

IDENTIFICATION

Species: *Olea europaea*

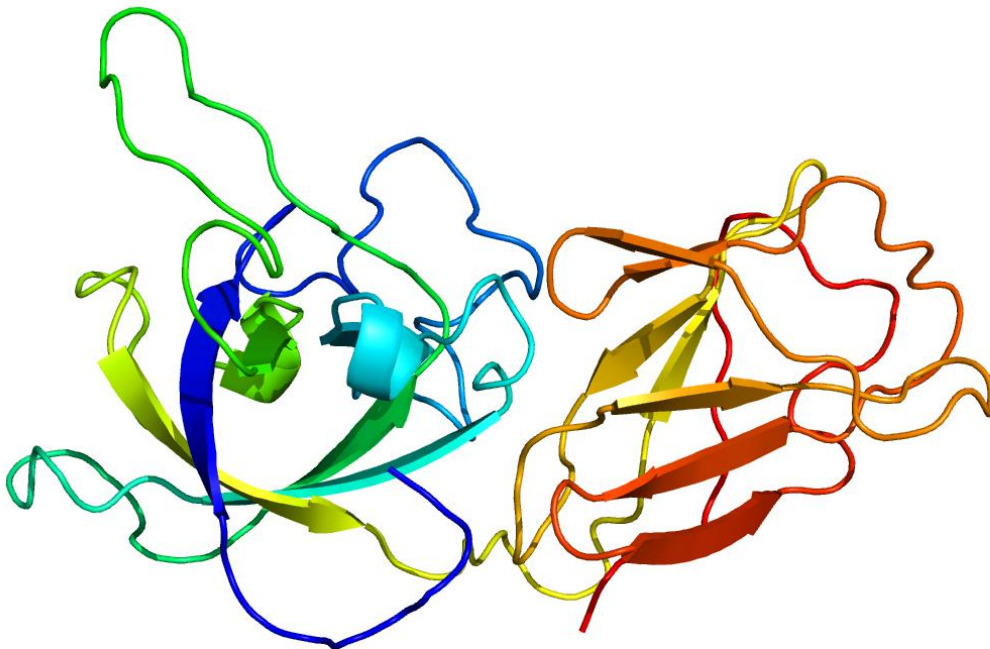
Locus: Oeu028275

Gene Model: Oeu028275.1

Description: OeuEXPA-12

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Oeuropaea_v1_0

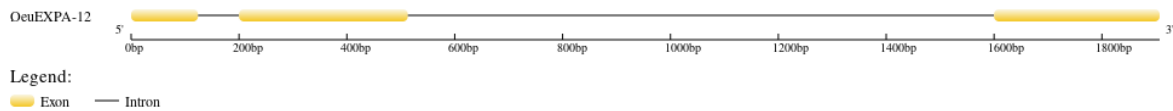
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05244>

EXTERNAL RESOURCES

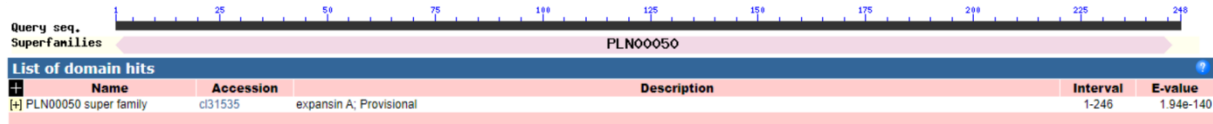
<http://olivegenome.org/>

<https://genomaolivar.dipujaen.es/db/index.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>OeuEXPA-12

MVIIGIVYAVFLAMVSSVHGYGGWINAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSQGY
GTNTAALSTALFNGLSCGSCYEVKCVNDGKWCLPGSIVVTATNFCPPNNALPNN
GGWCNPLHHFDLSQPVFQHIAQYRAGIVPVA YRRVPCRRRGGIRFTINGHSYFNLVL
ITNVGGAGDIHTVSIKGSRTGWQPMsrNWGQNWQSNsYLNQSLsFKVvAGDGRSI
VSYNVAPPSWSFGQTYTGGQFN*

CDS (coding sequence)

>OeuEXPA-12

ATGGTAATAATTGGAATTGTTTATGCTGTTTTCTTGCAATGGTATCATCTGTCCA
TGGTTATGGAGGGTGGATTAATGCTCATGCCACCTTCTATGGTGGAAGTGATGCC
TCTGGAACAATGGGTGGAGCTTGTGGTTATGGAAATCTGTACAGCCAAGGGTATG
GTACAAACACTGCAGCACTGAGTACAGCTCTGTTCAACAATGGGCTTAGCTGTGG
TTCATGTTATGAAGTCAAGTGTGTGAATGATGGGAAATGGTGCTTGCCAGGGTCC
ATTGTGGTCACAGCCACCAATTTCTGCCCACCAATAACGCCCTCCCAAATAATG
CAGGAGGATGGTGCAACCCTCCCCTGCACCACTTTGATCTCTCCCAGCCTGTCTTC
CAGCACATTGCACAGTACAGAGCTGGAATTGTCCCTGTTGCTTACAGAAGGGTGC
CCTGCAGGAGACGAGGTGGCATAAGGTTACCATAAATGGTCACTCCTACTTCAA
TTAGTACTCATAACCAATGTTGGTGGTGTGGTATACATACAGTGTCCATCA
AAGGGTCGAGGACTGGTTGGCAGCCGATGTCAAGAACTGGGGACAAAATTGGC
AAAGCAACTCTTATCTTAATGGCCAAAGCCTCTCGTTTAAGGTCGTTGCTGGTGT
GGCAGAAGTATAGTATCCTATAATGTTGCACCCCCGAGCTGGTCTTTTGGACAGA
CCTACACTGGAGGGCAATTCAATTGA

