

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

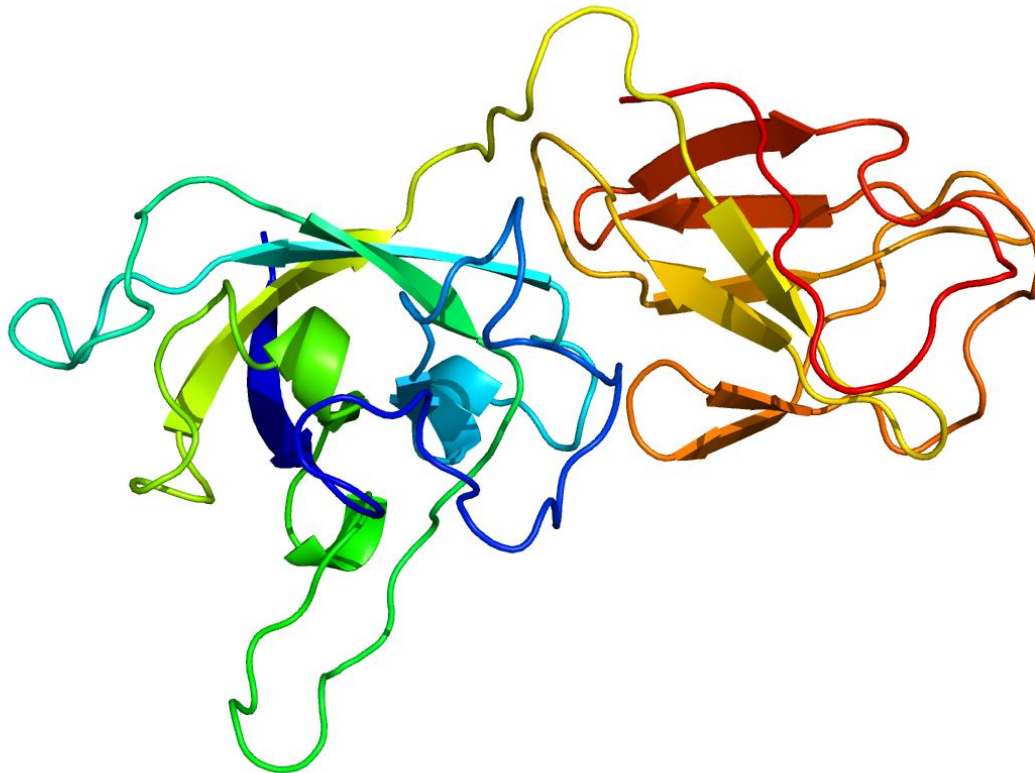
Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA22503

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA22503

Description: TprEXPA-15

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

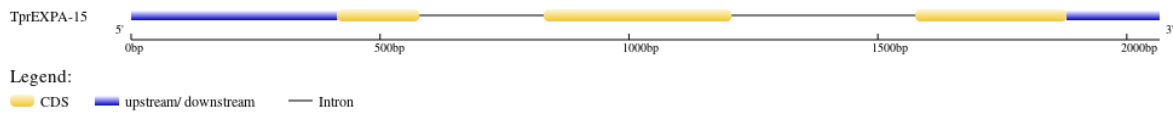
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

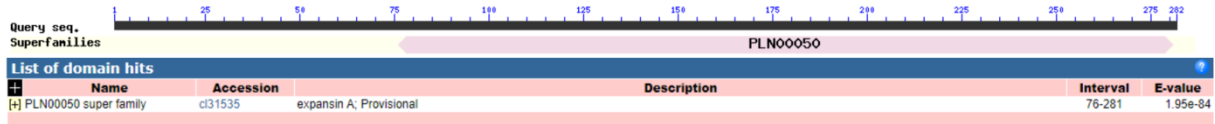
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXPA-15

MGSLQSTFLYLILLHSLNIIAAFEDQEWKKATATYAKDTEGSLITGTS LAPPLVLHKN
NINSLVLSNVHGCCCAEGACGYGDLHKASYGKHSVGLSTILFNRGSTCGACYEIRCV
DHILWCVLGSPS VIVTATDFCPPNYGLSIDYGGWCNFPREHFELSQTAF AEIAKRKADI
IPIQYRRVKCERSGGLKFTMSGSSHFYQVLITNVGLEGEVFAVKVKGSRTGWIPMAR
NWGMNWHCNVNLQHQP LSFVTSSTGKTLTSYNVAPQNWQFGQTFQ GKQF*

CDS (coding sequence)

>TprEXPA-15

ATGGGTTCTCTTCAGTCCACATTTCTTTACTTGATTTTATTACACTCACTCAACAAC
ATTGCTGCTTTTGAGGATCAAGAATGGAAGAAAGCCACTGCAACTTATGCCAAAG
ACACAGAGGGATCTCTCATTACAGGTACTTCACTTGCTCCTCCCTTGGTTCTTCAC
AAGAACAACATTAACAGTCTTGTTTTGTCAAATGTACATGGTTGTTGCTGTGCAG
AAGGAGCTTGTGGTTATGGAGATCTACACAAGGCTAGCTATGGAAAACACAGTG
TTGGATTAAGCACAAATTTGTTC AACAGAGGAAGTACATGTGGTGCTTGCTATGA
GATAAGATGTGTTGATCATATTTTGTGGTGTGTGCTTGG AAGTCCTTCTGTAATTG
TACTGCAACTGATTTCTGTCCTCCTAATTATGGACTCTCAATTGATTATGGTGGC
TGGTGTAAC TTTCCAAGAGAACATTTTGAGTTGTCACAACTGCATTTGCTGAAA
TTGCCAAGAGGAAAGCTGATATTATCCGATTCAATATCGAAGAGTGAAGTGTGA
AAGAAGTGGTGGCTTGAAATTCACAATGAGTGGAAGTTCTCATTCTATCAAGTC
CTAATAACTAATGTAGGGCTAGAAGGTGAAGTGTTTGCTGTGAAAGTGAAGGGA
TCAAGAACAGGATGGATAACCAATGGCAAGGAATTGGGGAATGAATTGGCATTGC
AATGTAACTTCAACATCAGCCTTTATCTTTTGAGGTAACCAGCAGCACTGGAA
AAACACTCACATCTTACAATGTAGCACCACAAA ACTGGCAATTTGGACAGACATT
TCAAGGAAAACAATTTTAG

