

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

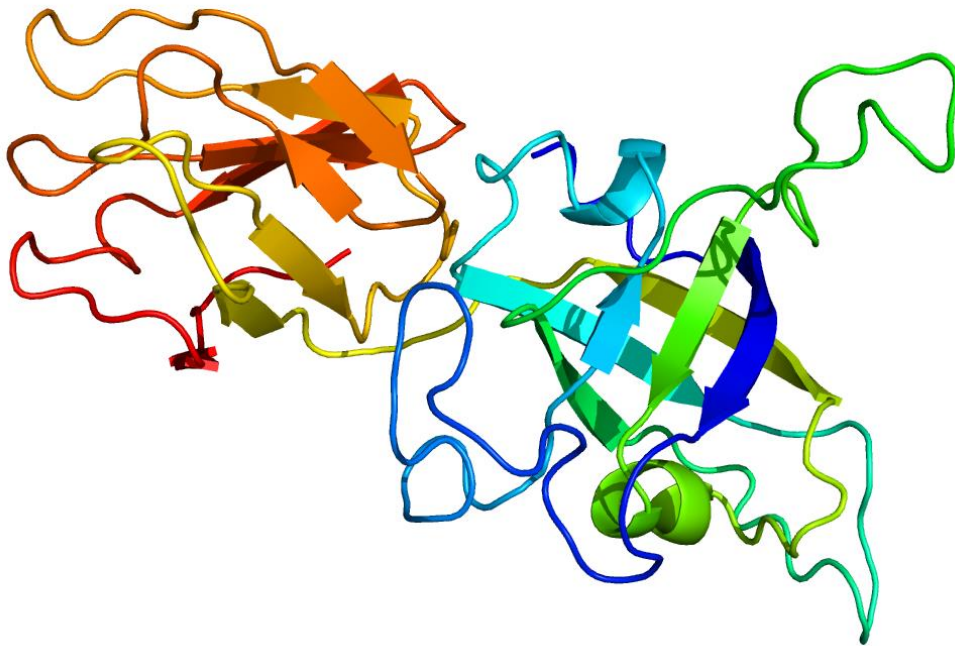
Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA27273

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA27273

Description: TprEXPA-03

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

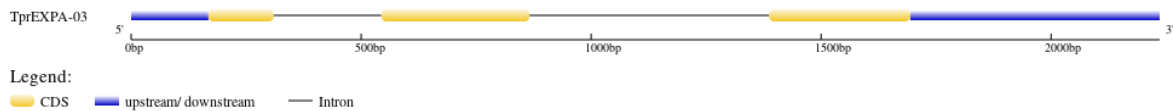
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

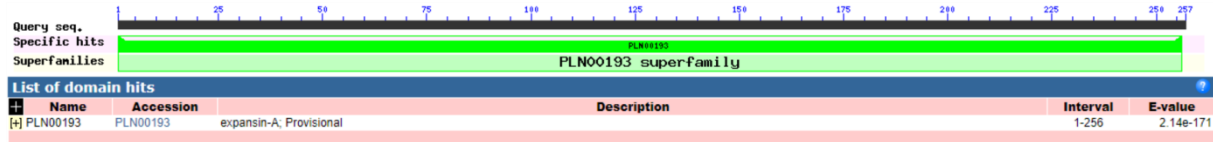
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXPA-03

MTKLIMFILGTLIGLCCFTLNSYAFIASGWNKGHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLY
SAGYGTRTAALSTALFNDGASCGECYKIICDYKTDPRWCIKGRSITITATNFCPPNFDL
PNNDGGWCNPPLKHFDMAQPAWEKIGIYRGGIIPVLYQRVPCKKHGGVRFVTVNGRD
YFELVLISNLGAAGSIQSVSIKGSKTGWMSMSRNWGANWQSNAYLNGQSLSFKVT
TDGVTRSFQNIIVPSNWAQFGQTFSSKLQF*

CDS (coding sequence)

>TprEXPA-03

ATGACCAAACCTTATTATGTTTATTTGGGCACCCTCATTGGATTATGTTGTTTCAC
ATTAAATTCCTATGCTTTCATAGCTTCAGGATGGAATAAAGGCCATGCCACATTTT
ATGGCGGCAGTGATGCCTCAGGCACTATGGGAGGGGCTTGTGGTTATGGGAATCT
GTATTCAGCAGGGTATGGGACAAGAACAGCTGCATTGAGTACTGCTTTGTTAAT
GATGGAGCTTCTTGTGGGGAATGTTACAAAATTATTTGTGATTATAAGACAGATC
CAAGATGGTGCATAAAAGGAAGATCTATTACCATAACAGCCACAAATTTCTGCC
TCCTAATTTTGATCTTCCTAACAAATGATGGAGGATGGTGCAATCCACCTCTCAAGC
ATTTTGATATGGCTCAACCAGCTTGGGAAAAAATTGGAATCTACAGAGGAGGGAT
CATCCCTGTCTTATACCAAAGGGTACCTTGTA AAAAGCATGGAGGAGTTAGGTTC
ACTGTAAATGGGAGGGACTATTTTGAGCTAGTGTGATCAGCAATCTAGGTGCTG
CTGGATCAATTCAATCTGTATCCATTAAGGCTCCAAAACAGGTTGGATGTCTAT
GTCAAGAAATTGGGGTGCTAATTGGCAATCAAATGCTTATTTGAATGGTCAATCT
TTGTCTTTCAAAGTCACAACCACTGATGGAGTAACAAGATCTTTCCAAAATATTG
TTCCTTCTAATTGGGCATTTGGTCAAACCTTCTCTAGCAAGCTCCAATTCTAA

