

IDENTIFICATION

Species: *Phalaenopsis equestris*

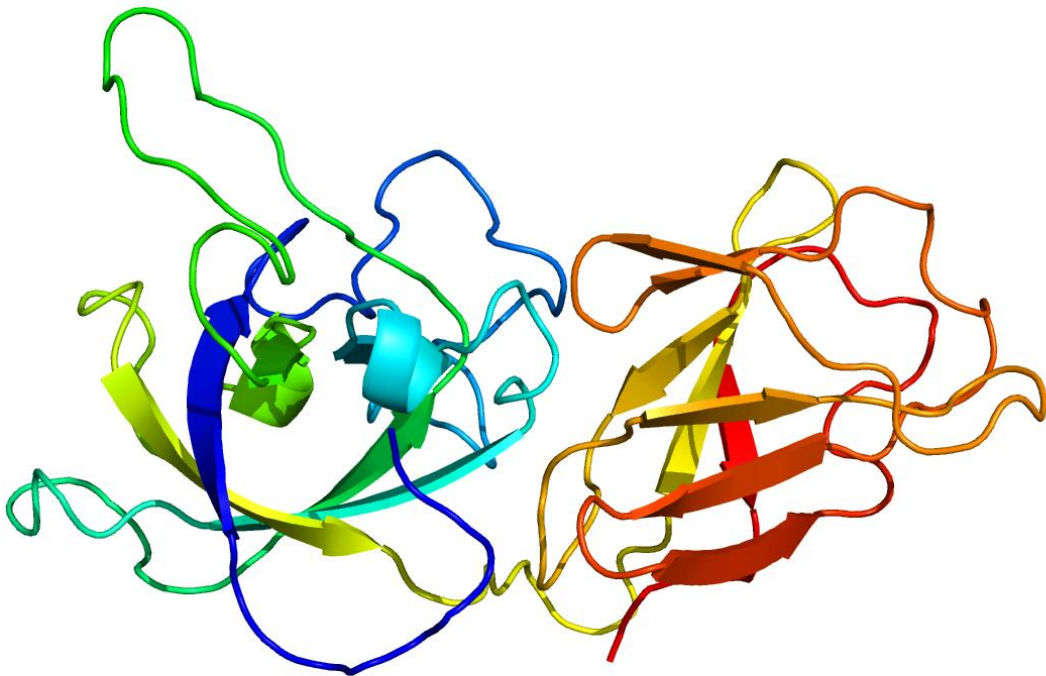
Locus: XP_020571641

Gene Model: XP_020571641.1

Description: PeqEXPA-03

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Phalaenopsis+equestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05601>

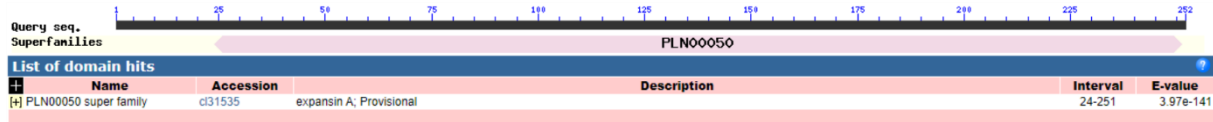
EXTERNAL RESOURCES

http://orchidbase.itps.ncku.edu.tw/est/Phalaenopsis_2019.aspx

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PeqEXPA-03

MEITSLSFLFAVLLPLLSPSLAYGVGEGWSDAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYS
QGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEIRCVNEHQWCLPSSIVVTATNFCPPNNALPN
DAGGWCNPPLQHFDLSQPVFQRIAFYKAGIVPVSYRRVPCRRRGGIRFTINGHSYFNL
VLITNVGGAGDVHAVSVKGSRTDWQPMSRNWQNWQSNFLDQSLSFKVTTS
RTVISSNAAPPNWSFGQTFSGAQFH

CDS (coding sequence)

