

## IDENTIFICATION

**Species:** *Prunus persica*

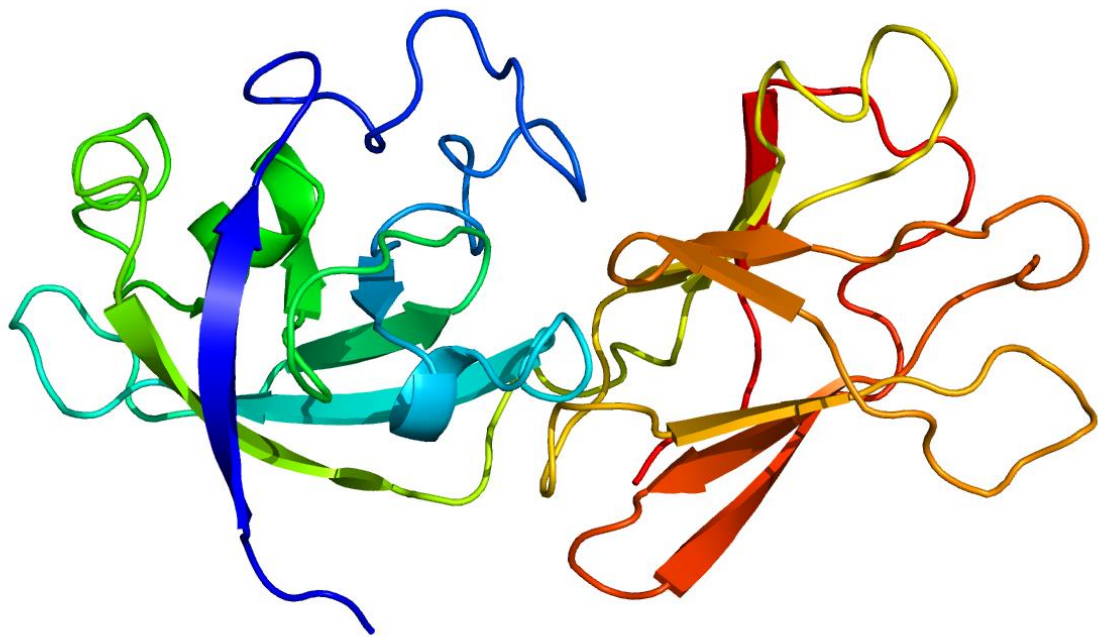
**Locus:** Prupe.5G057900

**Gene Model:** Prupe.5G057900.1.p

**Description:** PrpEXLB-03

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

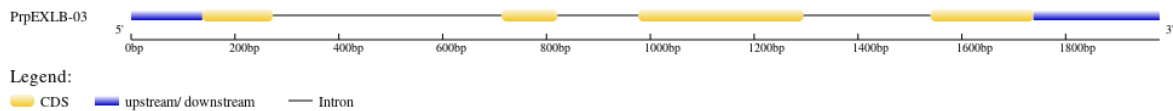
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ppersica\\_v2\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ppersica_v2_1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03092>

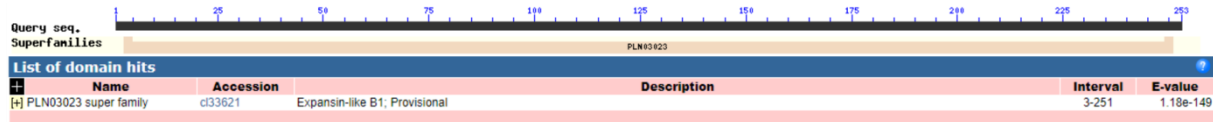
## EXTERNAL RESOURCES

[https://www.rosaceae.org/species/prunus\\_persica/genome\\_v2.0.a1](https://www.rosaceae.org/species/prunus_persica/genome_v2.0.a1)

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>PrpEXLB-03

MEFSLKHKICFLCIMVLLPALCTSQDTFTSSRATYYGSPDCYGTPTGACGYGEYGRTV  
NDGQVA AVARLYRNGTGCGACYQVRCREPQHCSSDGVNAVVTDYGEGDRTDFIFS  
RRAYAKLASNPAAAERLFAYGVVEIEYRRIPCRFSGRANLEFKVHEQSRYPDYLAIVI  
QYVAGQNDIISVELWQEDCKQWRAMRRAYGAVFDTPNPPSGSLNLRFLVSGSAGVK  
FVQANQVIPGDWKAGVSYETDIQLN\*

### CDS (coding sequence)

>PrpEXLB-03

ATGGAATTTTCCCTTAAGCACAAAATTTGTTTTCTTTGTATCATGGTGCTCTTGCCT  
GCACTGTGTACCTCTCAAGACACATTTACAAGCTCTAGAGCAACCTATTATGGTA  
GCCAGATTGCTATGGGACCCCAACTGGAGCTTGTGGCTATGGAGAATATGGAAG  
GACAGTCAACGACGGCCAAGTGGCCGCAGTTGCTAGGCTGTATCGGAATGGAAC  
TGGCTGTGGTGCATGTTACCAGGTTAGGTGCAGAGAACCTCAACATTGCAGTAGT  
GATGGGGTGAATGCGGTGGTGACAGATTATGGGGAAGGAGACAGAACAGACTTC  
ATCTTCAGCCGAAGAGCCTATGCAAAGTTGGCAAGTAACCCAGCTGCAGCTGAA  
AGGCTATTTGCTTATGGTGTGGTTGAAATTGAATACAGAAGGATCCCCTGCCGGT  
TCTCTGGTCGTGCCAACCTTGAGTTCAAAGTCCATGAACAGAGCAGATATCCTGA  
CTATTTGGCTATAGTGATTCAATATGTAGCTGGCCAAAATGACATCATATCTGTTG  
AGTTGTGGCAGGAGGATTGCAAACAATGGAGGGCCATGCGCAGAGCATATGGAG  
CAGTTTTTGACACTCCAAACCCACCTAGTGGCTCCCTTAACTTGAGGTTCCCTAGTG  
AGTGGCAGTGCAGGGGTGAAATTCGTGCAGGCCAAACCAAGTCATCCCTGGAGAC  
TGAAAGCTGGGGTTTCCTATGAGACAGACATTCAGCTCAATTA

