

IDENTIFICATION

Species: *Solanum pennellii*

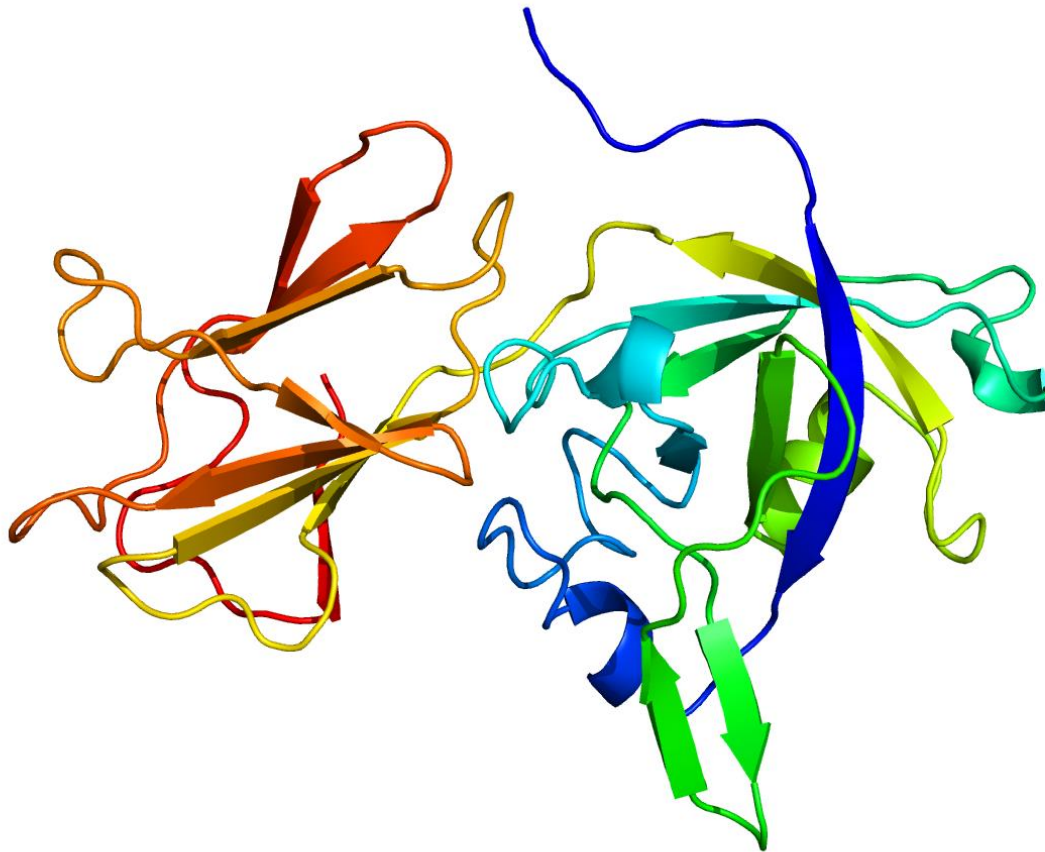
Locus: XP_015055190

Gene Model: XP_015055190.1

Description: SpnEXPA-24

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

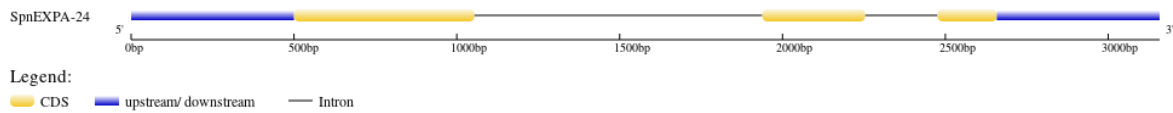
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Solanum+pennellii>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04130>

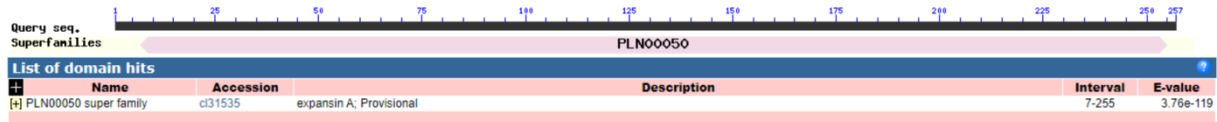
EXTERNAL RESOURCES

https://solgenomics.net/organism/Solanum_pennellii/genome

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SpnEXPA-24

MAVTWMFCIASLLSFLTIVESKVRGVYTAGPWQSAHATFYGGSDASGTMGGACGYG
NLYSTGYGVNNAALSTVLFNSGLSCGACFEIKCTDEKWCNPGNPSIFVTGTNFCPPNY
ALPNDNGGWCNPPRPHFDLSMPVFLKIAQYQAGIVPVTYRRVPCKKQAGIRFTINGF
NYFNMIIVTNVAGAGDIQQVQVKGTNTKWIIMSRNWGQNWQSNAMLTGQALSFKV
KTS DhRYVTSYNVAPSNWQFGQTYEGKNYRV