Nucleotide

>TprEXPA-15

AACACTTCATGATCCTACTGCCAAAATCCTTCTAAGGTGTTTTTATTTGAAATATT
TTTATTTTAAAAATAAATAATAGAAGTATATTAATAACATCATTGAGTAGGAT
TAAACTTAATTAATTGAAATCTTTAATATTTAAGATAGTGTTTATTTTTTAAAT
ATTTTAATAAAAATAAAGTATTA AATTGTTTTTTTTGGAAGAAAAGTAAACCTAGTA

TTCCAATGGTAAAGTTTGTCAACACTCATATCTCAATCTAGCAAGTAGATCATCCT
CATTTGCAGTTAGAAAAAGAACCACCTTTTTCTATCTTAGTCCAACATATGACAAA
AACACAAAACACACTTAAAAGTAAATTATTTCAATTTAAAGTTAAGTGTTAATAA
TCAGCTTCCAAATGCTGTAGTCTAAAATGGGTTCTCTTCAGTCCACATTTCTTTAC
TTGATTTTATTACACTCACTCAACAACATTGCTGCTTTTGAGGATCAAGAATGGAA
GAAAGCCACTGCAACTTATGCCAAAGACACAGAGGGATCTCTCATTACAGGTACT
TCACTTGCTCCTCCCTTGGTTCTTGTATATTTTTGGTTGAACCGTTTGGCATCATGT
TGGATATGCCAGAATCTCAGAAGCTAAAGAGTGTAGCTTTTGAAAATTCACGGTG
GATCGCCGTGATGCTGACATATTCACCGTGATACTAAACACACACTAAAAAAGAT
TAGTAACTAGAAGAAATCCGGGTTCAAACCTCTGGTCTCTCCATATAAAAATGCAAT
ATTCCTACTGATTGAGCTATGCTTACGCAGCAGGTTGTTGTATATATTATAGCACA
AGAACAACATTAACAGTCTTGTTTTGTCAAATGTACATGGTTGTTGCTGTGCAGA
AGGAGCTTGTGGTTATGGAGATCTACACAAGGCTAGCTATGGAAAACACAGTGTT
GGATTAAGCACAATTTTGTTC AACAGAGGAAGTACATGTGGTGCTTGCTATGAGA
TAAGATGTGTTGATCATATTTTGTGGTGTGTGCTTGGAAGTCCTTCTGTAATTGTT
ACTGCAACTGATTTCTGTCCTCCTAATTATGGACTCTCAATTGATTATGGTGGCTG
GTGTAACCTTTCCAAGAGAACATTTTGAGTTGTCACAACTGCATTTGCTGAAATT
GCCAAGAGGAAAGCTGATATTATTCCGATTCAATATCGAAGGTAGATAACTTTTT
AACAGTGTTTTTGGCTACGAAGCACAAACATAGCACACCGACACGTCGACACCA
ATAGTTCAATGCAATTATAAGTGTTAGTATTTATGAAGCACAGACACCTCTGTGA
TTAGGCATGTCGCGGTGTCTGACACGCATATGACACTCGTACAACACGTGTCAGT
TAGCTTAGACAGATGTCCTTTACTTTGACACTCTTTGGATCGATGTCCAACACCTG
TAAGACATTCGTACGACACGTGTCAGACAAATTCAGAAAAATTATGTTTTTTCTTT
GTTGCTATTCTTCTTAGACACACATCAGACATATCTACAAGAAGTTAATTTCAATTT
GTATTTGTGCAAATGTGATGCAGAGTGAAGTGTGAAAGAAGTGGTGGCTTGAAAT
TCACAATGAGTGGAAGTTCTCATTCTATCAAGTCCTAATAACTAATGTAGGGCT
AGAAGGTGAAGTGTTTGTGTGAAAGTGAAGGGATCAAGAACAGGATGGATAACC
AATGGCAAGGAATTGGGGAATGAATTGGCATTGCAATGTTAACCTTCAACATCAG
CCTTTATCTTTTGGAGTAACCAGCAGCACTGGAAAAACACTCACATCTTACAATG
TAGCACCACAAAACCTGGCAATTTGGACAGACATTTCAAGGAAAACAATTTTAGGC
TTTTAATATGGTTACATTTAGGGATCTATATAGGATAAGCTACAACGAATGATTC
ATGGAATTATGATAGACCATGAGTAAGTATATTTGTTTCATGATTCATGATCAAAG
AATGGTTCAAGTGTGGTTGAAAATGATAGTTAAAGAACATTTTGTGAATTATAGT
ATTAAATTTGTTGACGATTT