

## IDENTIFICATION

**Species:** *Mimulus guttatus*

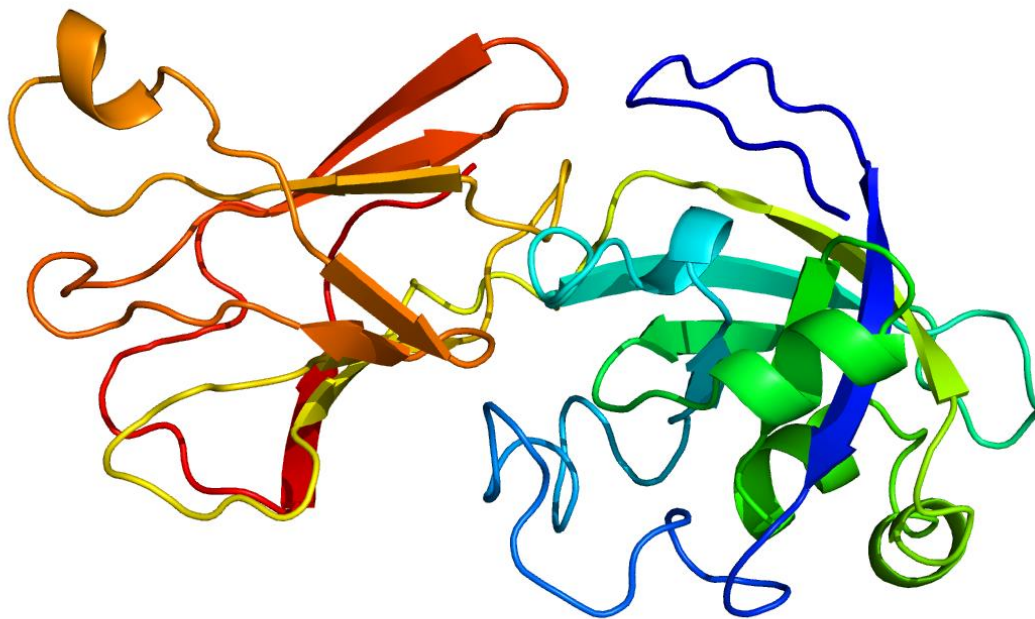
**Locus:** Migut.F00505

**Gene Model:** Migut.F00505.1.p

**Description:** MgEXPB-03

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

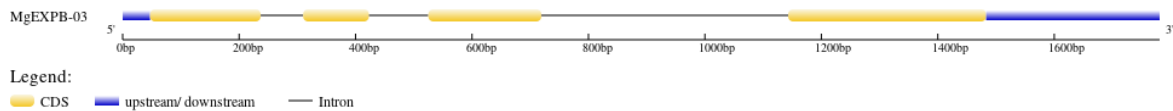
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus\\_v2\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0)

KEGG:-

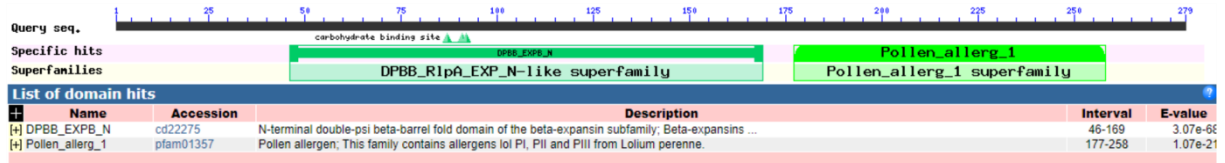
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MgEXPB-03

MATISVSQILTTSLIVLCFFLFNNKLCIALKSHKHSNHSSTRSSRWYTAGATWYGAPD  
 GAGSVGGACGYGNIVEEAPFSSLVTGIGPSLYKSGKECGACYQVKCTKHPSCSKKAV  
 RVVITDFCPGGVCLSDVAHFDSLGTAFGAMAKPGQDNNLRDAGVLQIRFARVPCDY  
 SGEKVAFAQIDMGSNPNYIAMVIEYEGGDGLIRVDLQESGSGQTAGDWWAMNQS  
 W GAVWQLNPGKELHPPFSIRLTSRYSGRVLIKDVIPITGWQPGATYRSVVNFV\*