Nucleotide

>OeuEXPA-12

ATGGTAATAATTGGAATTGTTTATGCTGTTTTCTTGCAATGGTATCATCTGTCCA
TGGTTATGGAGGGTGGATTAATGCTCATGCCACCTTCTATGGTGGAAGTGATGCC
TCTGGAACAATGGGTACGTTTAGCCTTGCTTCAAAGCGTCTTTTTTTTTCTTGTGCT
TTTCGACTTCAAATTGGATTTGGACTTGGCAGGTGGAGCTTGTGGTTATGGAAAT
CTGTACAGCCAAGGGTATGGTACAAACACTGCAGCACTGAGTACAGCTCTGTTCA
ACAATGGGCTTAGCTGTGGTTCATGTTATGAAGTCAAGTGTGTGAATGATGGGAA

ATGGTGCTTGCCAGGGTCCATTGTGGTCACAGCCACCAATTTCTGCCACCAAAT
AACGCCCTCCCAAATAATGCAGGAGGATGGTGCAACCCTCCCCTGCACCACTTTG
ATCTCTCCAGCCTGTCTTCCAGCACATTGCACAGTACAGAGCTGGAATTGTCCCT
GTTGCTTACAGAAGGTATGCTTAACCAGTGCCTTCAGTATAACATTGAATTTAGG
AAAATCGACCTATATTGTGGGCCAACAGAAGGAAAAAAAAAAATCCCCTGAACC
TAGATAGGTAAATTTTCTGTTTGTGGTCCATGGTTCATAACCAGTTTTTCTCTTTCA
AAATAAGACCCTCAACATTTCTGCTTATGGTCCCCCTTTGTGTATTAATAATATT
TACTGCAAATATTTCTTTTTGCTGTCTTAATTTATTGGGCTATGTGGAGTATAGCT
AACTGTACACTTGTTCCTCAAATGCATATTTATATACGGTATTCTAAAAGGCGT
AATACGTGACGATGCGTGAAGGCTAAATTATGGGCTAAGCAAGCTTAGGCAAGA
CATTAGTGTAATAAAAGCGTAAAAATGTGATTTCTTATTTGAATAGTATTTAATT
ATTGATCAATCAAAAAAAAAAATCATTAAATGACTAAAATAATACATACCAAAC
ATCTAAAATAGATTTATAGGAACCTTTGTACATTTTTTTCAAAGTTTCCAACAAAA
AATAACTTTCAAATATAAATATTAATAGTAAATAAATAGGAATTTTTGGGAGTT
TTCCTTTATTCAAGGTTTCAAGCGGCTGTTTTGAATATAAAGCAGACGAAGTGAA
GAAATAAGCTTTTAACTTAAAAGAGTTGTAATTTTCTATTTTTTTTTTATATTTT
TAAAAAAGAAGAAGATAAATGCATGCCTAGTGGTCAACAATAAGACACAAA
GCCACTTGGCTAGGCATTTTCGCTAAGCATCGCGCCTATGCAGTGCCTTTTAGAA
AGATGTTTATAGGCATATCTTGACTTCAACAAGAGTATGTAAGTACTCCATATGT
CTATAAGATTGTCATCATTCTTAAAAAAGCGAGTGGATTTGCTCTCATTTTCAGGG
TTGATTACTCTAAACCCGTGTGTTTTTGTCTCATTTTGTGGTAGGGATTACTGGATG
GCGCTTGATCCATAACATATCTAGTGTAGTTACTCTTTTTAATATCAATAGAACAT
ATCTCAACTCTTCTTTATGAAACTAACTGTCTTCACTTTAATTTGCAGGGTGCCT
GCAGGAGACGAGGTGGCATAAGGTTCCACCATAAATGGTCACTCCTACTTCAATTT
AGTACTCATAACCAATGTTGGTGGTGTGGTGATATACATACAGTGTCCATCAAA
GGGTCGAGGACTGGTTGGCAGCCGATGTCAAGAACTGGGGACAAAATTGGCAA
AGCAACTCTTATCTTAATGGCCAAAGCCTCTCGTTTAAAGGTCGTTGCTGGTGATGG
CAGAAGTATAGTATCCTATAATGTTGCACCCCCGAGCTGGTCTTTTGGACAGACC
TACTGGAGGGCAATTCAATTGA