CDS (coding sequence)

>SpnEXPA-24

TTACCCAAATTATCATACATTTCTATTCAAAAAAATGGCTGTAACCTGGATGTTTT
GCATTGCTAGTCTTCTCTTTCTTGACGATCGTCGAATCAAAGGTTTCGCGGTGTT
TACACCGCGGGTCCTTGGCAGAGCGCTCATGCCACCTTCTATGGTGGCTCTGATG
CCTCTGGCACTATGGGTGGTGTGCTTGTGGATATGGAAATTTGTACAGCACAGGATA
CGGAGTGAATAATGCAGCACTGAGCACAGTACTTTTTAATAGTGGACTAAGCTGT
GGTGCTTGTGTTTTGAAATAAAATGTACCGATGAAAAATGGTGCAACCCGGGTAACC
CATCCATTTTCGTAACGGGTACAAATTTCTGCCCGCCAAATTACGCTTTGCCTAAT
GATAATGGAGGTTGGTGAACCCGCCCGCCCATTTTCGACCTTCCATGCCCG
TGTTCTCAAAATTGCACAGTATCAAGCCGGTATCGTCCCAGTTACCTATCGAAG
GGTCCATGCAAAAAACAAGCAGGAATAAGATTCACAATCAACGGTTTCAATTAC
TTCAACATGATCATAGTGACTAACGTGGCAGGTGCTGGTGATATCCAGCAAGTTC
AAGTTAAAGGTAATAACCAATGGATAATTATGAGTCGAAACTGGGGGCAAA
ATTGGCAATCCAATGCCATGTAACTGGTCAAGCACTTTCATTTAAAGTCAAAAC
AAGTGACCATCGCTATGTTACCTCATAACGTGGCACCTTCTAATTGGCAGTTTG
GACAACTTATGAAGGCAAAAATTATCGAGTTTAAAATAAAATTTACCTCACAAA
TTGAAAAGAAATAAATACTATACTATACTTATTAGTACCCCTACCTTCAAT
TTTTCTTTTTTTAATGAGATAAATTATAGGTATACGTGGAATTAGTTTATTTTCAT
TTTATTTTTATTTTTTTAAGATGTTGATGTGGTTGCAGAAGGATTAATATTAGAAT
TAAATGTAGCCAACAGTTCTATTTAATGTAATGGGAATAATTATATATTGTCTA