Nucleotide

>TprEXPA-03

ACTACCTCACTCACATGTGCCATCCTTGCCTTAGGCATTCTAATTCCTTATTTAAA
CACAAACATTTTGTGCTTTCAAACCACAATTAATGTAAATACAAAATCTTAAATT
GCATTGTTGTATCCTTTTTCACTTGGGATTTTAAGCATTGAGCAATCAAGAACAA
AATGACCAAACCTTATTATGTTTATTTTGGGCACCCTCATTGGATTATGTTGTTTCA
CATTAAATTCCTATGCTTTCATAGCTTCAGGATGGAATAAAGGCCATGCCACATTT

TATGGCGGCAGTGATGCCTCAGGCACTATGGGTAAGCCCTTGTC AATGTTCTATT
AATAGTAGTTTTTTGCTATTTCTGCGACCACAATTGAGATCACAATTAATTGTATTT
TATCGCGACACCAGTGTGATTTACTCTCTTTAGTTCTTATTATAAAAAGAAGTTTAT
TTTTAGATTCACTGAATGAATGATTAATGTATGTATCTAGTAGTCTATGATCTACA
AAGATTGAGTTTTTTCTTTGTGATATATGTGTGTGTGATGCAGGAGGGGCTTGTGGT
TATGGGAATCTGTATTCAGCAGGGTATGGGACAAGAACAGCTGCATTGAGTACTG
CTTTGTTTAATGATGGAGCTTCTTGTGGGGAATGTTACAAAATTATTTGTGATTAT
AAGACAGATCCAAGATGGTGCATAAAAAGGAAGATCTATTACCATAACAGCCACA
AATTTCTGCCCTCCTAATTTTGATCTTCCTAACAATGATGGAGGATGGTGC AATCC
ACCTCTCAAGCATTTTGATATGGCTCAACCAGCTTGGGAAAAAATTGGAATCTAC
AGAGGAGGGATCATCCCTGTCTTATACCAAAGGTTAGAATTTAAACTTGTACTAT
ATCTTTCTCTTGGTTTAAACAATTAATTAATAATGTAACAATATTAATGTCATTAAT
AAGATCAATGACATGTTAAAAATACTATTGTCAAGAAAAGTGATATTTTTTACACA
AAAATGTGACAACAAATTAGATGATTGATGCAGTTTAAATATGTGATTAACATAG
TTTATTTGATAGTTAATGAACATAATAAAGAGTTACAACCTCATTGTAACATGCGT
ATAGCTCAGTTGGTTGAGACATTATTGCATATATTATGCAGATACTCCAGATATT
TGAAAAC TGTGGT TACTGACGCTCAAAGTCGTAGTTAACTGTGTTTCGGTTGATGA
TTAATAAATTGTGACATTGATATATTCATTAATGCCGTCTAGTGAACATAATTAAC
TGCATATTCGACCTGTGTTACTTAAATTTGTGTCAAATAACACAACCTCGGTTGAG
AAACCATGCAATCAATGATGTATATCAACTTACAATTAATGATATTTTGGACAGG
GTACCTTGTA AAAAGCATGGAGGAGTTAGGTTCACTGTAAATGGGAGGGACTATT
TTGAGCTAGTGTTGATCAGCAATCTAGGTGCTGCTGGATCAATTC AATCTGTATCC
ATTAAAGGCTCCAAAACAGGTTGGATGTCTATGTCAAGAAATTGGGGTGCTAATT
GGCAATCAAATGCTTATTTGAATGGTCAATCTTTGTCTTTCAAAGTCACAACCACT
GATGGAGTAACAAGATCTTTCCAAAATATTGTTCCCTTCTAATTGGGCATTTGGTCA
AACTTTCTCTAGCAAGCTCCAATTCTAAATAAGGACACTCTAAAGTTATGGGTTT
AATTTTTGATTCAAGATTTTTTACATAATCGATTATCAGAACGGCTGAGGCGTGCTT
TTTTTTTTATTTGATTGGAGCAGCCCGCCACCCCTATTCTGGTTTGGTGGATGGATT
AACTCATCAAGTTCAAGCCCTTAATTAATTGTGCCACGTGGCTTCCATGAATTGT
TATTCTTATCAATTATAACAATCATCATCATCATATTAATTTGAAACTTCTGTCT
CAAGTCTCAAGCATGTAGAAATTAATAAGCATTTTTCAAGTTTATATATTTTATAG
TATAAAATCATGAATAGTACTATTGTTCTAGTTCTAGCTTCTTTTTTTTTGGACGGA
TACTATTGTTCTAGCTGTACTGATAAGTTGGGAAATTATTGATTTCCTAAGATATT
TCAATTAATATAGTGTGTTGGTTGTCAC TTTTATGTTATGTATTCAATTCTATCAAG
CTTTTGAAATTGAGAAAAAGTTCATGATGTTACTACGAAGTAGCGAATAACTTAG
TCAAATGCAA