

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

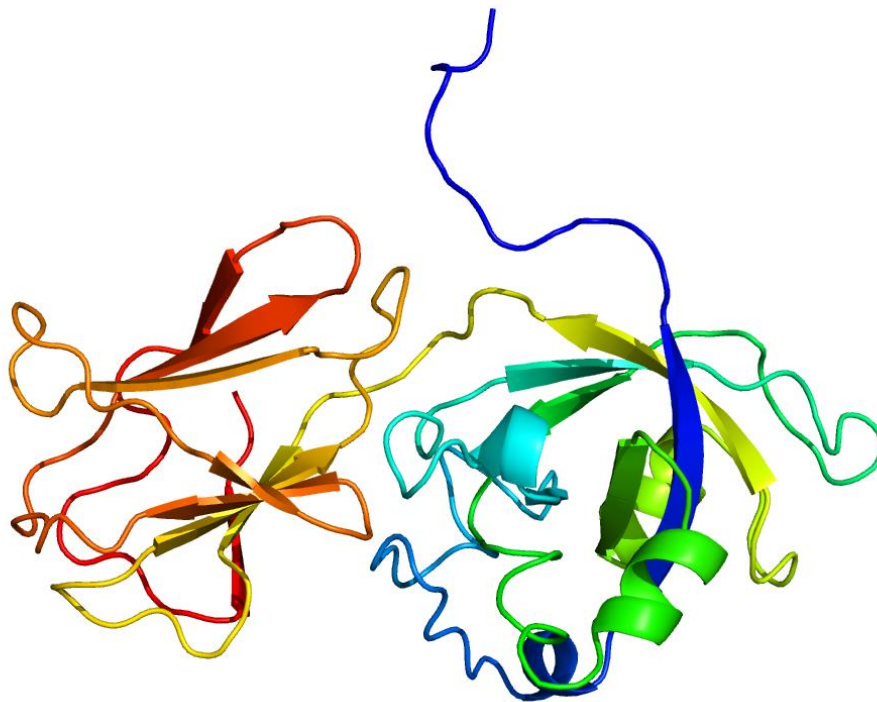
Locus: AUR62021584

Gene Model: AUR62021584

Description: CqEXPA-17

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

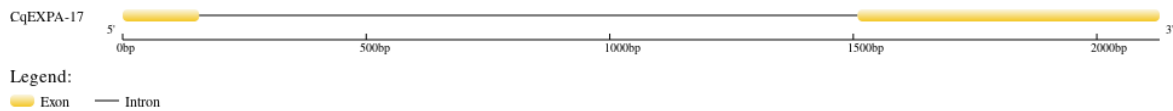
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

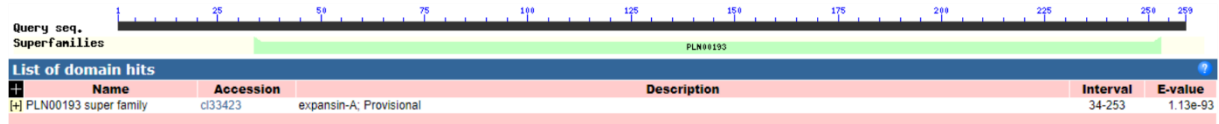
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXPA-17

MGDSQLLAGYYVVLGLIFVTTKGSNDINHGGHGWHF AHATFYGDINGGDTMYGAC
GYGDLFKQGYGLETAALSTALFNDGAACGACFQITCIDSKWCKQGARPIRV TATNFC
PPWYEETPQAWCNPPRKHF DLSPMFLKIAEYKGGIVPVLYRKVKCHKKGGVKFEL
KGNSYWLMVLVYNAGGVGDVAGVNIKGSKTSWTQMTRNWGQNWQ TWTRLDGQS
LSFQVSTSNGKTFQFNEVVPADWQIGRTYESRKNMH*

CDS (coding sequence)

>CqEXPA-17

ATGGGTGATTCTCAATTATTAGCTGGTTATTATGTAGTAATATTAGGGCTAATTTT
TGTTACA ACTAAGGGATCAAATGATATCAATCATGGTGGACATGGCTGGCATTTC
GTCATGCAACGTTTTATGGTGATATTAACGGCGGCGATACCATGTATGGTGCAT
GTGGGTACGGTGACCTATTCAAGCAAGGTTATGGTCTAGAAACAGCAGCACTAA
GTACAGCACTCTTCAACGATGGAGCTGCTTGCGGAGCGTGCTTCCAAATAACTTG
CATAGACTCAA AATGGTGTAAGCAAGGGGCTCGTCCAATTTCGAGTAACGGCCACT
AACTTTTGCCCTCCATGGTATGAAGAAACACCGCAAGCATGGTGCAATCCACCAC
GAAAACATTTTCGATTTATCGATGCCTATGTTCC TAAAGATTGCGGAGTACAAAGG
CGGTATTGTTCCGTTCTTTATAGAAAGGTGAAATGCCATAAGAAAGGAGGTGTT
AAGTTTGAGCTTAAAGGAAATTCATATTGGTTGATGGTTTTGGTTTATAATGCTGG
TGGTGTAGGGGATGTTGCTGGGGTGAATATTAAGGATCAAAAACAAGTTGGAC
ACAAATGACCCGTAATTGGGGGCAA AATTGGCAA ACTTGGACGAGGTTGGATGG
TCAAAGTCTCTCATTTCAAGTGTCTACTAGTAATGGTAAGACTTTTCAATTTAACG
AAGTGGTACCAGCTGATTGGCAAATAGGTCGTACATATGAGAGTAGAAAAAATA
TGCATTAG