Nucleotide

>SpnEXPA-24

TTACTGTTCTATTTGAATCTTGATATATCATCATGTTTTATGTATCATGGTTAGCTT
TAGTCCAACAATCGATATCACAGTCAATGATTTAGCAGGACGAATATAAAAATGA

CATAATAATCATAATCAATGATTTAGCGAGACAAATATGAAAATAACATAGTGAC
TCGATGGGGCTCGTCTTACAACCTTTGCCATCTATGGACCATCACTATCTTACCGT
AGCTTGGAGATGCATACACACAAAAAAAAGTTTTTTGAGCTTTGTCGTTCTTTA
ACACACTATCAATGTTGGTGACACGCAATCTGTACAGATTAGTTCATGAATCTTG
GCGATAAGTATGTAGAACTACGTTTATAAGCATACTTTTGATGTTGTTGACACGT
AATATCTCCAGATTAATTCATGAATCTTGCTGATGGATACGTAAAACCTAATTCG
AGGTAGAAATTATATCTAAAAAATGATAAGAGACTATATGTTATACTCATTATT
CATAGACAATATATAATTATTCCCATTACATTAATAGAACTGTTGGCTACATTTT
AATTCTAATATTAATCCTTCTGCAACCACATCAACATCTTAAAAAATAAAAAATA
AAATGAAAATAAACTAATTCCACGTATACCTATAATTTATCTCATTAAAAAAGAG
AAAAATTGAAGGTAGGGGTAATAAAGTATATAGTGTATAGTAATTTATTTCTT
TTCAATTTGTGAGGTAAATTTTATTTAAACTCGATAATTTTTGCCTTCATAAGTTT
GTCCAAACTGCCAATTAGAAGGTGCCACGTTGTATGAGGTAACATAGCGATGGTC
ACTTGTTTTGACTIONTAAATGAAAGTGCTTGACCAGTTAACATGGCATTGGATTGCC
AATTTTGCCTCCAGTTTCGACTCATAATTATCCATTTGGTATTAGTACCTTTAACTT
GAACTTGCTGGATATCACCAGCACCTGCCACGTTAGTCACTATGATCATGTTGAA
GTAATTGAAACCGTTGATTGTGAATCTTATTCCCTGCTTGTTTTTTGCATGGAACCC
TGTTATTTCAAAGCAAAATGGTTATATATATGATACGATATCAGGTTACTCAAAA
GATATTTATCGATATCATAAATAAAATTATTGCCTCTAAAATTATAATGATATGA
AGAAAAGCAAAATTATTTCAATACGAAAGCATCCTCCCTTCTTTAAAGAGAGAGA
CATTATAACATGTTACATGAAGATTTTCTTAAGGATTAGTATAAAAATCTACAGA
AACTTCTCTTTCTGCAAATTTTCATACTAATTCCAGGTAAGATCACCTTTTCTT
ACAGTGCATACATTTATTCACATTTTCAGTTGATGATTAAGATTGAACCATAACTG
ATCGGAGCAAAGAGTTTTAAGGGAAAGATTGATAATATAAAAAAGTATTTTTCAA
AAAAGACCATTGAAATTCATATTTAGTTCTTTATTATATGTATATATAATATATA
TTATAAATTTTAAGCCGAAGATCTCATTACATCTTATATGACATCTGTTGTACTT
CTTCGGACACCAATAAGGTAAGAAGCTACTCTAGTCGATCTAATTCAGAGGATC
CACTTATTTATTAGATAGGTGAAAAAGATGTTTAAAAGTTTAAATCATATTTGCA
ATCTTATTCATTGGCTTCATAGAGTAATTTTTTTTTTATATATACAAGCGAAATATA
TAACTTAAATCATATAAATTAACAAATCAATTAAGTATAATAATTAATTAGTTA
AAAATAGTGAGTGCATCTACGTACCCAAGTTGCACCACTTAAATCAATCCTTTTG
ACTTAAGTTTTACGTAAGAATTTTTATTTTATACTATAATTGAATCTTGTTTATA
ATAGCGAGATTAATTATCATTTTTATCAGATTATCAATTATTACGACTAACCTTCG
ATAGGTAACCTGGGACGATACCGGCTTGATACTGTGCAATTTTGAGGAACACGGGC
ATGGAAAGGTCGAAATGGGGCCGGGGCGGGTGCACCAACCTCCATTATCATT
GGCAAAGCGTAATTTGGCGGGCAGAAATTTGTACCCGTTACGAAAATGGATGGG
TTACCCGGGTTGCACCATTTTTTCATCGGTACATTTTATTTCAAACAAGCACCACA
GCTTAGTCCACTATTA AAAAGTACTGTGCTCAGTGCTGCATTATCACTCCGTATC
CTGTGCTGTACAAATTTCCATATCCACAAGCACCACTGATATACGGAAAACATA
AAATTTATAATCTTAAAAAAGTATATACGCTATCAGGTCATTAGAAATAT
ATATAATTGTTTATAAAAATGCAAACCATATAGTTGTAAACGTATTTGATTGATC
TATCACGCTCTTTAATTCTAGATTAAGGTGAATGAGCATTTCATGTTTAAAATTTT
TGAGTTTATTATTTTATAAAAATGAATAAGATACGTACCCATAGTGCCAGAGGCAT
CAGAGCCACCATAGAAGGTGGCATGAGCGCTCTGCCAAGGACCCGCGGTGTAAA
CACCGCGAACCTTTGATTCGACGATCGTCAAGAAAGAGAGAAGACTAGCAATGC
AAAACATCCAAGTTACAGCCATTTTTTTGAATAGAAATGTATGATAATTTGGGTA
ATTTTGTGTGACAATGGATATAGTAGTAAGGAGGAAAAATGGAGGTATTTAATAA
CAAGTGCATGGCTTGTCTAATGAGCTACTATTTTTTTTATATAATAATATATTGT
ATAGTATATGTTAATTATTAGTATTATTTTTTTTTTATGTCAGAAACGTAGAGTAGC
AATATTTATCATGGCTTATGGAGTAAAAAGGAAAATACTACAATATGTGGTATTC

ATAACAAGTATACATGTGAGTTGCACGTGGTGGTGAGGATACCTAGCTTTGGCAC
ATGGTAATGTTTTTAATGATATATGCCTTAGTTTATGACAAATATATGGACGACG
ATAATATTTTTTAAGTTTTTCATGTTTGATTAGGTGAAATATAGGGAAAATAATTA
GTTTGATAAGTACCATTTACAGTCGATTGTGTCTTTTTTGGCCTCCAACGATACA
CCTCATTTTCACTCCACTCCCGTATAGTGTGATCTCTTGTTCTACTCCTCCTATTA