### Nucleotide

>PrpEXLB-03

ACTATAAATATTGGACTCAGCTATCTTTGCTCTCACAACCTCTCCTCCTAAACCCTT  
TGGCTTAATCTACTTGATCAGCTTCCTTTTTCTACAATTAACCTCCTCTCATTGCTT  
AGGAACTTTGTCATCACTGAGACATGGAATTTTCCCTTAAGCACAAAATTTGTTT  
TCTTTGTATCATGGTGCTCTTGCCTGCACTGTGTACCTCTCAAGACACATTTACAA  
GCTCTAGAGCAACCTATTATGGTAGCCAGATTGCTATGGGACCCCAAGTATGTA  
TAACCTTTCCTACTAAATGTAAACATTCATTCATGTGTATGTCATGTTGCTAGACT

ATTTATCATGAGCATTATTAAGTAGAATATTGTTTGAGCACGTGATCTTGATTGAT  
CCGACGCGGCAACTTGTCTTGCAAAAATAAATATTCTCTAGTCATACTTATGTTTC  
GAGTCAAATACTTTTGTACTAGACTGTGGACTTGGCCACGTAGTCTGGATACAA  
CTAACCTCATTAATGATTTTCACAGTTTAACAAGATAAGCATCTTATGATGTCAA  
TAGTATGAAAAGAAAACATTATCATGCATGCACGAAGACTACACATTAAGTTACC  
TATTTGGTAGCAAAATGATAGTAGCGACTAAAAGTTCCTAAATAGTATTTATCAT  
CTTGAAAATGGGGTAGTTACTAATTGCAATGGTATGCTCATGTAGCTGGAGCTTG  
TGGCTATGGAGAATATGGAAGGACAGTCAACGACGGCCAAGTGGCCGCAGTTGC  
TAGGCTGTATCGGAATGGAAGTGGCTGTGGTGCATGTTACCAGGTACTCTTGAAT  
CTACTCGATCATTTTTTAACAAGTTGATGAACACTAATTATGTTGGTTAGCACTAA  
CAATATTAACAATTAACAAGTGGCTCCATTAATTTAATTGTAACCCTAATTAA  
TTTGCTTAATCAAGTCTTTCGCTTGTGATTCAGGTTAGGTGCAGAGAACCTCAACA  
TTGCAGTAGTGATGGGGTGAATGCGGTGGTGACAGATTATGGGGAAGGAGACAG  
AACAGACTTCATCTTCAGCCGAAGAGCCTATGCAAAGTTGGCAAGTAACCCAGCT  
GCAGCTGAAAGGCTATTTGCTTATGGTGTGGTTGAAATTGAATACAGAAGGATCC  
CCTGCCGGTTCTCTGGTCGTGCCAACCTTGAGTTCAAAGTCCATGAACAGAGCAG  
ATATCCTGACTATTTGGCTATAGTGATTCAATATGTAGCTGGCCAAAATGACATC  
ATATCTGTTGAGTTGTGGCAGGTAAACTATACTTCACTTGGAAATGCTGCTTCAATT  
TAAACTTAGAACCTCTTCTAATAAAGTGTAAGCTGGCATGGTGTTACTAGGCCAA  
AAGGTCATTGACAACCGAATATGCATCTCTAACATAGACGAGACTTACTTAATAT  
CTCTATACAATGTGATTTATTAATACGATTTATAATGTAGTACGTAAATGTGATAC  
ACATAGCATTACTCGTCTAATATAATATGTTTTTTTTGGGGCAGGAGGATTGCAA  
ACAATGGAGGGCCATGCGCAGAGCATATGGAGCAGTTTTTTGACACTCCAAACCC  
ACCTAGTGGCTCCCTTAACTTGAGGTTCCTAGTGAGTGGCAGTGCAGGGGTGAAA  
TTCGTGCAGGCAAACCAAGTCATCCCTGGAGACTGGAAAGCTGGGGTTTTCTATG  
AGACAGACATTCAGCTCAATTAAGTGCACATGTTTTGAGATCATCCCAAACCTTTT  
ATCCAAATATTAGAACAGAAATTTTCGTGTTGGTTAATATATTATAATTATTCCATG  
TAATGCTAGTTGCTTGCTTGTCATGTCTAGGAGATGTATTAAGTATTGTTATTGTA  
TGCTGGGTAGGAGCAAGTGCACCTGGCTTGCCCCCATTTAGTGGGATGTTGTA  
CTTTCAATTTGTGAGGATATAATATGAATAAAGTTCCAACCTTTT