Nucleotide

>CqEXPA-17

ATGGGTGATTCTCAATTATTAGCTGGTTATTATGTAGTAATATTAGGGCTAATTTT
TGTTACA ACTAAGGGATCAAATGATATCAATCATGGTGGACATGGCTGGCATTTC
GTCATGCAACGTTTTATGGTGATATTAACGGCGGCGATACCATGTGTAAGTTTTTC
TTGTTTGTCTACTACAGTATAATATTAGTAAACATACATGTTGGTTATGCAATTTG
AATTAGTAACGTGTCAACTAATAAATTTGGATGGAAGGAGTATCGACTACCATT

GTTTTGTTGGGTTTATGTTTGTATTTCAAGGATTATCTTATTAATATTATAATTGTA
AATCTTATTAATTCATGATGTTTGTATAAAATTTGTGCTTGTTTAAATTAATGAGT
GTTTTTGAATCAGATTTGTGCAATGCAATTTTTATCTAAATGTCATTAACCAGAT
ACTCCCTTCGTTTCACAATGTTAATTCATATGGAATCAATCATACTACCTCCGTT
TTTTTTTTATGTGCAACTTTGGAATATTTTATGTCTCACAAATATTCCTCAAAGTTG
CACATAAAAAAACGGAGGTAGTATAAAATAAGAAAAGAAGAATATTTGGAATC
TAACATTAAGTACAAAATAAATCATAATTAGTTTACCTTATTTAAATTTTTAAAA
TTCTTTTTTTGGGAAAGTGTAAGTCATAATTGTATAATTCAAATTAGAGATTTCT
TACTTAGAGTTATGTCATCAATCCACAAACAATTAATTCTAAAAAATTAAGTTA
AAAATGAAACATATTCAATATGGGTGGATCTTTTTTAAACACCCAAACTAGTATA
TGGGACTAACATTATGAAATGGATGGAGTGATATTTATTTGTAAAAATGAATTGG
AAAAAAAAAAAAATGTAGTGACACTAAATGTTGGTGAACATAGGATGTATTTTCA
ATTTATAACTGATTTTAAATGTCTTAGTTGTTTTGTTTTTAAAAATATAATTATAGGTT
CTTGATTTTCGAACTGTGCATCTTTTTAGTTATGGTATGAATCTTGTGACGCGGAGT
AATTTTTGTGAGGTACAATACCTACACTTTCTCTTGCTTTTTTTTTCGCATATTGTT
AAATTTTTGTGCAAATTAATTCATTTGTTAAAAGTCATCAGCAACAATGCAACA
TAAATACCTGGTATGATGTAATTTTTTTTTGTTTTTTTTATCAGGCGGTATGATGTA
AAATTTACCAAAGAAAAATGGATATTTTGACTTTTTTTTTGTGTTCCACCCGGTCA
TCTTATGGGTAAATCCGGATTTGGGGTTCAAATCTGGGTGGTTAGGGTCCTTCCTA
CCAAGTGCAGCCCAATTACCACTGCACCAACATTCAATTTTTAATAGTTGTGAA
TAATACACTAGCCAAACGTTCCATTAGTCCTTACATAAATGTTATAGCAAATGA
TGATGTGGTTACAATTAACCATATAATTAACTTTTTCATGCATGAATTTAATATACA
CAGATGGTGCATGTGGGTACGGTGACCTATTCAAGCAAGGTTATGGTCTAGAAAC
AGCAGCACTAAGTACAGCACTCTTCAACGATGGAGCTGCTTGCGGAGCGTGCTTC
CAAATAACTTGCATAGACTCAAAATGGTGTAAAGCAAGGGGCTCGTCCAATTCGAG
TAACGGCCACTAACTTTTGCCCTCCATGGTATGAAGAAACACCGCAAGCATGGTG
CAATCCACCACGAAAACATTTTCGATTTATCGATGCCTATGTTCTTAAAGATTGCG
GAGTACAAAGGCGGTATTGTTCCGGTTCTTTATAGAAAGGTGAAATGCCATAAGA
AAGGAGGTGTTAAGTTTGAGCTTAAAGGAAATTCATATTGGTTGATGGTTTTGGT
TTATAATGCTGGTGGTGTAGGGGATGTTGCTGGGGTGAATATTAAGGATCAAAA
ACAAGTTGGACACAAATGACCCGTAATTGGGGGCAAAATTTGGCAAATTTGGACG
AGGTTGGATGGTCAAAGTCTCTCATTTC AAGTGTCTACTAGTAATGGTAAGACTTT
TCAATTTAACGAAGTGGTACCAGCTGATTGGCAAATAGGTCGTACATATGAGAGT
AGAAAAAATATGCATTAG