>PeqEXPA-03

CGACATCTCACCTTGCGTTCTCCTTTTACCGAGGATGCCAACAAAACCTGTGATCTT
TCAAATATCAAACCGCCAGAATAGCCACAAAGGAGCTCCCTTTTCACCCAAAGC
TTACAGCTTTCATCGAATTGTCCATTCCTGAGTCCTTATTTCTGTCCAAACCTCTAT
TTAATCCCCATTTCTCTTCCCCTTCTCCGCCACAACCGTTCTCTTTCATCCCCACA
TTTTCTTCAGCATGGAGATAACTTCTCTCTCATTCTCTTTGCTGTTCTTCTACCTT
TGCTGTCTCCTTCACTTGCATGATGGGGTAGGAGAAGGCTGGAGCGATGCTCATGC
CACCTTCTATGGAGGGAGTGATGCATCAGGCACAATGGGCGGTGCTTGTGGTTAT
GGGAATCTCTACAGTCAGGGATACGGAATAACACCGCAGCTCTGAGCACTGCTC
TCTTCAACAATGGCCTCAGCTGTGGCTCTTGTTATGAGATTAGGTGCGTTAACGA
GCACCAATGGTGTCTTCCAAGCTCCATTGTCGTCCTGCGACCAACTTCTGTCCGC
CAAACAATGCTCTTCCAAACGATGCCGGAGGCTGGTGCAATCCTCCGCTCCAGCA
TTTCGATCTCTCAGCCTGTTTTCCAACGATTGCTTTTTACAAGGCTGGAATTGT
GCCTGTTTCTTACAGAAGAGTTCCTTGTAGGAGAAGAGGAGGCATTAGATTCACC
ATTAACGGGCACTCCTACTTCAACCTGGTCCTAATCACCACGTCGGCGGAGCCG
GCGATGTTACGCGGTGTCCGTAAAGGGTTCAAGAACTGATTGGCAGCCCATGTC
CAGAACTGGGGACAGAACTGGCAGAGCAATTCCTTTCTTGATGGCCAATCACTC
TCCTTCAAAGTCACCACCAGCGATGGGCGCACTGTAATCTCTTCCAACGCTGCAC
CACCAAACCTGGTCCTTTGGCCAGACTTTCTCTGGCGCTCAGTTCCATTGAAGCTAG
CTGCTCTTATCTGACTGTTTCTCTATATGTTTTGCAATTAGTGTGTTTTATGTAGAT
GGTATTGTGAGAAGGGAAGGGGGGCTTGTTTTAAGATGGCTCTTTGAAGTGTAGA
TGGGAATTGAAGTTGTGTGGGAGGAGGAGAGGGAGCAGAGGTGGACTGATTTAT
CTTCAGCACCCGCTAATCTCTCCTTTGGATTGTTGTGGTATCTTTACTGTGGATTTG
TGGAAGCCTCGTGGGAGTTTTTTTAGTGATTATTGTATCACTTTCAGCAACTTGCT