### CDS (coding sequence)

>MgEXPB-03

ATGGCAACAATTAGTGTAAGTCAAATATTGACCACTTCACTAATTGTCTTGTGTTT  
 TTTCTTGTTCATAACAAATTATGCATTGCCTTAAAATCACACAAACACTCCAATC  
 ACTCTTCCACCAGATCTTCTCGCTGGTATACCGCCGGAGCAACTTGGTACGGCGC  
 CCCCAGATGGTGCCGGAAGTGTTCGGAGGAGCATGTGGTTATGGAAACATAGTGGA  
 AGAAGCTCCATTTTCTTCACTTGTACTGGGATTGGTCCATCACTCTATAAATCTG  
 GCAAAGAATGTGGAGCTTGCTACCAGGTAAAATGTACGAAGCACCCATCGTGCTC  
 GAAAAGGCGGTGCGCGTGGTTATCACGGACTTCTGCCCCGGAGGAGTGTGCCTG  
 TCGGACGTAGCGCATTTTGACCTAAGTGGAAGTGCATTTGGTGCCATGGCCAAAC  
 CCGGCCAAGACAACAATCTTCGTGACGCTGGAGTTTGGCAAATTCGATTTGCTCG  
 TGTTCCATGTGACTATTCGGGGGAAAAGTTGCGTTCCAAATTGATATGGGGTTCG  
 AACCTAATTACATCGCTATGGTGATCGAGTACGAAGGAGGTGACGGTGACCTAA  
 TCCGTGTCGATCTCCAAGAATCCGGGTTCGGGTCAAACCGCAGGCGACTGGTGGGC  
 AATGAACCAGTCTTGGGGAGCGGTTTGGCAGTTGAATCCGGGCAAGGAACTGCA  
 CCCTCCGTTTTTCGATCCGGTTGACTTCTCGGTATTCGGGTTCGGGTCTAATTGCCA  
 AAGATGTGATTCCCACCGGTTGGCAACCGGGTGCCACCTATAGGTCCGTGGTCAA  
 CTTCGTTTGA

### Nucleotide

>MgEXPB-03

CAAAAATCTATACATAGAAATATATATCTAAATTGAATAAAAAAAAAAATGGCAA  
 CAATTAGTGTAAGTCAAATATTGACCACTTCACTAATTGTCTTGTGTTTTTTCTTGT  
 TCAATAACAAATTATGCATTGCCTTAAAATCACACAAACACTCCAATCACTCTTC  
 CACCAGATCTTCTCGCTGGTATACCGCCGGAGCAACTTGGTACGGCGCCCCCGAT  
 GGTGCCGGAAGTGTTCGGTACGTAATTCTTTGTATTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATA

ATAAACATTAAAATGGAATGAATTGCATGCAGGAGGAGCATGTGGTTATGGAAA  
CATAGTGGAAGAAGCTCCATTTTCTTCACTTGTTACTGGGATTGGTCCATCACTCT  
ATAAATCTGGCAAAGAATGTGGAGCTTGCTACCAGGTAATAATTTTATTTTATTTT  
ATTTTAAATTTTAAATATTATATAAATAATAATAATAAAGCTTGTTTTATTAGATT  
TGAATTTGTTTGGGGCGCATGCAGGTAATAATGTACGAAGCACCCATCGTGCTCGA  
AAAAGGCGGTGCGCGTGGTTATCACGGACTTCTGCCCCGGAGGAGTGTGCCTGTC  
GGACGTAGCGCATTTTGACCTAAGTGGAAGTGCATTTGGTGCCATGGCCAAACCC  
GGCCAAGACAACAATCTTCGTGACGCTGGAGTTTTGCAAATTCGATTTGCTCGGT  
TAGTTTTATTAATTATTATATATCACACACACACCTAATAAAAAAACCTAATTA  
ATTGACCTAATCTTTAAAAAATCAATTACATGACGTTATTCAAGAAACCTATAT  
GAATAAATAAATAAAAATTTGGATATTATTTTTTTGGAGTGTTGCATGCACCGTCTAC  
TTTTGTTTATACATGGAGCTTATTGCATTCGGCACCTTTGTATTTTTTTTTAATTAT  
TAAAAGATCCCATGTATTATTACATTGACGTACAAAATGCCCTTATGCAACGTT  
TTTAAAATATATATTTTTTTGTCAATAGTATAAGATATGGAGTTTTTTTCGAATTC  
AATATAACATAAGGTATAAAAATTCAATAAACTCTTGTTTATATATTGAAGATAAT  
TATTTATGTATTATAATTTTGTCTAATATGTAGTGTTCCATGTGACTATTCGGGGG  
AAAAAGTTGCGTTCCAAATTGATATGGGGTTCGAACCCTAATTACATCGCTATGGT  
GATCGAGTACGAAGGAGGTGACGGTGACCTAATCCGTGTCGATCTCCAAGAATCC  
GGGTCGGGTCAAACCGCAGGCGACTGGTGGGCAATGAACCAGTCTTGGGGAGCG  
GTTTGGCAGTTGAATCCGGGCAAGGAAGTGCACCCTCCGTTTTTCGATCCGGTTGA  
CTTCTCGGTATTCGGGTTCGGGTCTAATTGCCAAAGATGTGATTCCCACCGGTTGG  
CAACCGGGTGCCACCTATAGGTCCGTGGTCAACTTCGTTTGACTATAAGTATCAA  
AGTGTCTATTATTTATAAATTAATATTGAGAGTTTGTTTTGATTAATGTTTTTATA  
AATTAGTTTTTTGTTTTTCAATTAGTATAGGTTATTAAGTGTGTAGCTTCCAATGC  
AATTTAATTTCAAGATTGCATGAGGGATGCGTTTTAAGATGTGTGGGAGTGTGT  
GTGTGTGTGTGTGTGTGTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAAATAT  
TCAACATGAATATATAATCCTCAATTATTTTTTATGTATTTTTATGAATAAATGG  
ATTTTGT