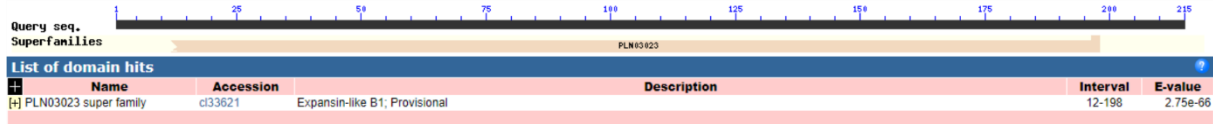
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>PdEXLA-01

MATGFNSGHLAAAVSSLYKDGSGCGACFQIRCKDITLCSREGTRVIVTDLNRNNQTD  
FVLLSSRAFMAMANKDMGRNILKQGIVEVEYKRVPCEYKNQNMAVRVEESSKNSNY  
LAIKLLYQGGQTEVV AIDFAKVGSSNWGFMSRNHGA VWSDSRVPSGALQFRFVITA  
GFDGKWIWARNVLPEDWKPGMTYDSGVQITDIAQEGCSPCDDGIWK\*

### CDS (coding sequence)

>PdEXLA-01

ATGGCGACAGGATTTAACAGTGGACACCTCGCAGCTGCTGTTTCTTCCCTCTATA  
AAGATGGATCTGGATGTGGTGCTTGTTCAGATAAGATGCAAAGACACAACCTTT  
ATGCAGTAGAGAAGGGACTAGAGTGATTGTGACTGATCTCAATCGCAATAACCA  
GACGGACTTTGTTCTTAGCAGCAGAGCCTTCATGGCCATGGCCAATAAGGATATG  
GGTCGGAACATCTTGAAACAAGGGATTGTGGAAGTGGAAATACAAAAGGGTACCT  
TGTGAATACAAAACCAGAATATGGCTGTCCGAGTAGAAGAATCAAGCAAAAAC  
TCAAATTACTTGGCCATTAAATTGTTGTATCAAGGTGGTCAGACAGAAGTGGTGG  
CCATTGACTTTGCCAAGGTTGGTTCTTCGAATTGGGGTTTCATGAGCCGGAACCAT  
GGGGCAGTGTGGGACTCGGACAGAGTTCATCAGGGGCACTTCAATTCAGATTCCG  
TGATAACAGCTGGATTTGATGGGAAATGGATTTGGGCTCGGAATGTCCTGCCTGA  
AGATTGGAAGCCCGGGATGACATACGATTCAGGAGTCCAGATCACCGATATTGC  
ACAAGAGGGTTGCTCTCCATGTGATGATGGGATTTGGAAATGA

### Nucleotide

>PdEXLA-01

AAGTTCATCAAGATATTCAACCTTTTTTATGGGTCTAATGCTGACCTGTAGTCCAC  
ACCGCAGCCATAACTGCCCTATAAATACCTCTGTTATTACTTCCTCCATGTCATCA  
AATATCAATCCTGTTTTTATACGTTTCACTAGCCTCCATTGCTTCATTTCTTTTTCT  
GACATCTTGAAGAACAAAATGGCTATCATTTTTTGTCTTTTTCTGGCTATCTCC  
TATGCTACTGCTTGTGATCGATGTGTCCACCAATCTAAGGTCGCATATTTCTCCAG  
AGCCTCAGCACTCTCATGTAAGGGGGTTCGTGATTTCTTTTTCAATTTTAATTTTTTT  
TATCATAGTTTAATGAGATTTTAAATTGGTAATATTTTTTGTGGTGCAGCTGG  
GGCTTGTGGATATGGTTCCATGGCGACAGGATTTAACAGTGGACACCTCGCAGCT  
GCTGTTTCTTCCCTCTATAAAGATGGATCTGGATGTGGTGCTTGTTCAGGTCAG

CACCGGAGACCACACCACTTGCCTGCTTTACCTCTTGTGGAATTTTCAGTTCATTG  
ATCATGTTATTGTAATTACTCGCAGATAAGATGCAAAGACACAACCTTTATGCAGT  
AGAGAAGGGACTAGAGTGATTGTGACTGATCTCAATCGCAATAACCAGACGGAC  
TTTGTTCTTAGCAGCAGAGCCTTCATGGCCATGGCCAATAAGGATATGGGTCGGA  
ACATCTTGAAACAAGGGATTGTGGAAGTGGAATACAAAAGGTGAGACCACGTAT  
TCAAGGATTTATGTTATCTTAATTATCATGATTGATATTAATCTCTCTGGTTAAGT  
TAATGATCATCTATTTAATTAATCAGCATGATGTTTTATTTCTAGTTGCTTCTTCC  
AGTAATGGTTTGGTTACACCAACCACAAGAAGAAATCAATATGGCATGGACAAA  
CTTCATATAATTTTATACAGTAAAGTTGGTCCAGTTCCGTGGGACAGAGAACCAG  
GACAATAAATGCTAGTAACGGTCAAATAGGTTGTCCACAAAATCATAGGTAACAT  
GACTATGACTAATGGGGATTTGCATGAATTTAGACAGCTAGCATTGTCCACGTTT  
TAGGGTTCATTGCTAAAGAATTATTATGTAAACACAAAAAAAAAAATTTGTCAGA  
AAAGTGATCTTATGCTAATTTGAATCTGCTTTGTTTCATTGATCAGGGTACCTTGT  
GAATACAAAACCAGAATATGGCTGTCCGAGTAGAAGAATCAAGCAAAAACCTCA  
AATTAATTGGCCATTAAATTGTTGTATCAAGGTGGTCAGACAGAAGTGGTGGCCA  
TTGACTTTGCCAAGGTTAGCTTGAACCTACCCCAATGGAGTGTATTACGGCAGCA  
TTTAGAATTACTTACTTTTTAAAGTTTTTTTTATTTAAAAATATACTAAAATAATAT  
TTTTTTTTATTTTTTAATTTATTTTTAATATCAGCATATTAATAATTATTTAAAAATA  
AAAACAAATAAATTTTTATGACATATCATATCATTTAGACCTCATTTTCAAACCGT  
GTTTACACGTGCCAATGCAATTCTTAAACTTGTGCTGACTTTTGGATGGTTTTGCT  
AAATTTTCATAGGTTGGTTCTTCGAATTGGGGTTTCATGAGCCGGAACCATGGGG  
CAGTGTGGGACTCGGACAGAGTTCATCAGGGGCACTTCAATTCAGATTCGTGAT  
AACAGCTGGATTTGATGGGAAATGGATTTGGGCTCGGAATGTCCTGCCTGAAGAT  
TGGAAGCCCGGGATGACATACGATTCAGGAGTCCAGATCACCGATATTGCACAA  
GAGGGTTGCTCTCCATGTGATGATGGGATTTGGAAATGAGGGTCTTGCCTTCCCA  
CTAATGTGAATATCTCTACGCATAGAGTTCGGTCTCTGATATCATTCTACACGACA  
GAACTAAATAATGTAGAAGAATAGTATAAAGTTAGCACTATATATTATAGTATTA  
GCCACTACGCTTCAATGTTCTTTTCTTCTTTTTTTCTTGCCTTGTGAGGAGGGCA  
TGTCTTGCTTGTGTTAACATATTTCTTCTTCTACCCCAAGTAAATAAATGCTGTCC  
CTCTCTCTTTCA