GAGTATGATTAAGCCTGTAATTGAATTTTAATTTAAGTACTGGAATTCGGATTCTG
ATT

Nucleotide

>PeqEXPA-03

TTTTAAAAATCCAAATTGCATTAAGTTTCAAGAATTTAATGCATACCGTTCCATCT
AAAGATGCCACTAAGAAGTATATCAGCCTCCCACTGAATCGCTACAAAAATCAA
ATTAAATAAATGCCACCAAAAACTGATTTATTTTAAAAATCTAAATTGCATTTTA
AGAATTTAATGCATACAATGAAAACTTTTCTATTTACTTATCAAATATTTAAAAT
ATTATTTATATATATATATATATATATATGTCATTTTACACACATGACAGTTGTATTTTAT
TCTTTTTTAAAAATATAAATTAATGATATAAAAGATTTAGATGAATTAATGTAAA
AAAGGAAAAGTACATCAGTTAGATATGTAAATGTAGAAATTAGTTGGTATCAACC
TAACAGTAATTGATTTTTTTTTTTTTCCCGAAGTGAAATGTCTTGAAGTATTAACCG
CTCCAAGAGTTCAAATTCAAGGGTATTTATCTCTCCGGCATCTTCTTTTTTCTCTGTC
GACATCTCACCTTGCGTTCTCCTTTTACCGAGGATGCCAACAAAACTGTGATCTTT
CAAATATCAAACCGCCAGAATAGCCACAAAGGAGCTCCCTTTTCACCCAAAGCT
TACAGCTTTCATCGAATTGTCCATTCCTGAGTCCTTATTTCTGTCCAAACCTCTATT
TAATCCCATTTCTCTTCCCCTTCTCCGCCACAACCGTTCTCTCTTCATCCCCACAT
TTTCTTCAGCATGGAGATAACTTCTCTCTCATTTCTCTTTGCTGTTCTTCTACCTTT
GCTGTCTCCTTCACTTGCATATGGGGTAGGAGAAGGCTGGAGCGATGCTCATGCC
ACCTTCTATGGAGGGAGTGATGCATCAGGCACAATGGGTACGGTACTCTTTCTTC
TTCTCTTCAACTTCTAATCTTTTTTCCCTTCTGCAACTCCTAAAACCTGTGTTTTTTCCCT
TCCCTTTTATTTAGGCGGTGCTTGTGGTTATGGGAATCTCTACAGTCAGGGATACG
GAACTAACACCGCAGCTCTGAGCACTGCTCTCTTCAACAATGGCCTCAGCTGTGG
CTCTTGTTATGAGATTAGGTGCGTTAACGAGCACCAATGGTGTCTTCCAAGCTCC
ATTGTCGTCACTGCGACCAACTTCTGTCCGCCAAACAATGCTCTTCCCTAACGATGC
CGGAGGCTGGTGCAATCCTCCGCTCCAGCATTTTCGATCTCTCTCAGCCTGTTTTCC
AACGTATTGCTTTTTTACAAGGCTGGAATTGTGCCTGTTTCTTACAGAAGGTGAGCC
CCTGTTTTGGCTTTGTTTTGTCTCTGTTTTTTCCCTCTGTTTTATATTTTGTAAGACC
TTTTTAAGTTCTGTAAACGGATTA AAAAGATTAAGGCAATGATTAGA ACTGCTA
TTTTAAGACTTGCTTCAGAAAATTTAACTATGGTTCTTAAAAAAAAGAACTT
TGAGATCCAAGCCCCTAAAAAACTATTCCTTTAAGTGGGGCTTTGTGAATATT
TTAAAATATTTCCAATTATGATAATTTTTTTGTATGGATATGAAAAAACTACTCTA
CTTTACGAATTTTGTCTTCTTCCCTCAAATTTTAAATTTTGAACAGAACAGTGAAA
TAATTTCTGAAAGATTTAAAAACATTATTTGGAAGATTTACATATATATCCCTAAA
TTCCTCTTTATTTACATATCTAAATCCTAAACCTCAATTTTTTTTTTGACATAAGAAT
GAAAAGGTATTTTTCTTTCGCAGAGTTCCTTGTAGGAGAAGAGGAGGCATTAGAT
TCACCATTAACGGGCACTCCTACTTCAACCTGGTCCTAATCACCACGTCGGCGG
AGCCGGCGATGTTACGCGGTGTCCGTAAAGGGTTCAAGA ACTGATTGGCAGCCC
ATGTCCAGAACTGGGGACAGA ACTGGCAGAGCAATTCCTTTCTTGATGGCCAAT
CACTCTCCTTCAAAGTCACCACCAGCGATGGGCGCACTGTAATCTCTTCCAACGC
TGCACCACCAA ACTGGTCCTTTGGCCAGACTTTCTCTGGCGCTCAGTTCATTGAA
GCTAGCTGCTCTTATCTGACTGTTTCTCTATATGTTTTGCAATTAGTGTGTTTTATG
TAGATGGTATTGTGAGAAGGGAAGGGGGGCTTGTTTTAAGATGGCTCTTTGAAGT
GTAGATGGGAATTGAAGTTGTGTGGGAGGAGGAGGGAGCAGAGGTGGACTGA
TTTATCTTCAGCACCCGCTAATCTCTCCTTTGGATTGTTGTGGTATCTTTACTGTGG

ATTTGTGGAAGCCTCGTGGGAGTTTTTTTAGTGATTATTGTATCACTTTCAGCAAC
TTGCTGAGTATGATTAAGCCTGTAATTGAATTTTAATTTAAGTACTGGAATTCGGA
TTCTGATTTGGTTGATGCTGCTGTGGTTTTTCCTTTTTGTTAGATTTGTGTGGGTTT
GCTTTGATTGAATATGATTATGGATATGATGTAAATATAAACAAAGCCAAACATG
ATTGCAAGATCGATTTTTTATTTGGCTTTGCAAGATTGATTTTTTATTTGGCTTATT
AAATAAATGGGATTGTGAAAGCAAAATTTGACCTAAAAATGTCTTTTTTTGACCAT
CCTACATAAGGTTTTTTGTATTTTTCTTGAAAGGTTTTTGTATTTGAATTCGCGGAA
TAAAAAAAGTTCTTTTTCTTTTTTATTATTTTGGAGGCTGTGAAAATTAGTGTGG
TGGGTCTCTTAATTAAGAAAAAAAATATACCTATTCTAACAAGCCCAAGCTTGA
GTGAGCTTCGACTCGTTTGGATCAATTATATTTGAAATTAGATCCTTCGAAGCTAC
TCATGGTCGAAGCTACTCATGGTGTGATATATTTGAAATTAGATCCTTCGAAGCT
ACTCAT